

Liste de prix pour les analyses au Répertoire québécois et système de mesure des procédures de biologie médicale, édition 2026-2027

Coût unitaire au AS-471 - incluant le taux horaire et les autres dépenses, Taux circulaire MSSS ANNEXE 1 à la Circulaire 03.01.42.19 (si applicable) et multiplicateur de 2 (si applicable)						Multiplicateur : 1,24	2,16	4,32
Nous effectuons ces analyses et la facturation seulement après la conclusion d'une entente signée avec notre client						Analyses demandées par un laboratoire faisant partie du réseau de la santé et des services sociaux du Qc et qui ne peut pas effectuer les analyses prévues à son menu analytique	Analyses demandées par un laboratoire public du service de santé d'une province canadienne	Analyses demandées par un laboratoire privé ou pour un usager n'ayant pas de NAM avec une ordonnance d'analyses d'un prescripteur affilié à la RAMQ
LÉGENDE DES MODIFICATIONS C= Procédures modifiées N= Procédures ajoutées N* = Procédures ajoutées lors de la mise à jour de mi-année.								
Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
10000	C	B. S. générale	Agglutinines froides (dépistage) (qualitatif) autocontrôles inclus	Local	5,1	6,324	11,016	22,032
10001	C	B. S. générale	Agglutinines froides (titrage par amplitude thermique) autocontrôles inclus	Local	68,0	84,32	146,88	293,76
10002	C	B. S. générale	Agglutinines froides (titrage) (quantitatif) (autocontrôles inclus)	Local	35,0	43,4	75,6	151,2
10007	C	B. S. générale	Anticorps irréguliers (identification manuelle)	Local	45,0	55,8	97,2	194,4
10008	C	B. S. générale	Allo ou auto adsorption à chaud	Régional	73,0	90,52	157,68	315,36
10009	C	B. S. générale	Allo ou auto adsorption à froid	Régional	87,0	107,88	187,92	375,84
10018	C	B. S. générale	Centrifugation d'un culot (contexte pédiatrique)	Régional	5,1	6,324	11,016	22,032
10020	C	B. S. générale	Cellules fœtales (agglutination) (dépistage) (qualitatif)	Régional	27,0	33,48	58,32	116,64
10021	C	Héмато-cyto-chimie	Cellules fœtales (quantitatif) (Kleihauer)	Régional	46,0	57,04	99,36	198,72
10024	C	B. S. générale	Compatibilité (manuelle ou automatisée)	Local	10,4	12,896	22,464	44,928
10028	C	B. S. générale	Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (automatisée)	Local	13,0	16,12	28,08	56,16
10032	C	B. S. générale	Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube) (manuelle)	Local	11,6	14,384	25,056	50,112
10034	C	B. S. générale	Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en gel) (manuelle)	Local	7,2	8,928	15,552	31,104
10040	C	Hémato-immunologie	Différenciation IgG-IgM (dithiothréitol-DTT)	Régional	19,3	23,932	41,688	83,376
10041	C	B. S. générale	Division de produit sanguin labile		32,0	39,68	69,12	138,24
10042	C	B. S. générale	Division de produit sanguin stable ou de lait maternel	Local	16,4	20,336	35,424	70,848
10044	C	B. S. générale	Donath Landsteiner	Local	4,1	5,084	8,856	17,712
10045	C	B. S. générale	Décongélation de produit sanguin ou de lait maternel	Local	4,6	5,704	9,936	19,872
10060	C	B. S. générale	Élution	Local	72,0	89,28	155,52	311,04
10085	C	B. S. générale	Groupe sanguin ABO-Rh (automatisé)	Local	9,1	11,284	19,656	39,312
10086	C	B. S. générale	Groupe sanguin ABO-Rh (manuel)	Local	9,9	12,276	21,384	42,768
10110	C	B. S. générale	Irradiation de produit sanguin dans l'établissement	Supra	6,9	8,556	14,904	29,808
10111	C	B. S. générale	Anticorps irréguliers (identification automatisée)	Local	35,0	43,4	75,6	151,2
10115	C	B. S. générale	Investigation RhD faible	Local	41,0	50,84	88,56	177,12
10133	C	B. S. générale	Poolage produits sanguins labiles	Local	31,0	38,44	66,96	133,92
10134	C	B. S. générale	Phénotype érythrocytaire commun ou rare (patient ou du produit / par antigène / incluant contrôles) (automatisé)	Local	5,4	6,696	11,664	23,328
10135	C	B. S. générale	Poolage de produits sanguins stables	Local	19,4	24,056	41,904	83,808
10136	C	B. S. générale	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D / incluant contrôles) (manuel)	Local	14,1	17,484	30,456	60,912

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
10137	C	B. S. générale	Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel)	Local	12,9	15,996	27,864	55,728
10150	C	B. S. générale	Anticorps irréguliers (recherche manuelle)	Local	10,6	13,144	22,896	45,792
10151	C	Héмато-immunocytométrie	Recherche d'hémoglobininurie paroxystique nocturne (PNH)	Régional	158,0	195,92	341,28	682,56
10152	C	B. S. générale	Reconstitution de produit sanguin stable (ex. : facteur de coagulation, immunoglobulines, etc.)	Local	32,0	39,68	69,12	138,24
10153	C	B. S. générale	Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (carte de gel)	Local	6,5	8,06	14,04	28,08
10154	C	B. S. générale	Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (phase solide)	Local	15,1	18,724	32,616	65,232
10170	C	B. S. générale	Titration anticorps (par anticorps)	Local	56,0	69,44	120,96	241,92
10173	C	B. S. générale	Traitement cellules (méthode EGA KIT)	Régional	56,0	69,44	120,96	241,92
10174	C	B. S. générale	Traitement enzymatique (ex. : ficine) pour identification d'anticorps	Régional	127,0	157,48	274,32	548,64
10177	C	B. S. générale	Retrait de surnageant	Local	26,0	32,24	56,16	112,32
10178	C	B. S. générale	Reconstitution d'un produit sanguin labile	Local	29,0	35,96	62,64	125,28
10179		B. S. générale	Mise en seringue de produit sanguin labile	Local	34,0	42,16	73,44	146,88
10181	C	B. S. générale	Traitement enzymatique des cellules (ex. : DTT), neutralisation des anticorps monoclonaux anti-CD38	Local	122,0	151,28	263,52	527,04
10504	C	B. S. gestion	Gestion des plaquettes HLA (fait par un technologiste)	Local	52,0	64,48	112,32	224,64
10505	C	B. S. gestion	Gestion de la confirmation de l'administration ou de la transfusion	Local	3,2	3,968	6,912	13,824
10510	C	B. S. gestion	Réception et manipulation d'un échantillon non analysé à la réception (à l'usage exclusif de la banque de sang)	Local	5,3	6,572	11,448	22,896
10511	C	B. S. gestion	Émission produit sanguin labile ou stable, de tissu ou de lait maternel	Local	8,5	10,54	18,36	36,72
10512	C	B. S. gestion	Étude de don antérieur (par cas) (fait par un technologiste)	Local	12,5	15,5	27	54
10513	C	B. S. gestion	Étude de réaction transfusionnelle (fait par un technologiste)	Local	49,0	60,76	105,84	211,68
10515	C	B. S. gestion	Vigie des demandes en produits sanguins (fait par un technologiste)	Local	10,7	13,268	23,112	46,224
10531	C	B. S. gestion	Rejet produit sanguin, tissu ou lait maternel (fait par un technologiste)	Local	3,6	4,464	7,776	15,552
10532	C	B. S. gestion	Emballage de produit (labile ou stable) pour usage de produit sans transfert d'inventaire	Local	15,7	19,468	33,912	67,824
10533	C	B. S. gestion	Emballage pour expédition de produit sanguin (labile ou stable) OU retour au fournisseur	Local	10,1	12,524	21,816	43,632
10534	C	B. S. gestion	Emballage de produits pour administration à domicile et cueillette par l'usager au CH	Local	18,1	22,444	39,096	78,192
10535	C	B. S. gestion	Préparation et gestion des envois à Héma-Québec	Local	36,0	44,64	77,76	155,52
10700	C	B. S. gestion	Réception de produit sanguin labile	Local	3,5	4,34	7,56	15,12
10701	C	B. S. gestion	Réception de produit sanguin stable, tissu ou lait maternel	Local	3,5	4,34	7,56	15,12
10702	C	B. S. gestion	Mise en quarantaine et investigation (incluant chaîne de froid et retrait)	Local	9,8	12,152	21,168	42,336
10704	C	B. S. gestion	Réception don autologue	Local	18,7	23,188	40,392	80,784
10730	C	B. S. générale	Confirmation du groupe sanguin (culots globulaires)	Local	6,1	7,564	13,176	26,352
19010	C	H-Q imm. plaquettaire	Anti-HPA et HLA (dépistage et identification d'anticorps par Luminex)	Supra	421,0	522,04	909,36	1818,72
19030		Héma-Québec	Congélation de cellules souches autologues	Supra	1	1,24	2,16	4,32
19044		H-Q imm. érythrocytaire	Analyses REF envoyées à l'externe	Supra	1	1,24	2,16	4,32
19045	C	H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage érythrocytaire complet (SSO)	Supra	387,0	479,88	835,92	1671,84
19050	C	H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-2 par SSP	Supra	563,0	698,12	1216,08	2432,16
19051	C	H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-3 par SSP	Supra	561,0	695,64	1211,76	2423,52
19052	C	H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-4 par SSP	Supra	563,0	698,12	1216,08	2432,16
19053	C	H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-5 par SSP	Supra	563,0	698,12	1216,08	2432,16
19054	C	H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-15 par SSP	Supra	562,0	696,88	1213,92	2427,84
19065	C	H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage du RhD faible type 1,2,3 et 42	Supra	384,0	476,16	829,44	1658,88
19073	C	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus A basse résolution (SSO Luminex)	Supra	307,0	380,68	663,12	1326,24
19075	C	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus B basse résolution (SSO Luminex)	Supra	307,0	380,68	663,12	1326,24
19077	C	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus C basse résolution (SSO Luminex)	Supra	149,0	184,76	321,84	643,68
19080	C	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus DRB1 basse résolution (SSO Luminex) incluant DRB3/4/5	Supra	298,0	369,52	643,68	1287,36
19082	C	H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-1 par SSP	Supra	563,0	698,12	1216,08	2432,16
19085	C	H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage Rh(D), Rh(D) pseudogène par SSP	Supra	557,0	690,68	1203,12	2406,24

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
19092	C	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus DQA1/B1 basse résolution (SSO Luminex)	Supra	149,0	184,76	321,84	643,68
19095	C	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DPA1/B1 basse résolution (SSO Luminex)	Supra	149,0	184,76	321,84	643,68
19099		H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage R&D	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
19110	C	H-Q imm. leucocytaire	Séquençage HLA A, B, C, DRB1, DRB3/4/5, DQB1, DQA1, DPB1, DPA1 (SNG)	Supra	451,0	559,24	974,16	1948,32
19111		H-Q imm. leucocytaire	Analyses HLA envoyées à l'externe	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
19302		Héma-Québec	Transport du greffon CSP au CH sur demande (par greffon retourné)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
19303	C	H-Q imm. érythrocytaire	Dosage semi-quantitatif des IgA (test R&D)	Supra	630,0	781,2	1360,8	2721,6
19304	C	H-Q imm. érythrocytaire	Groupe ABO	Supra	31,0	38,44	66,96	133,92
19305	C	H-Q imm. érythrocytaire	Groupe Rh(D)	Supra	24,0	29,76	51,84	103,68
19306	C	H-Q imm. érythrocytaire	ABO globulaire	Supra	24,0	29,76	51,84	103,68
19307	C	H-Q imm. érythrocytaire	Groupe RhD 37	Supra	38,0	47,12	82,08	164,16
19308	C	H-Q imm. érythrocytaire	Groupe RhD AGH	Supra	39,0	48,36	84,24	168,48
19309	C	H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO 22	Supra	46,0	57,04	99,36	198,72
19310	C	H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO 4	Supra	46,0	57,04	99,36	198,72
19311	C	H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO sérique préchauffé	Supra	46,0	57,04	99,36	198,72
19312	C	H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO glob Hématies lavées à chaud	Supra	48,0	59,52	103,68	207,36
19313	C	H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO glob hématies enzymées	Supra	129,0	159,96	278,64	557,28
19314	C	H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO sérique sédimentation	Supra	29,0	35,96	62,64	125,28
19315	C	H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO sérique préchauffé sédim	Supra	46,0	57,04	99,36	198,72
19316	C	H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO globulaire EGA	Supra	113,0	140,12	244,08	488,16
19317	C	H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO globulaire 22	Supra	38,0	47,12	82,08	164,16
19318	C	H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO globulaire 4	Supra	38,0	47,12	82,08	164,16
19319	C	H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO sérum AB	Supra	23,0	28,52	49,68	99,36
19320	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype ABO lectine A1	Supra	24,0	29,76	51,84	103,68
19321	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype ABO lectine H	Supra	26,0	32,24	56,16	112,32
19322	C	H-Q imm. érythrocytaire	Discordance RhD Hématies lavées à chaud	Supra	48,0	59,52	103,68	207,36
19323	C	H-Q imm. érythrocytaire	Discordance RhD EGA	Supra	137,0	169,88	295,92	591,84
19324	C	H-Q imm. érythrocytaire	Discordance RhD 2 ^e source	Supra	24,0	29,76	51,84	103,68
19325	C	H-Q imm. érythrocytaire	Discordance RhD 3 ^e source	Supra	25,0	31	54	108
19326	C	H-Q imm. érythrocytaire	TDA (test direct à l'antiglobuline)	Supra	62,0	76,88	133,92	267,84
19327	C	H-Q imm. érythrocytaire	TDA tube détaillé	Supra	106,0	131,44	228,96	457,92
19328	C	H-Q imm. érythrocytaire	TDA lavé à chaud	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
19329	C	H-Q imm. érythrocytaire	TDA détaillé lavé à chaud	Supra	118,0	146,32	254,88	509,76
19330	C	H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire	Supra	676,0	838,24	1460,16	2920,32
19331	C	H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire Éluat	Supra	199,0	246,76	429,84	859,68
19332	C	H-Q imm. érythrocytaire	Test de compatibilité érythrocytaire	Supra	150,0	186	324	648
19333	C	H-Q imm. érythrocytaire	Inactivation/Inhibition	Supra	94,0	116,56	203,04	406,08
19334	C	H-Q imm. érythrocytaire	Titration 1 anticorps érythrocytaire	Supra	184,0	228,16	397,44	794,88

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
19335	C	H-Q imm. érythrocytaire	Titration 2 anticorps érythrocytaire	Supra	287,0	355,88	619,92	1239,84
19336	C	H-Q imm. érythrocytaire	Titration 3 anticorps érythrocytaire	Supra	391,0	484,84	844,56	1689,12
19337	C	H-Q imm. érythrocytaire	Titration 4 anticorps érythrocytaire	Supra	506,0	627,44	1092,96	2185,92
19338	C	H-Q imm. érythrocytaire	Titration 5 anticorps érythrocytaire	Supra	634,0	786,16	1369,44	2738,88
19339	C	H-Q imm. érythrocytaire	Titration anticorps érythrocytaire parallèle 1 Ac (grossesse)	Supra	427,0	529,48	922,32	1844,64
19340	C	H-Q imm. érythrocytaire	Titration anticorps érythrocytaire parallèle 2 Ac (grossesse)	Supra	400,0	496	864	1728
19341	C	H-Q imm. érythrocytaire	Titration anticorps érythrocytaire parallèle 3 Ac (grossesse)	Supra	526,0	652,24	1136,16	2272,32
19342	C	H-Q imm. érythrocytaire	Titration anticorps érythrocytaire parallèle 4 et plus Ac (grossesse)	Supra	656,0	813,44	1416,96	2833,92
19343	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : C	Supra	24,0	29,76	51,84	103,68
19344	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : E	Supra	23,0	28,52	49,68	99,36
19345	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : c	Supra	23,0	28,52	49,68	99,36
19346	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : e	Supra	24,0	29,76	51,84	103,68
19347	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : K	Supra	23,0	28,52	49,68	99,36
19348	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : S	Supra	28,0	34,72	60,48	120,96
19349	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : s	Supra	26,0	32,24	56,16	112,32
19350	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : Fya	Supra	24,0	29,76	51,84	103,68
19351	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : Fyb	Supra	25,0	31	54	108
19352	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : Jka	Supra	25,0	31	54	108
19353	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : Jkb	Supra	24,0	29,76	51,84	103,68
19354	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Cw	Supra	25,0	31	54	108
19355	C	H-Q imm. érythrocytaire	phénotype régulier autres : M	Supra	24,0	29,76	51,84	103,68
19356	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : N	Supra	23,0	28,52	49,68	99,36
19357	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : P1	Supra	27,0	33,48	58,32	116,64
19358	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Lea	Supra	26,0	32,24	56,16	112,32
19359	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Leb	Supra	26,0	32,24	56,16	112,32
19360	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : k	Supra	28,0	34,72	60,48	120,96
19361	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Kpa	Supra	31,0	38,44	66,96	133,92
19362	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Kpb	Supra	39,0	48,36	84,24	168,48
19363	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Lua	Supra	34,0	42,16	73,44	146,88
19364	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Lub	Supra	28,0	34,72	60,48	120,96
19365	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Wra	Supra	47,0	58,28	101,52	203,04
19366	C	H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype érythrocytaire particulier	Supra	42,0	52,08	90,72	181,44
19367	C	H-Q imm. érythrocytaire	Traitement des hématies EGA	Supra	162,0	200,88	349,92	699,84
19368	C	H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire de haute fréquence	Supra	124,0	153,76	267,84	535,68
19369	C	H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaires différents enzyme	Supra	333,0	412,92	719,28	1438,56
19370	C	H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire phase solide	Supra	248,0	307,52	535,68	1071,36
19371	C	H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire technique tube	Supra	78,0	96,72	168,48	336,96
19372	C	H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire cellules de collections	Supra	103,0	127,72	222,48	444,96

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
19373	C	H-Q imm. érythrocytaire	Auto adsorption (érythrocytaire)	Supra	326,0	404,24	704,16	1408,32
19374	C	H-Q imm. érythrocytaire	Allo adsorption différentielle (érythrocytaire)	Supra	308,0	381,92	665,28	1330,56
19375	C	H-Q imm. érythrocytaire	Adsorption Rest/HPC	Supra	415,0	514,6	896,4	1792,8
19376	C	H-Q imm. érythrocytaire	Adsorption/élution (érythrocytaire)	Supra	215,0	266,6	464,4	928,8
19377	C	H-Q imm. érythrocytaire	Test de Donath-Landsteiner	Supra	125,0	155	270	540
19378	C	H-Q imm. érythrocytaire	Test d'amplitude thermique (érythrocytaire)	Supra	195,0	241,8	421,2	842,4
19379	C	H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIIb/IIIa par MAIPA (méthode régulière)	Supra	292,0	362,08	630,72	1261,44
19380	C	H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIa/IIa par MAIPA (méthode régulière)	Supra	292,0	362,08	630,72	1261,44
19381	C	H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIb/IX par MAIPA (méthode régulière)	Supra	298,0	369,52	643,68	1287,36
19382	C	H-Q imm. plaquettaire	Anti-Gov par MAIPA (méthode régulière)	Supra	298,0	369,52	643,68	1287,36
19383	C	H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIIb/IIIa par MAIPA (méthode optimisée)	Supra	187,0	231,88	403,92	807,84
19384	C	H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIa/IIa par MAIPA (méthode optimisée)	Supra	192,0	238,08	414,72	829,44
19385	C	H-Q imm. plaquettaire	MAIPA avec traitement du sérum	Supra	17,0	21,08	36,72	73,44
19386		H-Q imm. plaquettaire	Analyses PLT envoyées à l'externe	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
19387	C	H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement DTT)	Supra	168,0	208,32	362,88	725,76
19388	C	H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement EDTA)	Supra	168,0	208,32	362,88	725,76
19389	C	H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement dilution)	Supra	164,0	203,36	354,24	708,48
19391	C	H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement DTT)	Supra	168,0	208,32	362,88	725,76
19392	C	H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement EDTA)	Supra	168,0	208,32	362,88	725,76
19393	C	H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement dilution)	Supra	164,0	203,36	354,24	708,48
19394	C	H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement DTT)	Supra	450,0	558	972	1944
19395	C	H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement EDTA)	Supra	449,0	556,76	969,84	1939,68
19396	C	H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement dilution)	Supra	435,0	539,4	939,6	1879,2
19398	C	H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement DTT)	Supra	355,0	440,2	766,8	1533,6
19399	C	H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement EDTA)	Supra	355,0	440,2	766,8	1533,6
19400	C	H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement dilution)	Supra	430,0	533,2	928,8	1857,6
19402	C	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus A haute résolution (SNG)	Supra	366,0	453,84	790,56	1581,12
19403	C	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus B haute résolution (SNG)	Supra	366,0	453,84	790,56	1581,12
19404	C	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus C haute résolution (SNG)	Supra	366,0	453,84	790,56	1581,12
19405	C	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB1 haute résolution (SNG)	Supra	366,0	453,84	790,56	1581,12
19406	C	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB3 haute résolution (SNG)	Supra	358,0	443,92	773,28	1546,56
19407	C	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB4 haute résolution (SNG)	Supra	358,0	443,92	773,28	1546,56
19408	C	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB5 haute résolution (SNG)	Supra	358,0	443,92	773,28	1546,56
19409	C	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DQA1 haute résolution (SNG)	Supra	358,0	443,92	773,28	1546,56
19410	C	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DQB1 haute résolution (SNG)	Supra	366,0	453,84	790,56	1581,12
19411	C	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DPA1 haute résolution (SNG)	Supra	358,0	443,92	773,28	1546,56
19412	C	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DPB1 haute résolution (SNG)	Supra	366,0	453,84	790,56	1581,12
19424	C	H-Q imm. érythrocytaire	Dépistage des anti-IgA (Test R&D)	Supra	810,0	1004,4	1749,6	3499,2

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
19425	C	H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage CEAG par RFLP	Supra	522,0	647,28	1127,52	2255,04
19426	C	H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage Knops par RFLP	Supra	532,0	659,68	1149,12	2298,24
19427	C	H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage Yka Par SSP	Supra	509,0	631,16	1099,44	2198,88
19428	C	H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage RhD Position 48 par RFLP	Supra	197,0	244,28	425,52	851,04
19429	C	H-Q imm. érythrocytaire	MMA (Test R&D)	Supra	806,0	999,44	1740,96	3481,92
19431	C	H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage érythrocytaire RHD eMAP BeadChip	Supra	263,0	326,12	568,08	1136,16
19432	C	H-Q imm. plaquettaire	Génotypage plaquettaire HPA eMAP BeadChip	Supra	423,0	524,52	913,68	1827,36
19434	C	H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage érythrocytaire RHCE eMAP BeadChip	Supra	263,0	326,12	568,08	1136,16
19436	C	H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage érythrocytaire HEA eMAP BeadChip	Supra	656,0	813,44	1416,96	2833,92
20000	C	Héмато-hémostase	Agrégation plaquettaire (par agent)	Régional	51,0	63,24	110,16	220,32
20001	C	Héмато-immunologie	Alpha-2 macroglobuline (antigène)	Supra	13,2	16,368	28,512	57,024
20003	C	Héмато-immunologie	Anticardiolipine (IgG ou IgM)	Régional	11,9	14,756	25,704	51,408
20005		Héмато-immunologie	Anticardiolipine anticorps (total)	Régional	30,0	37,2	64,8	129,6
20006	C	Héмато-hémostase	Dépistage de lupus anticoagulant avec réactif APTT sensible aux antiphospholipides (incluant correction avec pool de plasmas normaux)	Régional	30,0	37,2	64,8	129,6
20007	C	Héмато-hémostase	Anticorps anti-héparine (méthode agrégation plaquettaire)	Supra	210,0	260,4	453,6	907,2
20008	C	Héмато-immunologie	Anti Bêta-2 glycoprotéine 1 IgG ou IgM	Régional	13,4	16,616	28,944	57,888
20009	C	Héмато-hémostase	Anticorps anti-facteur Von Willebrand (anti-FVW)	Supra	79,0	97,96	170,64	341,28
20011	C	Héмато-immunologie	Anti-héparine-FP4 (ELISA)	Régional	63,0	78,12	136,08	272,16
20013	C	Héмато-hémostase	Antiplasmine (activité)	Supra	32,0	39,68	69,12	138,24
20014	C	Héмато-hémostase	Antithrombine (activité)	Régional	16,3	20,212	35,208	70,416
20019	C	Héмато-immunologie	Anti-saccharomyces IgA ou IgG (ASCA)	Supra	23,0	28,52	49,68	99,36
20020	C	Héмато-immunologie	Anti-centromere Protein B (CENP-B)	Supra	15,4	19,096	33,264	66,528
20022	C	Héмато-hémostase	Anticorps anti-C1 inhibiteur (ELISA)	Supra	152,0	188,48	328,32	656,64
20040	C	Héмато-hémostase	Agrégation plaquettaire induite par la ristocétine (RIPA)	Régional	47,0	58,28	101,52	203,04
20044	C	Héмато-hémostase	Cryofibrinogène	Régional	9,9	12,276	21,384	42,768
20060	C	Héмато-hémostase	D-Dimère (semi-quantitatif ou qualitatif ou sur lame)	Local	24,0	29,76	51,84	103,68
20061	C	Héмато-hémostase	D-Dimère (ELISA)	Local	29,0	35,96	62,64	125,28
20062	C	Héмато-hémostase	D-Dimère (automatisé)	Local	10,1	12,524	21,816	43,632
20064	C	D. mol. hémato-greffe	HLA-B27	Supra	43,0	53,32	92,88	185,76
20080	C	Hémato-hémostase	Facteur de coagulation (II, V, VII, VIII, IX, X, XI et XII) (activité)	Régional	14,3	17,732	30,888	61,776
20086		Hémato-hémostase	Facteur VII (antigène)	Supra	27,0	33,48	58,32	116,64
20088	C	Hémato-hémostase	Facteur Von Willebrand (activité) (VWF:GPIbM ou VWF:GPIbR ou VWF:Rco ou VWF:Ab)	Régional désigné	16,0	19,84	34,56	69,12
20089	C	Hémato-hémostase	Facteur Von Willebrand (antigène)	Régional	12,4	15,376	26,784	53,568
20090	C	Hémato-hémostase	Facteur Von Willebrand (multimères)	Supra	212,0	262,88	457,92	915,84
20092		Hémato-hémostase	Facteur X (antigène)	Supra	30,0	37,2	64,8	129,6
20098	C	Hémato-hémostase	Facteur XIII (activité) (quantitatif)	Supra	69,0	85,56	149,04	298,08
20101	C	Hémato-hémostase	Fibrinogène (antigène)	Supra	158,0	195,92	341,28	682,56
20102	C	Hémato-hémostase	Fibrinogène (activité)	Local	4,2	5,208	9,072	18,144
20103	C	Hémato-hémostase	Fonction plaquettaire à la luminescence (par agent)	Régional	76,0	94,24	164,16	328,32
20106	C	Hémato-hémostase	Facteur XIII (test de solubilité)	Régional	16,9	20,956	36,504	73,008
20107	C	Hémato-hémostase	ADAMTS-13 - activité (dosage quantitatif)	Supra	251,0	311,24	542,16	1084,32
20108		Hémato-hémostase	Anti-IIa-activité (dosage quantitatif) (Dabigatran)	Régional	27,0	33,48	58,32	116,64
20109		Hémato-hémostase	Anti-Xa-activité (dosage quantitatif) (Rivaroxaban)	Régional	55,0	68,2	118,8	237,6
20110	C	Hémato-hémostase	Anticorps anti-facteur XIII (ELISA)	Supra	152,0	188,48	328,32	656,64
20111		Hémato-hémostase	Facteur XIII (sous-unité A) (dosage quantitatif) (ELISA)	Supra	35,0	43,4	75,6	151,2
20113	C	Hémato-hémostase	Anti-Xa-activité (dosage quantitatif) (Édoxaban)	Régional	227,0	281,48	490,32	980,64
20114		Hémato-hémostase	Facteur I antigénique (ELISA) (quantitatif)	Supra	90,0	111,6	194,4	388,8
20115		Hémato-hémostase	Anti-Xa-activité (dosage quantitatif) (Apixaban)	Régional	30,0	37,2	64,8	129,6
20116	C	Hémato-hémostase	Anticorps anti-facteur H (ELISA)	Supra	69,0	85,56	149,04	298,08
20118	C	Hémato-hémostase	Facteur IX (détermination de la concentration) (méthode chromogène)	Supra	133,0	164,92	287,28	574,56

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
20122	C	Hémato-hémostase	Facteur VIII (détermination de la concentration) (méthode chromogène)	Supra	50,0	62	108	216
20130		Hémato-hémostase	Héparine anti-Xa	Local	22,0	27,28	47,52	95,04
20140	C	Hémato-hémostase	Inhibiteur de facteur de la coagulation (dépistage)	Supra	88,0	109,12	190,08	380,16
20141	C	Hémato-hémostase	Inhibiteur de facteur de la coagulation quantitatif (dosage Bethesda)	Supra	134,0	166,16	289,44	578,88
20142	C	Hémato-hémostase	Inhibiteur de facteur VIII porcin quantitatif (dosage Bethesda)	Supra	204,0	252,96	440,64	881,28
20143	C	Hémato-hémostase	Anticorps anti-facteur VIII (ELISA)	Supra	14,0	17,36	30,24	60,48
20144	C	Hémato-hémostase	Anticorps anti-facteur IX (ELISA)	Supra	14,0	17,36	30,24	60,48
20145	C	Hémato-hémostase	Anticorps anti-glucocerebrosidase (ELISA)	Supra	152,0	188,48	328,32	656,64
20146	C	Hémato-hémostase	ADAMTS-13 - antigène (dosage quantitatif) (ELISA)	Supra	139,0	172,36	300,24	600,48
20147	C	Hémato-hémostase	Anticorps anti-ADAMTS-13 (ELISA)	Supra	71,0	88,04	153,36	306,72
20160	C	Hémato-hémostase	Kaolin clotting time (KCT)	Régional	47,0	58,28	101,52	203,04
20170	C	Hémato-hémostase	Lyse des euglobulines	Supra	122,0	151,28	263,52	527,04
20189		Hémato-hémostase	Inhibiteur de l'activateur du plasminogène (PAI-1) (antigène)	Supra	55,0	68,2	118,8	237,6
20190	C	Hémato-hémostase	Inhibiteur de l'activateur du plasminogène (PAI-1) (activité)	Supra	53,0	65,72	114,48	228,96
20191	C	Hémato-hémostase	Plasminogène (activité)	Supra	44,0	54,56	95,04	190,08
20194	C	Hémato-hémostase	Prékallicréine (activité)	Supra	18,7	23,188	40,392	80,784
20196	C	Hémato-hémostase	Protéine C (activité)	Régional	13,2	16,368	28,512	57,024
20197		Hémato-hémostase	Protéine C (antigène)	Régional	21,0	26,04	45,36	90,72
20198	C	Hémato-hémostase	Protéine S (activité)	Régional	10,2	12,648	22,032	44,064
20199	C	Hémato-hémostase	Protéine S libre (antigène)	Régional	55,0	68,2	118,8	237,6
20202	C	Hémato-hémostase	Dosage du sC5b-9	Supra	72,0	89,28	155,52	311,04
20220	C	Hémato-hémostase	Résistance à la protéine C activée	Régional	19,3	23,932	41,688	83,376
20221	C	Hémato-hémostase	Résistance à la protéine C activée (avec calcul de 3 ratios)	Régional	40,0	49,6	86,4	172,8
20238	C	Hémato-hémostase	Thromboelastographie (platelet mapping)	Supra	371,0	460,04	801,36	1602,72
20240		Hémato-hémostase	Temps de céphaline activé (TCA) ou temps de thrombine (TT) ou temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) sur mélange 50/50	Local	3,4	4,216	7,344	14,688
20241	C	Hémato-hémostase	Temps de céphaline activé ou temps de céphaline + activateur (TCA)	Local	2,5	3,1	5,4	10,8
20242	C	Hémato-hémostase	Temps de céphaline ou temps de thrombine ou temps de prothrombine après neutralisation de l'héparine	Local	12,6	15,624	27,216	54,432
20243	C	Hémato-hémostase	Temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) incluant fibrinogène dérivé	Local	2,4	2,976	5,184	10,368
20244	C	Hémato-hémostase	Temps de reptilase	Supra	11,3	14,012	24,408	48,816
20245	C	Hémato-hémostase	Temps de saignement in vitro (par agent) (PFA-100, PFA-200)	Local	30,0	37,2	64,8	129,6
20246	C	Hémato-hémostase	Temps de saignement in vivo	Local	87,0	107,88	187,92	375,84
20247	C	Hémato-hémostase	Temps de Stypven dilué (DRVVT ou temps de Russell) (incluant confirmation)	Régional	12,8	15,872	27,648	55,296
20248	C	Hémato-hémostase	Temps de thrombine (TT)	Local	3,7	4,588	7,992	15,984
20249		Hémato-hémostase	Test de liaison du FVW au collagène	Supra	92,0	114,08	198,72	397,44
20250	C	Hémato-hémostase	Test de liaison du FVIII au FVW	Supra	21,0	26,04	45,36	90,72
20251	C	Hémato-hémostase	Test de neutralisation par les phospholipides (PNP)	Régional	9,8	12,152	21,168	42,336
20254	C	Hémato-hémostase	Thromboélastographie	Régional	65,0	80,6	140,4	280,8
20255	C	Hémato-hémostase	Activateur tissulaire du plasminogène (antigène) (tPA)	Supra	302,0	374,48	652,32	1304,64
20259	C	Hémato-hémostase	Confirmation de lupus anticoagulant par mesure de l'APTT après neutralisation par des phospholipides en phase hexagonale	Régional désigné	39,0	48,36	84,24	168,48
20300	C	Prélèvements	Assistance à l'infusion de CPH/DLI (excluant déplacement)	Supra	13,1	16,244	28,296	56,592
20303	C	Hémato-hémostase	Ecarin clotting test (ECT)	Régional désigné	213,0	264,12	460,08	920,16
20304	C	Hémato-hémostase	Dosage des anticorps thérapeutiques anti-complément C5	Supra	355,0	440,2	766,8	1533,6
20320	C	Hémato-cytologie	Décompte manuel des liquides	Local	47,0	58,28	101,52	203,04
20321	C	Hémato-cytologie	Différentielle manuelle avec cytospin	Local	32,0	39,68	69,12	138,24
20342	C	Hémato-cytologie	Éosinophiles (sécrétions nasales ou urine)	Local	20,0	24,8	43,2	86,4
20358	C	Hémato-cytologie	Décompte automatisé (liquides biologiques autres que le sang)	Local	11,8	14,632	25,488	50,976
20360	C	Hémato-érythrocytaire	Falciformation (test de) Thiosulfite	Régional	57,0	70,68	123,12	246,24
20361	C	Hémato-cytologie	Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée	Local	2,2	2,728	4,752	9,504
20362	C	Hémato-cytologie	Formule différentielle (manuelle) (incluant coloration)	Local	13,5	16,74	29,16	58,32
20363	C	Hémato-cytologie	Evaluation globules rouges et plaquettes (frottis d'orientation) (incluant coloration)	Local	7,2	8,928	15,552	31,104
20364	C	Hémato-cytologie	Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-plaq. micro-méthode (automatisé)	Local	2,9	3,596	6,264	12,528
20380	C	Hémato-cytologie	Leucocytes (sang) (manuel)	Local	8,3	10,292	17,928	35,856
20381	C	Hémato-cytologie	Sédimentation automatisée	Local	3,3	4,092	7,128	14,256
20390	C	Hémato-immunologie	Haptoglobine	Régional	5,1	6,324	11,016	22,032
20391	C	Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine plasmatique (excluant bandelette)	Régional	14,8	18,352	31,968	63,936
20430	C	Hémato-cytologie	Moelle osseuse (différentielle manuelle faite par un technologiste médical incluant la lecture de 2 lames)	Régional	89,0	110,36	192,24	384,48

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
20450	C	Hémato-cytologie	Plaquettes (sang) (manuel)	Local	33,0	40,92	71,28	142,56
20470	C	Hémato-cytologie	Réticulocytes (automatisé)	Local	2,6	3,224	5,616	11,232
20471	C	Hémato-cytologie	Réticulocytes (manuel)	Local	7,0	8,68	15,12	30,24
20472	C	Hémato-cytologie	Réticulocytes (semi-automatisé incluant prétraitement)	Local	11,4	14,136	24,624	49,248
20490	C	Hémato-cytologie	Sédimentation manuelle	Local	3,7	4,588	7,992	15,984
20494	C	Hémato-érythrocytaire	Falciformation (test de) métabisulfite	Régional	15,6	19,344	33,696	67,392
20574	C	Hémato-greffe	Réception des unités de CPH ou DLI fraîches	Supra	308,0	381,92	665,28	1330,56
20575	C	Hémato-greffe	Réception des unités de CPH ou DLI cryo	Régional désigné	416,0	515,84	898,56	1797,12
20580	C	Hémato-greffe	Evaluation des greffons de CPH (ou CT) frais (de l'interne ou de l'externe)	Supra	331,0	410,44	714,96	1429,92
20582	C	Hémato-greffe	Cryopréservation de CPH (auto ou allo) 1 ^{er} sac	Supra	1156,0	1433,44	2496,96	4993,92
20583	C	Hémato-greffe	Cryopréservation de CPH aphérèse (auto et allo) sac supplémentaire	Supra	114,0	141,36	246,24	492,48
20585	C	Hémato-greffe	Décongélation d'un greffon	Régional désigné	1021,0	1266,04	2205,36	4410,72
20588	C	Hémato-greffe	Ajustement de la concentration du greffon par dilution	Régional désigné	497,0	616,28	1073,52	2147,04
20590	C	Hémato-greffe	Filtration du greffon	Régional désigné	211,0	261,64	455,76	911,52
20592	C	Hémato-greffe	Distribution des greffons de CPH à l'unité de soin	Régional désigné	247,0	306,28	533,52	1067,04
20593	C	Hémato-greffe	Distribution et assistance à l'infusion d'un greffon cryopreservé à l'unité de soin (1 ^{er} sac)	Régional désigné	590,0	731,6	1274,4	2548,8
20594	C	Hémato-greffe	Distribution et assistance à l'infusion d'un greffon cryopreservé à l'unité de soin (sac supplémentaire)	Régional désigné	154,0	190,96	332,64	665,28
20598	C	Hémato-greffe	Envoi de greffons frais ou cryopreservés à l'extérieur du centre hospitalier (1 ^{er} sac)	Régional désigné	308,0	381,92	665,28	1330,56
20599	C	Hémato-greffe	Envoi de greffons frais ou cryopreservés à l'extérieur du centre hospitalier (sac supplémentaire)	Régional désigné	64,0	79,36	138,24	276,48
20603	C	Hémato-greffe	Réduction plasmatique, volume ou érythrocytaire d'un greffon avec Sepax	Supra	2108,0	2613,92	4553,28	9106,56
20615	C	Hémato-greffe	Habillage avec un équipement de protection individuelle (EPI) pour salle blanche et niveau grade B	Supra	108,0	133,92	233,28	466,56
20620	C	Hémato-greffe	Cryopréservation de CD3 ou CD34 ou MNC (aliquot)	Supra	192,0	238,08	414,72	829,44
20622	C	Hémato-greffe	Culture cellulaire complète de progéniteurs hématopoïétiques : aspiration de moelle osseuse ou sang	Supra	824,0	1021,76	1779,84	3559,68
20628	C	Hémato-greffe	Culture cellulaire de progéniteurs hématopoïétiques : unités de CPH (aphérèse, moelle osseuse, sang de cordon)	Supra	192,0	238,08	414,72	829,44
20629	C	Hémato-greffe	Culture cellulaire de BFU-E avec et sans érythropoïétine	Supra	513,0	636,12	1108,08	2216,16
20640	C	Hémato-greffe	Centrifugation de CPH	Supra	79,0	97,96	170,64	341,28
20641	C	Hémato-immunocytométrie	Inactivation du complément à 56°C	Supra	4,2	5,208	9,072	18,144
20647	C	Hémato-immunocytométrie	Isolement de cellules mononucléées par centrifugation sur gradient de densité	Supra	68,0	84,32	146,88	293,76
20649	C	Hémato-immunocytométrie	Énumération de cellules progénitrices hématopoïétiques (CD34)	Supra	120,0	148,8	259,2	518,4
20651	C	Hémato-greffe	Préparation de gouttes ophtalmiques autologues pour sécheresse oculaire	Régional désigné	290,0	359,6	626,4	1252,8
20663	C	Hémato-greffe	Sélection négative des cellules TCRab+ et CD19+ avec billes magnétiques sur CliniMacs	Supra	32 226	39960,24	69608,16	139216,32
20664	C	Hémato-immunologie	Anti-cytoplasme des neutrophiles ANCA	Supra	42,0	52,08	90,72	181,44
20665	C	Hémato-greffe	Sélection + ou - de cellules du sang ou de la moelle osseuse avec microbilles	Supra	222,0	275,28	479,52	959,04
20667	C	Hémato-greffe	Sélection positive simple des cellules CD34+ avec billes magnétiques sur CliniMacs	Supra	17 166,0	21285,84	37078,56	74157,12
20668	C	Hémato-greffe	Sélection positive double des cellules CD34+ avec billes magnétiques sur CliniMacs	Supra	30 475,0	37789	65826	131652
20669	C	Micro-imm-séro.	Hépatite B (HBsAg); dosage immunologique microparticulaire par chimiluminescence (CMIA) (quantitatif)	Supra	38,0	47,12	82,08	164,16
20670	C	Micro-imm-séro.	Hépatite A (VHA) IgM spécifique	Régional	16,7	20,708	36,072	72,144
20671	C	Micro-imm-séro.	Hépatite A (VHA) IgG ou Ac totaux	Régional	11,1	13,764	23,976	47,952
20672	C	Micro-imm-séro.	Hépatite B (anticorps antigène de surface) (anti-HBs) IgG ou Ac totaux	Local	7,8	9,672	16,848	33,696
20673	C	Micro-imm-séro.	Hépatite B (anti-HBc) IgG ou Ac totaux	Local	7,8	9,672	16,848	33,696
20674	C	Micro-imm-séro.	Hépatite B (anti-HBc) IgM spécifique	Régional	11,9	14,756	25,704	51,408
20675	C	Micro-imm-séro.	Hépatite B (anti-HBe) IgG ou Ac totaux	Régional	9,4	11,656	20,304	40,608
20676	C	Micro-imm-séro.	Hépatite B (antigène de surface) (HbsAg)	Local	8,3	10,292	17,928	35,856
20677	C	Micro-imm-séro.	Hépatite B (HbeAg) (antigène)	Régional	8,5	10,54	18,36	36,72
20678	C	Micro-imm-séro.	Hépatite C (anti-VHC) IgG ou Ac totaux	Local	9,8	12,152	21,168	42,336
20680	C	Hémato-immunocytométrie	Activation des neutrophiles	Supra	199,0	246,76	429,84	859,68
20682	C	Hémato-immunologie	Anti-ADN (ELISA)	Régional	6,5	8,06	14,04	28,08

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
20683	C	Héмато-immunologie	Anti-ADN (immunofluorescence) (<i>Crithidia luciliae</i>)	Régional	26,0	32,24	56,16	112,32
20684	C	Héмато-immunologie	Anti-cellules pariétales, anti-mitochondries et anti-muscle lisse	Régional	17,9	22,196	38,664	77,328
20686	C	Héмато-immunologie	Anti-cochlée	Supra	66,0	81,84	142,56	285,12
20691	C	Héмато-immunologie	Anti-facteur intrinsèque	Régional	8,9	11,036	19,224	38,448
20694	C	Héмато-immunologie	Anti-histone (ELISA)	Supra	6,6	8,184	14,256	28,512
20696	C	Héмато-immunologie	Anti-îlots de Langerhans	Supra	18,4	22,816	39,744	79,488
20698	C	Héмато-immunologie	Anti-Jo-1	Régional	14,3	17,732	30,888	61,776
20699	C	Héмато-immunologie	Anti-LKM (anti-liver kidney microsomes)	Régional désigné	14,1	17,484	30,456	60,912
20701	C	Héмато-immunologie	Anti-membrane basale glomérulaire	Régional	13,2	16,368	28,512	57,024
20704	C	Héмато-immunologie	Anti-muscle strié	Supra	41,0	50,84	88,56	177,12
20705	C	Héмато-immunologie	Anti-myélopéroxydase (anti-MPO)	Régional	6,5	8,06	14,04	28,08
20709	C	Héмато-immunologie	Anti-protéinase 3 (anti-PR3)	Régional	6,6	8,184	14,256	28,512
20710	C	Héмато-immunologie	Anti-ribonucléoprotéines (RNP)	Régional	6,9	8,556	14,904	29,808
20711	C	Héмато-immunologie	Anti-Scl 70 (topoisomérase)	Régional	7,9	9,796	17,064	34,128
20712	C	Héмато-immunologie	Anti-Sm	Régional	6,5	8,06	14,04	28,08
20713	C	Héмато-immunologie	Anti-SSA (Ro)	Régional	7,5	9,3	16,2	32,4
20714	C	Héмато-immunologie	Anti-SSB (La)	Régional	6,7	8,308	14,472	28,944
20716	C	Héмато-immunologie	Anti-surréaliens	Supra	38,0	47,12	82,08	164,16
20717	C	Héмато-immunologie	Anti-nucléaires (ANA, par immunofluorescence)	Régional	11,0	13,64	23,76	47,52
20718	C	Héмато-immunologie	Anti-peptides cycliques citrulinés (Anti-CCP)	Régional	14,7	18,228	31,752	63,504
20719	C	Héмато-immunologie	Anti-nucléaires (ENA) (dépistage par ELISA)	Régional	9,3	11,532	20,088	40,176
20720	C	Héмато-immunologie	Anti-réticuline	Régional	36,0	44,64	77,76	155,52
20721	C	Héмато-immunologie	Anti-bordure en brosse	Régional	36,0	44,64	77,76	155,52
20722	C	Héмато-immunologie	Anti-canalicule biliaire	Régional	36,0	44,64	77,76	155,52
20724	C	Héмато-immunologie	Anti-endomysium	Supra	33,0	40,92	71,28	142,56
20725	C	Héмато-immunologie	Anti-membrane basale cutanée et anti-substance intercellulaire	Supra	46,0	57,04	99,36	198,72
20765	C	Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine chromatographie	Régional	13,8	17,112	29,808	59,616
20768	C	Hémato-immunocytométrie	Compatibilité cellulaire par cytométrie en flux (Flow x-match)	Supra	343,0	425,32	740,88	1481,76
20769	C	Hémato-immunologie	Composantes du complément (activité)	Supra	178,0	220,72	384,48	768,96
20771	C	Hémato-immunologie	Complément sérique total (CH50) (activité)	Régional désigné	11,7	14,508	25,272	50,544
20773	C	Hémato-érythrocytaire	Corps de Heinz	Supra	16,7	20,708	36,072	72,144
20774	C	Hémato-immunologie	Cryoglobulines (qualitatif)	Local	22,0	27,28	47,52	95,04
20775	C	Hémato-immunologie	Cryoglobulines (quantitatif)	Régional	134,0	166,16	289,44	578,88
20776	C	Hémato-immunologie	Complément C3 (antigène)	Local	7,2	8,928	15,552	31,104
20777	C	Hémato-immunologie	Complément C4 (antigène)	Local	7,2	8,928	15,552	31,104
20778	C	Hémato-immunologie	Activation des TLR(2, 4) par clivage du CD62L	Supra	450,0	558	972	1944
20781	C	Hémato-immunologie	Fas Ligand (dosage) (sérique)	Supra	11,5	14,26	24,84	49,68
20800	C	Hémato-greffe	Dépédition plasmatique ou érythrocytaire par centrifugation de CPH et évaluation	Supra	79,0	97,96	170,64	341,28

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
20820	C	Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine électrophorèse (agarose ou capillaire)	Régional	25,0	31	54	108
20825	C	Hémato-érythrocytaire	Enzymes érythrocytaires (par enzyme) (G6PD, 6PGD, PK, HX, GPI)	Régional	50,0	62	108	216
20827		Hémato-érythrocytaire	Érythropoïétine (quantitatif)	Supra	21,0	26,04	45,36	90,72
20828	C	Hémato-cyto-chimie	Estérases non spécifiques	Régional	31,0	38,44	66,96	133,92
20829	C	Hémato-cyto-chimie	Estérases spécifiques	Régional	44,0	54,56	95,04	190,08
20850	C	Hémato-immunologie	Complément Facteur B (antigène)	Supra	199,0	246,76	429,84	859,68
20852	C	Hémato-cyto-chimie	Fer médullaire (Bleu de Prusse)	Régional	16,2	20,088	34,992	69,984
20899	C	D. mol. hémato-greffe	HLA-A, -B, -C, -DR, -DQ, -DP (génompage) (qPCR)	Supra	360,0	446,4	777,6	1555,2
20900	C	Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine (électrophorèse des chaînes de globine)	Régional	9,9	12,276	21,384	42,768
20902	C	Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine A2	Régional	21,0	26,04	45,36	90,72
20918	C	D. mol. hémato-greffe	HLA-DRB1 (génompage) (SSP-haute résolution)	Supra	303,0	375,72	654,48	1308,96
20928	C	D. mol. hémato-greffe	HLA-DQB1 (génompage) (SSP-basse résolution)	Supra	118,0	146,32	254,88	509,76
20929	C	D. mol. hémato-greffe	HLA-DQB1 (génompage) (SSP-haute résolution)	Supra	214,0	265,36	462,24	924,48
20932	C	D. mol. hémato-greffe	HLA-DRB1 (génompage) (SSP-basse résolution)	Supra	120,0	148,8	259,2	518,4
20935	C	Hémato-immunocytométrie	HLA-B27, marqueur de surface	Régional	28,0	34,72	60,48	120,96
20941	C	D. mol. hémato-greffe	HLA-A ou -B ou -C (génompage) (SSP-haute résolution)	Supra	329,0	407,96	710,64	1421,28
20942	C	D. mol. hémato-greffe	HLA-A ou -B ou -C (génompage) (SSP-basse résolution)	Supra	118,0	146,32	254,88	509,76
20949	C	D. mol. hémato-greffe	HLA-DPB1 (génompage) (SSP-haute résolution)	Supra	165,0	204,6	356,4	712,8
20950		D. mol. hémato-greffe	HLA-A ou -B ou -C (génompage) (SSO haute résolution)	Supra	112,0	138,88	241,92	483,84
20952	C	D. mol. hémato-greffe	HLA-DPA1/DPB1 (génompage) (SSO basse résolution)	Supra	57,0	70,68	123,12	246,24
20953		D. mol. hémato-greffe	HLA-DQA1/DQB1 (génompage) (SSO basse résolution)	Supra	79,0	97,96	170,64	341,28
20954	C	D. mol. hémato-greffe	HLA-DRB1 (génompage) (SSO haute résolution)	Supra	57,0	70,68	123,12	246,24
20956		D. mol. hémato-greffe	HLA-DRB3/4/5 (génompage) (SSO basse résolution)	Supra	79,0	97,96	170,64	341,28
20958	C	Hémato-immunocytométrie	Marqueurs de surface lymphocytaire T (CD3/4/8/45)	Régional	47,0	58,28	101,52	203,04
20959	C	Hémato-immunocytométrie	Marqueurs de surface lymphocytaire T-B-NK (CD3/4/8/19/16+56/45)	Régional	120,0	148,8	259,2	518,4
20961	C	Hémato-immunologie	Complément-Inhibiteur du C1 (antigène)	Supra	14,3	17,732	30,888	61,776
20962	C	Hémato-immunologie	Facteur C3 néphritique (activité) (C3NEF)	Supra	430,0	533,2	928,8	1857,6
20966	C	Hémato-immunologie	Complément-Inhibiteur du C1 (activité)	Supra	48,0	59,52	103,68	207,36
20968	C	D. mol. hémato-greffe	HLA-A ou -B ou -C ou -DRB1 ou -DQB1 (génompage) (SNG) (haute résolution)	Supra	905,0	1122,2	1954,8	3909,6
20969	C	Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des syndromes lymphoprolifératifs NK (panel complet NK-CLPD)	Supra	276,0	342,24	596,16	1192,32
20971	C	Hémato-immunocytométrie	Anti-HLA spécificité classe I	Supra	201,0	249,24	434,16	868,32
20972	C	Hémato-immunocytométrie	Anti-HLA spécificité classe II	Supra	174,0	215,76	375,84	751,68
20973	C	Hémato-immunocytométrie	Panel maladie résiduelle minimale de la LLA-B (panel MRD LLA-B)	Supra	448,0	555,52	967,68	1935,36
20974	C	Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des syndromes lymphoprolifératifs B (panel complet B-CLPD)	Régional désigné	307,0	380,68	663,12	1326,24
20975	C	Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des leucémies lymphoïdes aiguës B (panel complet LLA-B)	Régional désigné	509,0	631,16	1099,44	2198,88
20976	C	Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des leucémies lymphoïdes aiguës T (panel complet LLA-T)	Supra	322,0	399,28	695,52	1391,04
20977	C	Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des leucémies myéloïdes aiguës/SMD (panel complet LMA/SMD)	Régional désigné	391,0	484,84	844,56	1689,12
20978	C	Hémato-immunocytométrie	Marquage de surface ou intracellulaire (par marqueur)	Régional	11,5	14,26	24,84	49,68

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
20979	C	Héмато-immunocytométrie	Panel des dyscrasies plasmocytaires (myélome multiple) (panel PCD)	Régional désigné	180,0	223,2	388,8	777,6
20983	C	Hémato-cyto-chimie	Moelle osseuse (coloration)	Local	4,4	5,456	9,504	19,008
20993	C	Hémato-cyto-chimie	Moelle osseuse (fixation sans coloration)	Local	3,1	3,844	6,696	13,392
20994	C	Hémato-immunocytométrie	Prolifération des lymphocytes T (PHA)	Supra	227,0	281,48	490,32	980,64
20995		Hémato-immunologie	Activation du complément	Régional	21,0	26,04	45,36	90,72
20996	C	Hémato-immunologie	Complément C1q (antigène)	Supra	43,0	53,32	92,88	185,76
20997	C	Hémato-immunologie	Complément-Facteur H (antigène)	Supra	135,0	167,4	291,6	583,2
20998	C	Hémato-immunocytométrie	Isolement lymphocytes T ou B du sang total par sélection négative	Supra	89,0	110,36	192,24	384,48
20999	C	Hémato-immunologie	Maladie de Devic (neuromyelite optique) (anti-NMO) (immunofluorescence)	Supra	107,0	132,68	231,12	462,24
21000	C	Hémato-immunologie	Myosite détection anti antigène (Mi-2a, Mi-2b, Ku, Pm-Scl-100, SRP, Pm-Scl-75, Jo-1 (Myos), Pl-7, Pl-12, EJ, OJ, Ro-52, MDA-5, TIFgamma, NXP2, SAE1)	Supra	72,0	89,28	155,52	311,04
21002	C	Hémato-immunocytométrie	Recherche d'hémoglobine fœtale (cytométrie de flux)	Supra	24,0	29,76	51,84	103,68
21004	C	Dépistage néonatal	Marqueurs de surface lymphocytaire T-B-NK (CD3/4/8/19/16+56/45RA/45RO, CD31) - analyse de confirmation du SCID	Supra	92,0	114,08	198,72	397,44
21005	C	Hémato-immunologie	Sclérodermie systémique (ScS); Détection d'IgG dirigés contre 7 antigènes (Scl-70, CENP-A, CENP-B, RP11, RP155, fibrillarine, Th/To) (Immunobuvardage)	Supra	56,0	69,44	120,96	241,92
21020	C	Hémato-cyto-chimie	Periodic Acid Schiff (P.A.S.)	Régional	18,9	23,436	40,824	81,648
21023	C	Hémato-cyto-chimie	Myéloperoxydase	Régional	15,6	19,344	33,696	67,392
21026	C	Hémato-cyto-chimie	Phosphatase alcaline intra-leucocytaire	Régional	30,0	37,2	64,8	129,6
21028	C	D. mol. hématogreffe	Analyse du chimérisme (STR) pré ou post greffe (TAAN)	Supra	173,0	214,52	373,68	747,36
21030	C	Hémato-immunocytométrie	Anti-HLA Dépistage (FLOW-PRA) (par classe)	Supra	118,0	146,32	254,88	509,76
21033	C	Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des syndromes lymphoprolifératifs T (panel complet T-CLPD)	Régional désigné	729,0	903,96	1574,64	3149,28
21034	C	Hémato-immunocytométrie	Tube d'orientation des leucémies aiguës (tube ALOT)	Régional désigné	132,0	163,68	285,12	570,24
21035	C	Hémato-immunocytométrie	Tube de dépistage des cellules lymphoïdes (syndromes lymphoprolifératifs) (tube LST)	Régional désigné	129,0	159,96	278,64	557,28
21036	C	Hémato-immunocytométrie	Tube pour spécimen pauvre en cellules (liquide céphalorachidien et liquide vitreux) (tube SST)	Supra	185,0	229,4	399,6	799,2
21037	C	Hémato-immunocytométrie	Lymphohistiocytose hémophagocytaire (LHH); Dégranulation des cellules NK (marqueur CD107a)	Supra	840,0	1041,6	1814,4	3628,8
21038		Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation (Euroflow ou équivalent) (par tube)	Régional désigné	78,0	96,72	168,48	336,96
21060	C	Hémato-immunocytométrie	Phosphorylation / déphosphorylation de STAT1	Supra	349,0	432,76	753,84	1507,68
21061	C	Hémato-immunocytométrie	Phosphorylation / déphosphorylation de STAT3	Supra	375,0	465	810	1620
21062	C	Hémato-immunocytométrie	Phosphorylation / déphosphorylation de STAT5	Supra	426,0	528,24	920,16	1840,32
21072	C	Hémato-cyto-chimie	Soudan noir B	Régional	16,9	20,956	36,504	73,008
21094	C	Hémato-immunocytométrie	Transformation lymphoblastique	Supra	490,0	607,6	1058,4	2116,8
25002	C	D. mol. hématologie	Alpha-thalassémie; HBA1, HBA2 (-α3.7/αα, -α4.2/αα, -α20.5/αα, --SEA/αα, --MED/αα, --FIL/αα, --THAI/αα)	Supra	212,0	262,88	457,92	915,84
25004	C	D. mol. hématologie	Analyse mutationnelle du domaine kinase de la protéine de fusion BCR-ABL (séquençage)	Supra	232,0	287,68	501,12	1002,24
25007	C	Hémato-immunocytométrie	Sphérocytose héréditaire; éosine-5'-maléimide (EMA) (cytométrie en flux)	Supra	253,0	313,72	546,48	1092,96
25009	C	D. mol. hématologie	Facteur VII (séquençage)	Supra	427,0	529,48	922,32	1844,64
25011	C	D. mol. hématologie	Recherche de mutations dans les gènes de l'hémoglobine associés à l'anémie falciforme et à la bêta-thalassémie (HBB) (séquençage)	Supra	584,0	724,16	1261,44	2522,88
25017	C	D. mol. hématologie	Élément de réponse au fer (IRE) du gène L-Ferritine (FTL) (séquençage)	Supra	218,0	270,32	470,88	941,76
25019	C	D. mol. hématologie	Élément de réponse au fer (IRE) du gène L-Ferritine (FTL) (séquençage)	Supra	218,0	270,32	470,88	941,76

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
25021	C	D. mol. hématologie	Facteur V Leiden (TAAN)	Supra	38,0	47,12	82,08	164,16
25024	C	D. mol. hématologie	Hémoglobine S diag. porteuse et diag. prénatal (séquençage)	Supra	468,0	580,32	1010,88	2021,76
25026	C	D. mol. hématologie	Hémophilie A Facteur VIII; inversion intron 22 (IVS22 inv) (TAAN)	Supra	642,0	796,08	1386,72	2773,44
25028	C	D. mol. hématologie	Hémophilie A ou B (diagnostic de porteuses et prénatal, mutation connue) (séquençage)	Supra	476,0	590,24	1028,16	2056,32
25037	C	D. mol. hématologie	Diagnostic et stratification pronostique des hémopathies malignes (cartographie optique du génome (COG))	Supra	1046,0	1297,04	2259,36	4518,72
25040	C	D. mol. hématologie	Mutation c.20210G>A de la prothrombine (TAAN)	Supra	35,0	43,4	75,6	151,2
25044	C	D. mol. hématologie	Mutation de la protéine C; 3363insC (commun aux Canadiens français) (TAAN)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
25046	C	D. mol. hématologie	Mutation de la protéine C; mutations individuelles Arg178Gln ou Thr298Met (commun aux Canadiens français) (TAAN)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
25047	C	D. mol. hématologie	Détection de la mutation D816V du gène K/T (TAAN)	Supra	70,0	86,8	151,2	302,4
25054	C	D. mol. hématologie	Angioedème (détection de 5 variations génétiques : APP g.2953-3127del et c.-2399C > A, ACE I/D, PAI-1 c.-817dupG, FXII c.1032C > A et c.1032C > G) (TAAN)	Supra	539,0	668,36	1164,24	2328,48
25056	C	D. mol. hématologie	Protéine C (séquençage)	Supra	629,0	779,96	1358,64	2717,28
25060	C	D. mol. oncologie	Thiopurine méthyltransférase (TPMT) enzyme (TPMT*2 (Gly238Cys), TPMT*3A (Gly460Ala et A719G), TPMT*3B (Gly460Ala), et TPMT*3C (Ala719Gly) (TAAN)	Supra	70,0	86,8	151,2	302,4
25080	C	D. mol. hématologie	Hémophilie A et maladie de von Willebrand (gènes F8 et VWF) (SNG)	Supra	665,0	824,6	1436,4	2872,8
30005	C	Bio-clinique	Bêta-hydroxybutyrate (sang total)	Local	8,9	11,036	19,224	38,448
30008	C	Bio-clinique	Acide delta aminolévulinique (delta-ALA) (HPLC)	Supra	483,0	598,92	1043,28	2086,56
30009	C	Bio-clinique	Acide folique (folates)	Régional	3,9	4,836	8,424	16,848
30010		Bio-clinique	Acide lactique (colorimétrique)	Local	4,3	5,332	9,288	18,576
30011	C	Bio-médicament	Acide mycophénolique incluant glucuronides	Supra	41,0	50,84	88,56	177,12
30012	C	Bio-clinique	Acide pyruvique (dosage seulement)	Supra	33,0	40,92	71,28	142,56
30013		Bio-clinique	Acide urique	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30016		Bio-clinique	Alanine amino-transférase (ALT)	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30017		Bio-clinique	Albumine	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30018	C	Bio-toxico.	Alcools (éthanol, méthanol, éthylène glycol, isopropanol, acétone, N-propanol, 1,2-butanediol) (quantitatif)	Régional	75,0	93	162	324
30019	C	Bio-clinique	Aldolase	Supra	11,0	13,64	23,76	47,52
30020	C	Bio-hormone	Aldostérone (sérique)	Régional désigné	15,7	19,468	33,912	67,824
30021	C	Bio-hormone	Aldostérone (urinaire)	Supra	61,0	75,64	131,76	263,52
30022	C	Bio-clinique	Alpha foetoprotéine (AFP)	Régional	7,5	9,3	16,2	32,4
30028	C	Bio-toxico.	Aluminium	Supra	54,0	66,96	116,64	233,28
30029	C	Bio-clinique	Ammoniac	Local	5,4	6,696	11,664	23,328
30030		Bio-clinique	Amylase totale	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30032	C	Bio-clinique	Amylase pancréatique	Local	2,2	2,728	4,752	9,504
30034	C	Bio-hormone	Androsténedione	Régional désigné	10,6	13,144	22,896	45,792
30035	C	Bio-immuno.	Anti-21 hydroxylase	Supra	58,0	71,92	125,28	250,56
30038		Bio-clinique	Antigène carcino-embryonnaire (CEA)	Local	4,4	5,456	9,504	19,008
30039	C	Bio-clinique	Antigène prostatique spécifique (PSA)	Local	4,6	5,704	9,936	19,872
30040	C	Bio-immuno.	Anti-gliadines (IgA)	Régional	13,2	16,368	28,512	57,024
30041	C	Bio-immuno.	Anti-gliadines (IgG)	Régional	13,2	16,368	28,512	57,024
30044	C	Bio-immuno.	Anti-récepteur acétylcholine (AChR)	Supra	55,0	68,2	118,8	237,6
30045	C	Bio-immuno.	Anti-récepteur de la thyrotropine (TSI)	Régional désigné	44,0	54,56	95,04	190,08
30047	C	Bio-immuno.	Anti-thyroglobuline	Régional	11,4	14,136	24,624	49,248
30048		Bio-immuno.	Anti-thyropéroxydase (anti-TPO)	Régional	5,7	7,068	12,312	24,624
30049	C	Bio-immuno.	Anti-transglutaminase	Régional	10,3	12,772	22,248	44,496
30052	C	Bio-clinique	Apolipoprotéine AI	Régional	8,1	10,044	17,496	34,992
30054	C	Bio-clinique	Apolipoprotéine B	Régional	4,2	5,208	9,072	18,144
30060		Bio-clinique	Aspartate amino-transférase (AST)	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30065		Bio-clinique	Alpha-1-antitrypsine (sérique)	Régional	7,0	8,68	15,12	30,24
30068	C	Bio-immuno.	Anti-acide glutamique décarboxylase (GAD) (sérique)	Supra	11,8	14,632	25,488	50,976
30069	C	Bio-EBMD	Gestion des EBMD	Local	0,5	0,62	1,08	2,16
30070	C	Bio-EBMD	Glucose par glucomètre	Local	3,1	3,844	6,696	13,392
30072		Bio-EBMD	Entretien d'un appareil de gaz sanguin hors laboratoire (évaluation complète incluant nettoyage et contrôle)	Local	31,0	38,44	66,96	133,92
30073	C	Bio-médicament	Léflunomide (Arava®)	Supra	48,0	59,52	103,68	207,36
30075	C	Bio-clinique	Vert d'indocyanine (épreuve au)	Supra	177,0	219,48	382,32	764,64
30076	C	Bio-clinique	Acide lactique (par électrode spécifique)	Local	2,8	3,472	6,048	12,096

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
30077	C	Bio-hormone	Bloc surrénalien (prégnénolone, 17-OH prégnénolone, 17-OH progestérone et 11-désoxycortisol)	Supra	69,0	85,56	149,04	298,08
30078	C	Bio-clinique	Procalcitonine	Local	19,8	24,552	42,768	85,536
30079	C	Bio-clinique	Urine (examen microscopique) (automatisé)	Local	2,5	3,1	5,4	10,8
30080	C	Bio-clinique	Bêta-2 microglobuline (B2-M)	Régional	6,9	8,556	14,904	29,808
30081	C	Bio-clinique	Bêta-2 Transferrine (LCR et sérum)	Supra	290,0	359,6	626,4	1252,8
30082	C	Bio-clinique	Bêta-Hydroxybutyrate (sérique)	Local	11,6	14,384	25,056	50,112
30083		Bio-clinique	Bilirubine directe (conjuguée)	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30084		Bio-clinique	Bilirubine totale	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30086	C	Bio-clinique	Bandes oligoclonales (par focalisation) (LCR et sérum)	Supra	92,0	114,08	198,72	397,44
30087	C	Bio-médicament	Flécaïnide (Flecainide®)	Supra	166,0	205,84	358,56	717,12
30088	C	Bio-médicament	Ganciclovir (Cytovene®)	Supra	70,0	86,8	151,2	302,4
30089	C	Bio-médicament	Milrinone (Primacor®)	Supra	140,0	173,6	302,4	604,8
30090	C	Bio-médicament	Posaconazole (Posanol®)	Supra	130,0	161,2	280,8	561,6
30092	C	Bio-médicament	Thiopurine S-méthyltransferase (TPMT)	Supra	53,0	65,72	114,48	228,96
30095	C	Bio-clinique	BNP et NT-PRO-BNP (Brain Natriuretic Peptide)	Local	12,4	15,376	26,784	53,568
30096	C	Bio-médicament	Itraconazole - hydroxyitraconazole (Sporanox®)	Supra	125,0	155	270	540
30099	C	Bio-médicament	Isavuconazole (Cresemba ^{MC})	Supra	83,0	102,92	179,28	358,56
30100		Bio-clinique	CA 125	Régional	6,0	7,44	12,96	25,92
30101		Bio-clinique	CA 15-3 ou 27-29	Régional	6,6	8,184	14,256	28,512
30102		Bio-clinique	CA 19-9	Régional	5,6	6,944	12,096	24,192
30104	C	Bio-hormone	Calcitonine	Supra	36,0	44,64	77,76	155,52
30105	C	Bio-clinique	Calcium total	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30106	C	Bio-clinique	Calcium ionisé mesuré	Local	5,0	6,2	10,8	21,6
30107	C	Bio-clinique	Calculs rénaux (colorimétrie)	Supra	70,0	86,8	151,2	302,4
30108	C	Bio-clinique	Calculs rénaux (spectrométrie)	Supra	36,0	44,64	77,76	155,52
30111	C	Bio-clinique	Carotènes totaux (quantitatif)	Supra	23,0	28,52	49,68	99,36
30112	C	Bio-hormone	Catécholamines plasmatiques	Supra	62,0	76,88	133,92	267,84
30113	C	Bio-hormone	Catécholamines urinaires	Supra	57,0	70,68	123,12	246,24
30114	C	Bio-clinique	Céruloplasmine	Régional	4,6	5,704	9,936	19,872
30115		Bio-clinique	Chlorures	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30116		Bio-clinique	Cholestérol – HDL	Local	0,7	0,868	1,512	3,024
30117	C	Bio-clinique	Cholestérol – LDL (mesuré)	Régional	4,0	4,96	8,64	17,28
30119		Bio-clinique	Cholestérol total	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30120	C	Bio-clinique	Chylomicrons (examen visuel après 24h)	Local	2,8	3,472	6,048	12,096
30121	C	Bio-clinique	Citrates (urine)		5,0	6,2	10,8	21,6
30123		Bio-clinique	CK-MB masse		3,2	3,968	6,912	13,824
30124	C	Bio-clinique	CO ₂ total ou bicarbonate (dosage seulement)		2,2	2,728	4,752	9,504
30127	C	Bio-hormone	Cortisol libre urinaire incluant extraction		18,3	22,692	39,528	79,056
30128	C	Bio-hormone	Cortisol sérique ou urinaire sans extraction		3,7	4,588	7,992	15,984
30130		Bio-clinique	CK total		0,6	0,744	1,296	2,592
30131	C	Bio-clinique	CK (électrophorèse)		42,0	52,08	90,72	181,44
30132		Bio-clinique	Créatinine		0,6	0,744	1,296	2,592
30133	C	Bio-clinique	Cristaux (liquide synovial)		43,0	53,32	92,88	185,76
30135	C	Bio-clinique	Cystine (qualitatif)		16,5	20,46	35,64	71,28
30136	C	Bio-clinique	Cystine (HPLC)		96,0	119,04	207,36	414,72
30137	C	Bio-clinique	Chromogranine A		41,0	50,84	88,56	177,12
30138	C	Bio-clinique	D-lactate		96,0	119,04	207,36	414,72
30140	C	Dépistage prénatal	Estriol libre	Supra	8,7	10,788	18,792	37,584
30142	C	Bio-clinique	Cystatine C (immunoturbidimétrie)	Régional désigné	4,9	6,076	10,584	21,168
30150	C	Bio-hormone	Déhydroépiandrostérone (DHEA)	Supra	18,8	23,312	40,608	81,216
30151	C	Bio-hormone	Déhydroépiandrostérone (sulfate de) (DHEA-S)	Régional	9,1	11,284	19,656	39,312
30153	C	Bio-clinique	Densité réfractométrie unique (exclut bandelette)	Local	4,1	5,084	8,856	17,712
30155	C	Bio-clinique	Décantation micro-méthode	Local	8,3	10,292	17,928	35,856
30158	C	Bio-clinique	Dexaméthasone (LC-MS/MS)	Supra	11,2	13,888	24,192	48,384
30160	N	Bio-hormone	Aldostérone (sérique) (LC-MS/MS)	Supra	18,1	22,444	39,096	78,192
30170	C	Bio-clinique	Élastase fécale	Supra	56,0	69,44	120,96	241,92
30171	C	Bio-clinique	Électrophorèse des lipoprotéines	Supra	37,0	45,88	79,92	159,84
30173	C	Bio-clinique	Électrophorèse des protéines (sérum)	Régional	12,3	15,252	26,568	53,136
30174	C	Bio-clinique	Électrophorèse des protéines (urine)	Régional	28,0	34,72	60,48	120,96
30176		Bio-clinique	Enzyme de conversion angiotensine (ACE)	Régional désigné	6,7	8,308	14,472	28,944
30177	C	Bio-toxico.	Ethanol (alcool éthylique)	Local	3,1	3,844	6,696	13,392
30178	C	Bio-médicament	Ethosuximide (Zarontin®)	Supra	78,0	96,72	168,48	336,96
30181	C	Bio-clinique	Électrophorèse des protéines par méthode capillaire	Régional	8,6	10,664	18,576	37,152
30182	C	Bio-clinique	Immunofixation avec sérum pentavalent	Régional	14,0	17,36	30,24	60,48
30183	C	Dépistage prénatal	Protéine A associée à la grossesse (PAPP-A)	Supra	11,0	13,64	23,76	47,52

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
30186	C	Bio-clinique	Sueur (test à la) (conductivité)	Régional	26,0	32,24	56,16	112,32
30188	N*	Dépistage prénatal	Facteur de croissance placentaire (PIGF)	Supra	17,5	21,7	37,8	75,6
30190	C	Bio-clinique	Fer (capacité de fixation) (UIBC ou TIBC)	Local	2,3	2,852	4,968	9,936
30191		Bio-clinique	Fer (sérum)	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30193	C	Bio-clinique	Ferritine	Local	3,3	4,092	7,128	14,256
30194	C	Bio-clinique	Test du travail prématuré (fibronectine foetale)	Local	130,0	161,2	280,8	561,6
30195	C	Bio-clinique	Acide folique érythrocytaire	Régional	7,0	8,68	15,12	30,24
30196	C	Bio-clinique	Fructosamine	Régional	2,4	2,976	5,184	10,368
30197	C	Bio-clinique	Dosage du FGF23 : dosage immunologique par chimiluminescence (CLIA)	Supra	93,0	115,32	200,88	401,76
30198	C	Bio-clinique	Test de rupture de membrane	Local	55,0	68,2	118,8	237,6
30209	C	Bio-clinique	Transferrine carboxy déficiente (CDT)	Supra	50,0	62	108	216
30210		Bio-clinique	Gamma glutamyl transférase (GGT)	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30211	C	Bio-hormone	Gastrine	Supra	11,7	14,508	25,272	50,544
30212	C	Bio-clinique	Gaz sanguins (pO ₂ , pCO ₂ , pH, HCO ₃ , COHb, méthHb, oxyHb, SulfHb, CO ₂ total)	Local	5,9	7,316	12,744	25,488
30214		Bio-clinique	Glucose	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30215	C	Bio-clinique	Glycérol libre	Supra	4,2	5,208	9,072	18,144
30230	C	Hémo-érythrocytaire	Hémoglobine foetale ou adulte (APT test) (selles)	Local	24,0	29,76	51,84	103,68
30233	C	Bio-clinique	Hémosidérine (urine)	Régional	33,0	40,92	71,28	142,56
30234	C	Bio-clinique	Homocystéine	Supra	86,0	106,64	185,76	371,52
30235	C	Bio-clinique	Homocystéine (immuno-enzymatique)	Régional	10,2	12,648	22,032	44,064
30237	C	Bio-hormone	Hormone adrénocorticotrope (ACTH)	Régional désigné	10,4	12,896	22,464	44,928
30239	C	Bio-hormone	Hormone de croissance (HGH)	Supra	9,1	11,284	19,656	39,312
30240	C	Bio-hormone	Hormone folliculo-stimulante (FSH)	Régional	3,4	4,216	7,344	14,688
30241	C	Bio-hormone	Hormone gonadotrope chorionique (HCG) (sérum ou urine) (qualitatif)	Local	6,8	8,432	14,688	29,376
30242	C	Bio-hormone	Hormone gonadotrope chorionique (HCG) (sérum) (quantitatif)	Local	5,0	6,2	10,8	21,6
30243	C	Bio-hormone	Hormone lutéinisante (LH)	Régional	3,4	4,216	7,344	14,688
30244		Bio-hormone	Hormone parathyroïdienne (PTH)	Régional	5,5	6,82	11,88	23,76
30245	C	Bio-hormone	5-HIAA -HVA-VMA	Supra	40,0	49,6	86,4	172,8
30246	C	Bio-clinique	Hydrogène dans l'haleine (intolérance au lactose)	Supra	78,0	96,72	168,48	336,96
30248		Bio-clinique	Hémoglobine glyquée (HbA1c)	Local	3,8	4,712	8,208	16,416
30249	C	Bio-clinique	Hémoglobine glyquée (HbA1c) prétraitement seulement	Local	1,7	2,108	3,672	7,344
30250	N*	Dépistage prénatal	Hormone gonadotrope chorionique libre (fHCG)	Supra	10,8	13,392	23,328	46,656
30262	C	Bio-hormone	Interleukine-6 (IL-6)	Supra	23,0	28,52	49,68	99,36
30268	C	Bio-clinique	Immunofixation des protéines sériques	Régional	77,0	95,48	166,32	332,64
30269	C	Bio-clinique	Immunofixation des protéines urinaires	Régional	82,0	101,68	177,12	354,24
30273	C	Bio-clinique	Immunoglobulines IgA	Régional	3,6	4,464	7,776	15,552
30274	C	Bio-clinique	Immunoglobulines IgD	Supra	66,0	81,84	142,56	285,12
30276		Bio-clinique	Immunoglobulines IgE totale	Régional	6,1	7,564	13,176	26,352
30277	C	Bio-clinique	Immunoglobulines IgG	Régional	4,0	4,96	8,64	17,28
30278	C	Bio-clinique	Immunoglobulines IgG (sous-classes)	Régional désigné	9,6	11,904	20,736	41,472
30279		Bio-clinique	Immunoglobulines IgM	Régional	3,5	4,34	7,56	15,12
30282	C	Dépistage prénatal	Inhibine A	Supra	16,0	19,84	34,56	69,12
30283		Bio-hormone	Insuline	Régional	4,5	5,58	9,72	19,44
30285		Bio-clinique	Chaînes légères libres (Kappa/Lambda) (sériques)	Régional	26,0	32,24	56,16	112,32
30286	C	Bio-clinique	Immunoglobulines IgE spécifiques (RAST ou allergène spécifique) (allergènes communs)	Supra	16,9	20,956	36,504	73,008
30287	C	Bio-clinique	Immunoglobulines IgE spécifiques (RAST ou allergène spécifique) (allergènes occasionnels)	Supra	19,9	24,676	42,984	85,968
30288		Bio-clinique	Immunoglobulines IgE spécifiques (RAST ou allergène spécifique) (allergènes moléculaires)	Supra	22,0	27,28	47,52	95,04
30301		Bio-clinique	Lactate déshydrogénase (LD)	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30306	C	Bio-clinique	Lipase	Local	2,2	2,728	4,752	9,504
30308	C	Bio-clinique	Lipoprotéine A (Lp(a))	Régional	4,0	4,96	8,64	17,28
30329	C	Bio-hormone	Catécholamines et métanéphrines libres (urine)	Supra	49,0	60,76	105,84	211,68
30330	C	Bio-clinique	Macro-enzyme ou Macro-protéine (recherche) (précipitation)	Régional	45,0	55,8	97,2	194,4
30332		Bio-clinique	Magnésium total	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30335	C	Bio-médicament	Azathioprine (6MMP, 6-TG) / Mercaptopurine (6MP) (incluant prétraitement) (Imuran® / Purinethol®)	Supra	93,0	115,32	200,88	401,76
30336	C	Bio-hormone	Métanéphrines (urine)	Supra	32,0	39,68	69,12	138,24
30337	C	Bio-clinique	Microalbumine (urine)	Local	2,7	3,348	5,832	11,664
30340	C	Bio-clinique	Myoglobine (urine)	Local	16,0	19,84	34,56	69,12
30360		Bio-hormone	Oestradiol-17B	Régional	4,5	5,58	9,72	19,44
30362	C	Bio-clinique	Osmolalité	Local	7,0	8,68	15,12	30,24
30363	C	Bio-hormone	Ostéocalcine	Régional	11,0	13,64	23,76	47,52

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
30364	C	Bio-clinique	Oxalates (urine ou plasma)	Régional	14,5	17,98	31,32	62,64
30370	C	Bio-clinique	Anticorps circulant anti-récepteur de la phospholipase A2 (anti-PLA2R) (ELISA) (quantitatif)	Supra	79,0	97,96	170,64	341,28
30371	C	Bio-clinique	Anticorps circulant anti-récepteur de la phospholipase A2 (anti-PLA2R) (IIFT) (qualitatif)	Supra	169,0	209,56	365,04	730,08
30375	C	Bio-clinique	sFlt-1 / PIGF (investigation de la prééclampsie)	Régional désigné	43,0	53,32	92,88	185,76
30379	N*	Bio-clinique	Pentobarbital (HPLC-MS/MS)	Supra	107,0	132,68	231,12	462,24
30382	C	Bio-hormone	Peptide C	Régional désigné	10,4	12,896	22,464	44,928
30383	C	Bio-clinique	pH (liquide biologique)	Local	5,2	6,448	11,232	22,464
30386		Bio-clinique	Phosphatase alcaline	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30388	C	Bio-clinique	Phosphatase alcaline (électrophorèse)	Supra	139,0	172,36	300,24	600,48
30389	C	Bio-clinique	Phosphatase alcaline placentaire (PAPLA)	Supra	40,0	49,6	86,4	172,8
30391		Bio-clinique	Phosphore	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30393	C	Bio-clinique	Porphobilinogène (PBG) (quantitatif)	Supra	385,0	477,4	831,6	1663,2
30394	C	Bio-clinique	Porphyrines (plasma) (quantitatif)	Supra	162,0	200,88	349,92	699,84
30397	C	Bio-clinique	Porphyrines (uro ou copro) (urine) (quantitatif)	Supra	50,0	62	108	216
30398		Bio-clinique	Potassium	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30399	C	Bio-clinique	Préalbumine	Local	3,6	4,464	7,776	15,552
30400		Bio-hormone	Progestérone	Régional	3,7	4,588	7,992	15,984
30401	C	Bio-hormone	Progestérone (17-hydroxy)	Supra	15,9	19,716	34,344	68,688
30402		Bio-hormone	Prolactine	Régional	3,6	4,464	7,776	15,552
30404	C	Bio-clinique	Protéines totales (autres liquides)	Local	2,2	2,728	4,752	9,504
30405		Bio-clinique	Protéines totales (sérum)	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30406	C	Bio-clinique	Protoporphyrines érythrocytaires	Supra	248,0	307,52	535,68	1071,36
30407		Bio-clinique	Antigène prostatique libre (PSA)	Régional	5,9	7,316	12,744	25,488
30409	C	Bio-clinique	Pseudocholinestérase (typage) (FN + DN)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
30412	C	Bio-clinique	Protéine C réactive (CRP) (inclut ultrasensible)	Local	3,2	3,968	6,912	13,824
30450	C	Bio-hormone	Rénine	Régional désigné	17,9	22,196	38,664	77,328
30452	C	Bio-clinique	Porphyrines (selles) (dosage fractionné) (quantitatif)	Supra	132,0	163,68	285,12	570,24
30455	N*	Bio-clinique	Dosage procollagen type 1 N terminal (P1NP) (ECLIA)	Supra	32,0	39,68	69,12	138,24
30469	C	Bio-clinique	Recherche immunochimique de sang dans les selles (RSOSi)	Supra	4,9	6,076	10,584	21,168
30470	C	Bio-clinique	Sang dans les liquides biologiques (qualitatif)	Local	10,2	12,648	22,032	44,064
30471	C	Bio-clinique	Sang dans les selles (qualitatif)	Local	6,5	8,06	14,04	28,08
30472	C	Bio-clinique	Carcinome cellule squameuse (SCC)	Supra	8,8	10,912	19,008	38,016
30474	C	Bio-clinique	Selles (mesure du poids sur 24 heures)	Local	8,1	10,044	17,496	34,992
30476	C	Bio-hormone	Sérotonine (HPLC)	Supra	245,0	303,8	529,2	1058,4
30477	C	Bio-hormone	Sex hormone binding globulin (SHBG)	Régional	4,3	5,332	9,288	18,576
30478		Bio-clinique	Sodium	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30479	C	Bio-hormone	Somatomédine C (IGF-1)	Régional désigné	6,9	8,556	14,904	29,808
30479	C	Bio-hormone	Somatomédine C (IGF-1)	Régional désigné	6,9	8,556	14,904	29,808
30482	C	Bio-clinique	Sueur (test à la) (iontophorèse) (stimulation, prélèvement)	Local	75,0	93	162	324
30485	C	Dépistage prénatal	Trisomie 21 – dépistage prénatal (gestion des données)	Supra	28,0	34,72	60,48	120,96
30500	C	Bio-hormone	T3 total (triiodothyronine totale) ou libre	Local	3,5	4,34	7,56	15,12
30502	C	Bio-hormone	T4L (thyroxine libre)	Local	2,7	3,348	5,832	11,664
30504		Bio-hormone	Télopeptides (C ou N) (sérum)	Régional	8,5	10,54	18,36	36,72
30506		Bio-hormone	Testostérone totale	Régional	5,8	7,192	12,528	25,056
30508	C	Bio-hormone	Thyroglobuline	Régional	11,5	14,26	24,84	49,68
30511	C	Bio-clinique	Transferrine	Local	2,7	3,348	5,832	11,664
30512		Bio-clinique	Triglycérides	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30513		Bio-clinique	Troponine T ou I	Local	4,3	5,332	9,288	18,576
30515		Bio-clinique	Tryptase	Supra	30,0	37,2	64,8	129,6
30516	C	Bio-hormone	TSH (hormone thyroïdienne)	Local	2,2	2,728	4,752	9,504
30517	C	Bio-clinique	Sueur (test à la) (dosage du chlorure) (titration)	Régional	26,0	32,24	56,16	112,32
30518	C	Bio-hormone	Testostérone sérique par LC-MS/MS	Supra	12,2	15,128	26,352	52,704
30531		Bio-clinique	Urée	Local	0,6	0,744	1,296	2,592
30532	C	Bio-clinique	Urine (examen microscopique)	Local	9,0	11,16	19,44	38,88
30533	C	Bio-clinique	Urine (examen sommaire)	Local	2,8	3,472	6,048	12,096
30534	C	Bio-clinique	Urine (mesure du volume pour collecte minutée)	Local	8,5	10,54	18,36	36,72
30535	C	Bio-clinique	Acides biliaires totaux (dosage)	Régional	26,0	32,24	56,16	112,32
30536	C	Bio-clinique	Calprotectine fécale (dosage, éluant extraction)	Régional désigné	12,2	15,128	26,352	52,704
30537	C	Bio-clinique	Calprotectine fécale (extraction)	Local	8,5	10,54	18,36	36,72
30549	C	Bio-clinique	Vitamine A (méthode fluorométrique)	Supra	9,4	11,656	20,304	40,608
30550	C	Hémo-érythrocytaire	Viscosité plasmatique	Régional	28,0	34,72	60,48	120,96
30551	C	Bio-clinique	Vitamine A + E (HPLC) (incluant β -carotène)	Supra	46,0	57,04	99,36	198,72
30553	C	Bio-clinique	Vitamine B12	Local	3,3	4,092	7,128	14,256
30554	C	Bio-clinique	Vitamine C	Supra	15,5	19,22	33,48	66,96

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
30555	C	Bio-clinique	Vitamine D 1-25 diOH	Supra	26,0	32,24	56,16	112,32
30556	C	Bio-clinique	Vitamine D 25 OH	Régional	7,1	8,804	15,336	30,672
30557	C	Bio-clinique	Vitamines hydrosolubles (B1 et B6) (quantitatif) (HPLC)	Supra	23,0	28,52	49,68	99,36
30581	C	Bio-clinique	Xanthochromie LCR (mesurée)	Régional	21,0	26,04	45,36	90,72
30581	C	Bio-clinique	Xylose	Supra	55,0	68,2	118,8	237,6
30583	C	Bio-clinique	Phosphatase alcaline osseuse	Régional	5,3	6,572	11,448	22,896
30584	C	Bio-hormone	Cortisol salivaire	Supra	17,9	22,196	38,664	77,328
30585	C	Bio-hormone	Inhibine B	Supra	82,0	101,68	177,12	354,24
30586	C	Bio-hormone	Métanéphrines plasmatiques libres	Supra	52,0	64,48	112,32	224,64
30587		Bio-hormone	Hormone anti Müllerian (AMH)	Régional désigné	24,0	29,76	51,84	103,68
30588	C	Bio-hormone	3-méthoxytyramine (sérique)	Supra	52,0	64,48	112,32	224,64
30589	C	Bio-clinique	Dosage de la protéine apparentée à la parathormone (PTHrP)	Supra	122,0	151,28	263,52	527,04
30600	C	Bio-médicament	Acétaminophène	Local	3,7	4,588	7,992	15,984
30601		Bio-médicament	Acide valproïque	Local	5,7	7,068	12,312	24,624
30602		Bio-médicament	Amikacine	Régional	7,5	9,3	16,2	32,4
30603	C	Bio-médicament	Amiodarone (Cordarone®)	Supra	223,0	276,52	481,68	963,36
30604		Bio-toxico.	Amphétamines / méthamphétamine (autre que bandelette) (automatisé)	Local	5,4	6,696	11,664	23,328
30607		Bio-toxico.	Antidépresseurs tricycliques (autre que bandelette) (automatisé) (immunoenzymatique)	Local	4,4	5,456	9,504	19,008
30608	C	Bio-médicament	Antidépresseurs tricycliques et non tricycliques (GC 9 résultats)	Supra	152,0	188,48	328,32	656,64
30610	C	Bio-médicament	Flucytosine (5-FC) (Ancotil®)	Supra	256,0	317,44	552,96	1105,92
30615	C	Bio-médicament	Dosage sanguin de la fludarabine (HPLC-MS/MS)	Supra	56,0	69,44	120,96	241,92
30619	C	Bio-toxico.	Éthylglucuronide et éthylsulfate (LC-MS/MS)	Supra	72,0	89,28	155,52	311,04
30620	C	Bio-toxico.	Barbituriques (autre que bandelette) (automatisé)	Local	8,4	10,416	18,144	36,288
30621		Bio-toxico.	Benzodiazépines (autre que bandelette) (automatisé)	Local	4,7	5,828	10,152	20,304
30623	C	Bio-médicament	Busulfan (Myleran®)	Supra	190,0	235,6	410,4	820,8
30625	C	Bio-toxico.	Buprénorphine (méthode immunoenzymatique homogène, semi-quantitatif)	Supra	18,2	22,568	39,312	78,624
30630	C	Bio-médicament	Carbamazépine	Local	8,2	10,168	17,712	35,424
30631	C	Bio-médicament	Cyclosporine (Neoral®)	Supra	19,5	24,18	42,12	84,24
30632	C	Bio-médicament	Clozapine et nor-clozapine (Clozaril®)	Supra	45,0	55,8	97,2	194,4
30633	C	Bio-médicament	Clozapine (dosage immunologique)	Régional désigné	26,0	32,24	56,16	112,32
30634	N	Bio-médicament	Cyclosporine (méthode immunologique)	Régional désigné	19,6	24,304	42,336	84,672
30640		Bio-médicament	Digoxine	Local	6,2	7,688	13,392	26,784
30642	C	Bio-médicament	Antirétroviraux (ARV) / programme provincial de dosage des médicaments antirétroviraux	Supra	66,0	81,84	142,56	285,12
30643	C	Bio-médicament	Dosage de médicaments antituberculeux	Supra	102,0	126,48	220,32	440,64
30660	C	Bio-médicament	Clobazam (Frisium®)	Supra	120,0	148,8	259,2	518,4
30671	C	Bio-médicament	Gentamicine	Local	4,5	5,58	9,72	19,44
30680	C	Bio-médicament	Hypoglycémisants oraux	Supra	32,0	39,68	69,12	138,24
30682	N*	Bio-médicament	Imatinib et norimatinib (HPLC-MS/MS)	Supra	128,0	158,72	276,48	552,96
30690	C	Bio-médicament	Lamotrigine (Lamictal®)	Supra	92,0	114,08	198,72	397,44
30691	C	Bio-médicament	Lidocaïne (Xylocaïne®)	Supra	58,0	71,92	125,28	250,56
30692	C	Bio-médicament	Lithium (Li)	Local	3,9	4,836	8,424	16,848
30693	C	Bio-médicament	Lithium intra-érythrocytaire (Li)	Supra	9,9	12,276	21,384	42,768
30694	C	Bio-médicament	Linézolide (dosage plasmatique)	Supra	78,0	96,72	168,48	336,96
30695		Bio-médicament	Adalimumab (Humira®)	Supra	53,0	65,72	114,48	228,96
30696	C	Bio-médicament	Anticorps anti-Adalimumab (Humira®)	Supra	64,0	79,36	138,24	276,48
30697		Bio-médicament	Panel anticonvulsivant (LC-MS/MS)	Supra	30,0	37,2	64,8	129,6
30701		Bio-toxico.	Méthadone (autre que bandelette) (automatisé)	Local	5,8	7,192	12,528	25,056
30702	C	Bio-médicament	Méthotrexate	Régional	43,0	53,32	92,88	185,76
30703	C	Bio-médicament	Mitotane (Lysodren®)	Supra	21,0	26,04	45,36	90,72
30704	C	Bio-médicament	Méthotrexate, 7-OH-méthotrexate et acide 2,4-diamino-N-méthylptéroïque (DAMPA) (LC-MS-MS)	Supra	147,0	182,28	317,52	635,04
30711	C	Bio-médicament	Nitisinome (NTBC) (Orfadin®)	Supra	35,0	43,4	75,6	151,2
30720	C	Bio-médicament	Olanzapine (Zyprexa®)	Supra	63,0	78,12	136,08	272,16
30730	C	Bio-médicament	Phénobarbital	Local	7,6	9,424	16,416	32,832
30731		Bio-médicament	Phénytoïne	Local	5,6	6,944	12,096	24,192
30732	C	Bio-médicament	Phénytoïne libre	Supra	163,0	202,12	352,08	704,16
30733	C	Bio-médicament	Primidone (incluant phénobarbital) (Mysoline®)	Supra	63,0	78,12	136,08	272,16
30759	C	Bio-médicament	Évérolimus (Afinitor®)	Supra	132,0	163,68	285,12	570,24
30760	C	Bio-médicament	Salicylates	Local	3,9	4,836	8,424	16,848
30761	C	Bio-médicament	Sirolimus (Rapamune®)	Supra	23,0	28,52	49,68	99,36
30769	N	Bio-médicament	Tacrolimus (méthode immunologique)	Régional désigné	19,6	24,304	42,336	84,672
30770	C	Bio-médicament	Tacrolimus (FK-506) (Prograf®)	Supra	19,0	23,56	41,04	82,08
30771	C	Bio-médicament	Théophylline	Local	6,2	7,688	13,392	26,784

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
30773	C	Bio-médicament	Tobramycine	Local	8,4	10,416	18,144	36,288
30780		Bio-médicament	Vancomycine	Local	4,3	5,332	9,288	18,576
30781	C	Bio-médicament	Voriconazole (Vfend®)	Supra	101,0	125,24	218,16	436,32
30782	C	Bio-médicament	Mesure de l'activité de la L-Asparaginase	Supra	45,0	55,8	97,2	194,4
30831		Bio-toxico.	Cannabinoïdes (THC) (autre que bandelette) (automatisé)	Local	4,2	5,208	9,072	18,144
30834		Bio-toxico.	Cocaïne (autre que bandelette) (automatisé)	Local	5,0	6,2	10,8	21,6
30850	C	Bio-toxico.	Drogues (cannabis-THC, benzoylécgonine-cocaïne) (HPLC ou GCMS)	Supra	139,0	172,36	300,24	600,48
30851	C	Bio-toxico.	Drogues de rue / bandelette / drogue	Local	2,9	3,596	6,264	12,528
30860	C	Bio-toxico.	Fer (analyse dans les biopsies)	Supra	129,0	159,96	278,64	557,28
30883	C	Bio-toxico.	Oxycodone (autre que bandelette) (automatisé)	Local	17,8	22,072	38,448	76,896
30890	C	Bio-toxico.	Opiacés (autre que dépistage) (automatisé)	Local	3,6	4,464	7,776	15,552
30891	C	Bio-toxico.	PCP (autre que dépistage) (automatisé)	Local	2,7	3,348	5,832	11,664
30893	C	Bio-toxico.	Dépistage toxicologique général (GCMS/NPD) (sérum-plasma-urine-liquide gastrique)	Supra	208,0	257,92	449,28	898,56
30980	C	Bio-toxico.	Zinc (spectrophotométrie)	Supra	9,9	12,276	21,384	42,768
30981	C	Bio-toxico.	Zinc (ICP-MS)	Supra	31,0	38,44	66,96	133,92
31042	C	Bio-immuno.	Panel anticorps anti-neuronaux (anti-HU, anti-RI, anti-YO, anti-CV2, anti-PMNA2 et anti-amphiphysine) (immunoblot)	Supra	47,0	58,28	101,52	203,04
31050	C	Bio-immuno.	Panel anticorps anti-neuronaux (anti-HU, anti-RI, anti-YO, anti-CV2, anti-PMNA2 et anti-amphiphysine) (immunofluorescence)	Supra	15,2	18,848	32,832	65,664
31098	C	Bio-médicament	Infliximab (Remicade®)	Supra	47,0	58,28	101,52	203,04
31099	C	Bio-médicament	Anticorps anti-Infliximab (Remicade®)	Supra	47,0	58,28	101,52	203,04
40005	C	Micro-bact.	<i>Helicobacter pylori</i> (antigène dans les selles)	Local	31,0	38,44	66,96	133,92
40007	C	Micro-bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (Ag) glutamate déshydrogénase (ELISA sur membrane) (test rapide) (selles)	Local	19,8	24,552	42,768	85,536
40008	C	Micro-bact.	<i>Helicobacter pylori</i> (test respiratoire à l'urée) (spectrométrie de masse à ratio isotopique)	Supra	17,4	21,576	37,584	75,168
40018	C	D. mol. infectiologie	Carbapénémase (TAAN) (trousse non homologuée)	Régional désigné	54,0	66,96	116,64	233,28
40019	N	Micro-bact.	Carbapénémases (test rapide immunologique qualitatif) (NG-Test® CARBA 5)	Régional	37,0	45,88	79,92	159,84
40020	C	Micro-bact.	Bactérie Gram négatif multirésistance (bêta-lactamase-ESBL, carbapénémase) (dépistage)	Local	9,2	11,408	19,872	39,744
40021	C	Micro-bact.	<i>Helicobacter pylori</i> (culture sur biopsie gastrique)	Régional	23,0	28,52	49,68	99,36
40022	C	Micro-bact.	<i>Helicobacter pylori</i> (uréase rapide sur biopsie gastrique)	Local	11,4	14,136	24,624	49,248
40025	C	Micro-bact.	Bronchoscopie (culture quantitative)	Local	8,9	11,036	19,224	38,448
40026	C	Micro-bact.	Bronchoscopie (culture semi-quantitative)	Local	13,4	16,616	28,944	57,888
40046	C	Micro-bact.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) (dilution en bouillon - méthode Sensititre) (par bactérie)	Local	41,0	50,84	88,56	177,12
40047	C	Micro-bact.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) microplaque / carte automatisée (par bactérie)	Local	19,0	23,56	41,04	82,08
40048	C	Micro-bact.	Concentration minimale inhibitrice en diffusion (CMI) (bandelette) (par antibiotique et par bactérie)	Local	26,0	32,24	56,16	112,32
40049	C	Micro-bact.	Cathéter (culture semi-quantitative)	Local	12,9	15,996	27,864	55,728
40051	C	Micro-bact.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) (dilution en agar) (steer) (par bactérie)	Régional	39,0	48,36	84,24	168,48
40053	C	Micro-bact.	Ensemencement sans identification	Local	3,0	3,72	6,48	12,96
40063	C	Micro-bact.	<i>Enterococcus</i> résistant à la vancomycine (ERV) (culture spécifique) (dépistage par gélose chromogénique)	Local	5,4	6,696	11,664	23,328
40065	C	Micro-bact.	Expectorations (bactériologie) (inclut spécimen rejeté après Gram)	Local	15,0	18,6	32,4	64,8
40080	C	Micro-bact.	Gorge (culture Strepto A, C, G ou bêta-hémolytique)	Local	11,2	13,888	24,192	48,384
40101	C	Micro-bact.	Hémoculture (1 bouteille : aérobie ou anaérobie)	Local	12,2	15,128	26,352	52,704
40102	C	Micro-bact.	Hémoculture (2 bouteilles : aérobie + anaérobie)	Local	20,0	24,8	43,2	86,4
40103	C	Micro-bact.	Identification d'une bactérie après incubation courte, à partir d'une hémoculture, au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse – MALDI-TOF)	Régional	10,0	12,4	21,6	43,2
40124	C	Micro-bact.	Identification d'une bactérie au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse – MALDI-TOF)	Régional	4,0	4,96	8,64	17,28
40125	C	Micro-bact.	Identification d'un micro-organisme au genre ou à l'espèce (galeries API)	Local	28,0	34,72	60,48	120,96
40126	C	Micro-bact.	Identification d'un micro-organisme au genre ou à l'espèce (cartes d'identification sur automates tels que VITEK®, Phoenix® ou MicroScan®)	Local	8,0	9,92	17,28	34,56
40127	C	Micro-bact.	Ensemble des tests d'orientation préalables à l'identification d'un micro-organisme (sur colonie)	Local	7,3	9,052	15,768	31,536
40128	C	Micro-bact.	Ensemble des tests d'orientation préalables à l'identification d'un micro-organisme (par MALDI-TOF)	Local	7,3	9,052	15,768	31,536
40130	C	Micro-bact.	Coloration Gram (sur colonie)	Local	9,5	11,78	20,52	41,04
40140	C	Micro-bact.	Kirby Bauer (par bactérie) (antibiogramme par diffusion)	Local	11,8	14,632	25,488	50,976
40160		Micro-bact.	<i>Legionella</i> (antigène urinaire)	Local	45,0	55,8	97,2	194,4
40161	C	Micro-bact.	<i>Legionella</i> (culture sur spécimen clinique)	Local	34,0	42,16	73,44	146,88

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
40164	C	Micro-bact.	Liquide céphalo-rachidien (LCR) (culture)	Local	21,0	26,04	45,36	90,72
40165	C	Micro-bact.	Liquide biologique (autre que LCR) (culture)	Local	47,0	58,28	101,52	203,04
40200	C	Micro-bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> (culture) (tous sites)	Local	22,0	27,28	47,52	95,04
40201	C	Micro-bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> (nez) (culture) (sauf SARM)	Local	11,1	13,764	23,976	47,952
40202	C	Micro-bact.	<i>Nocardia</i> (culture)	Régional	43,0	53,32	92,88	185,76
40220	C	Micro-bact.	Oreille ou conduit auditif externe (culture)	Local	12,4	15,376	26,784	53,568
40240		Micro-bact.	Pneumocoque (antigène urinaire) (urine ou LCR)	Local	34,0	42,16	73,44	146,88
40242	C	Micro-bact.	Pus profond (avec recherche d'anaérobies, incluant <i>Actinomyces</i>)	Local	18,1	22,444	39,096	78,192
40243	C	Micro-bact.	Pus superficiel (sans recherche d'anaérobies)	Local	11,3	14,012	24,408	48,816
40260	C	Micro-bact.	Sécrétions conjonctivales (culture)	Local	17,7	21,948	38,232	76,464
40261	C	Micro-bact.	Sécrétions trachéobronchiques (culture)	Local	22,0	27,28	47,52	95,04
40262	C	Micro-bact.	Sécrétions vaginales (culture, état frais, KOH)	Local	9,4	11,656	20,304	40,608
40263	C	Micro-bact.	Selles (culture)	Local	24,0	29,76	51,84	103,68
40264	C	Micro-bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (toxines A et B) (test rapide) (ELISA sur membrane) (selles)	Local	35,0	43,4	75,6	151,2
40265	C	Micro-bact.	Spécimen respiratoire pour fibrose kystique pancréas (FKP) (culture) (incluant <i>Burkholderia cepacia</i> et <i>Pseudomonas</i>)	Régional	47,0	58,28	101,52	203,04
40266	C	Micro-bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> résistant à la méthicilline (SARM) (culture spécifique) (dépistage par gélose chromogénique)	Local	8,1	10,044	17,496	34,992
40268	C	Micro-bact.	Streptocoque du groupe A (détection d'antigène) (test rapide sur spécimen clinique)	Local	21,0	26,04	45,36	90,72
40269	C	Micro-bact.	Streptocoque du groupe B culture recto-vaginale	Local	14,3	17,732	30,888	61,776
40270	C	Micro-bact.	Streptocoque du groupe B culture recto-vaginale (agglutination sur bouillon)	Local	19,5	24,18	42,12	84,24
40271	C	Micro-bact.	Stérilité (produit sanguin)	Local	45,0	55,8	97,2	194,4
40280	C	Micro-bact.	Sécrétions vaginales (Gram direct pour vaginose)	Local	26,0	32,24	56,16	112,32
40285	C	Micro-bact.	Préparation des selles pour transplantation de matière fécale (TMF) (sans encapsulation)	Local	186,0	230,64	401,76	803,52
40286	C	Micro-bact.	Préparation des selles pour transplantation de matière fécale (TMF) (avec encapsulation)	Local	670,0	830,8	1447,2	2894,4
40310	C	Micro-bact.	Urine (toutes méthodes de prélèvement)	Local	9,5	11,78	20,52	41,04
40352		Micro-bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (GDH) + (toxines A et B) (ELISA sur membrane) (test rapide) (selles)	Local	25,0	31	54	108
40400	C	Micro-enviro.	Culture environnementale (par spécimen clinique) stérilité (par ampoule ou caps) (ATTEST)	Local	8,3	10,292	17,928	35,856
40401	C	Micro-enviro.	Culture environnementale par site (air)	Local	5,9	7,316	12,744	25,488
40403	C	Micro-enviro.	Préparation pour culture environnementale par site (eau) (intra-hospitalière)	Local	14,2	17,608	30,672	61,344
40405	C	Micro-enviro.	Culture environnementale pour <i>Aspergillus</i>	Local	11,3	14,012	24,408	48,816
40420	C	Micro-enviro.	Culture environnementale (autre) (intra-hospitalière)	Local	11,8	14,632	25,488	50,976
40450	C	Micro-enviro.	Culture environnementale pour <i>Legionella</i>	Local	56,0	69,44	120,96	241,92
40480	C	Micro-enviro.	Stérilité (préparation pharmaceutique)	Local	22,0	27,28	47,52	95,04
40602	C	Micro-imm-séro.	<i>Aspergillus</i> IgG ou Ac totaux (par Ag) (contre-immunoélectrophorèse)	Supra	14,6	18,104	31,536	63,072
40603		Micro-imm-séro.	Diphtérie IgG ou Ac totaux	Supra	27,0	33,48	58,32	116,64
40604		Micro-imm-séro.	<i>Hémophilus influenzae</i> (IgG ou Ac totaux)	Supra	32,0	39,68	69,12	138,24
40605	C	Micro-imm-séro.	Pneumocoque IgG ou Ac totaux	Supra	419,0	519,56	905,04	1810,08
40606		Micro-imm-séro.	Tétanos IgG ou Ac totaux	Supra	27,0	33,48	58,32	116,64
40641	C	Micro-imm-séro.	Cytomégalovirus (CMV) IgG ou Ac totaux	Local	14,6	18,104	31,536	63,072
40642	C	Micro-imm-séro.	Cytomégalovirus (CMV) IgM spécifique	Régional	16,6	20,584	35,856	71,712
40647	C	Micro-imm-séro.	Cytomégalovirus (CMV) IgG spécifique (mesure de l'avidité)	Supra	42,0	52,08	90,72	181,44
40662	C	Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (EBNA) IgG ou Ac totaux	Régional	9,9	12,276	21,384	42,768
40663	C	Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (EBNA) IgG ou Ac totaux (immunofluorescence)	Supra	37,0	45,88	79,92	159,84
40665	C	Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (VCA) IgG ou Ac totaux	Régional	9,9	12,276	21,384	42,768
40666	C	Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (VCA) IgG ou Ac totaux (immunofluorescence)	Supra	38,0	47,12	82,08	164,16
40667	C	Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (VCA) IgM spécifique	Régional	15,5	19,22	33,48	66,96
40680	C	Micro-imm-séro.	Fièvre Q : <i>Coxiella burnetii</i> IgG	Supra	93,0	115,32	200,88	401,76
40681	C	Micro-imm-séro.	<i>Bartonella</i> , maladie des griffes de chat (anticorps)	Supra	41,0	50,84	88,56	177,12
40690	C	Micro-imm-séro.	<i>Helicobacter pylori</i> IgG ou Ac totaux	Local	10,1	12,524	21,816	43,632
40693	C	Micro-imm-séro.	Herpes simplex IgG ou Ac totaux	Régional	15,5	19,22	33,48	66,96
40695	C	Micro-imm-séro.	Herpes simplex (IgG spécifique type 1 ou 2) (par Ag)	Régional	7,6	9,424	16,416	32,832
40698	C	Micro-imm-séro.	HTLV 1 et 2 IgG ou Ac totaux	Supra	12,5	15,5	27	54
40740	C	Micro-imm-séro.	Mononucléose anticorps hétérophile (agglutination)	Local	18,4	22,816	39,744	79,488
40744	C	Micro-imm-séro.	<i>Mycoplasma pneumoniae</i> IgM spécifique (ELISA)	Régional	27,0	33,48	58,32	116,64
40750	C	Micro-imm-séro.	Oreillons IgG ou Ac totaux (ELISA)	Supra	11,2	13,888	24,192	48,384
40751	C	Micro-imm-séro.	Oreillons IgM spécifiques (ELISA)	Supra	12,6	15,624	27,216	54,432
40772	C	Micro-imm-séro.	Parvovirus (parvo B-19) IgM spécifique	Régional	24,0	29,76	51,84	103,68

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
40773	C	Micro-imm-séro.	Parvovirus (parvo B-19) IgG ou Ac totaux	Régional	19,0	23,56	41,04	82,08
40791	C	Micro-imm-séro.	Rougeole IgG ou Ac totaux	Supra	12,3	15,252	26,568	53,136
40792	C	Micro-imm-séro.	Rougeole IgM spécifique	Supra	13,3	16,492	28,728	57,456
40794	C	Micro-imm-séro.	Rubéole IgG ou Ac totaux	Local	12,3	15,252	26,568	53,136
40797	C	Micro-imm-séro.	Rubéole IgM spécifique	Supra	11,9	14,756	25,704	51,408
40800	C	Bio-immuno.	Facteur rhumatoïde (RA)	Local	11,0	13,64	23,76	47,52
40811	C	Micro-imm-séro.	Anti-streptolysine O du streptocoque du groupe A (ASO) IgG ou Ac totaux (quantitatif) (néphélométrie)	Local	3,0	3,72	6,48	12,96
40812	C	Micro-imm-séro.	Anti-streptolysine O du streptocoque du groupe A (ASO) IgG ou Ac totaux (quantitatif) (manuel)	Local	18,8	23,312	40,608	81,216
40813	C	Micro-imm-séro.	Streptozyme streptocoque du groupe A IgG ou Ac totaux	Local	24,0	29,76	51,84	103,68
40814	C	Micro-imm-séro.	Syphilis antigène non tréponémique (RPR) IgG ou Ac totaux	Local	18,1	22,444	39,096	78,192
40815	C	Micro-imm-séro.	Syphilis antigène tréponémique IgG ou Ac totaux	Local	5,9	7,316	12,744	25,488
40816	C	Micro-imm-séro.	Streptocoque du groupe A (qualitatif) sur lame	Local	10,3	12,772	22,248	44,496
40832	C	Micro-imm-séro.	Toxoplasmose IgG ou Ac totaux	Local	13,0	16,12	28,08	56,16
40833	C	Micro-imm-séro.	Toxoplasmose IgM spécifique	Régional	18,8	23,312	40,608	81,216
40840	C	Micro-imm-séro.	VIH IgG ou Ac totaux (test rapide)	Local	35,0	43,4	75,6	151,2
40850	C	Micro-imm-séro.	VIH IgG ou Ac totaux	Régional	7,8	9,672	16,848	33,696
40853	C	Micro-imm-séro.	Herpes virus Varicella-Zoster (VZV) IgG spécifique	Régional	16,3	20,212	35,208	70,416
40855	C	Micro-imm-séro.	Herpes virus Varicella-Zoster (VZV) IgM spécifique	Supra	13,1	16,244	28,296	56,592
40900	C	Micro-mycobact.	Mycobactéries (hémoculture)	Local	21,0	26,04	45,36	90,72
40901	C	Micro-mycobact.	Mycobactéries (culture sur milieu liquide seul)	Régional	54,0	66,96	116,64	233,28
40902	C	Micro-mycobact.	Mycobactéries (culture sur milieu solide et liquide)	Régional	57,0	70,68	123,12	246,24
40904	C	Micro-mycobact.	Mycobactéries (examen direct sur spécimen clinique) (auramine)	Local	30,0	37,2	64,8	129,6
40907	C	Micro-mycobact.	Mycobactéries (examen direct sur spécimen clinique) (Ziehl)	Local	54,0	66,96	116,64	233,28
40920	C	Micro-mycobact.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> (PPD) (induration et lecture) (fait par un technologiste)	Local	10,8	13,392	23,328	46,656
40921	C	Micro-mycobact.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> (test de libération d'interferon Gamma, TLIG)	Régional	56,0	69,44	120,96	241,92
40922	C	Micro-mycobact.	Identification d'une mycobactérie au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse – MALDI-TOF)	Régional	7,3	9,052	15,768	31,536
41000	C	Micro-mycolo.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : diffusion en bandelette sur gélose (ex. : E-TEST ou Liofilchem)	Régional	19,2	23,808	41,472	82,944
41001	C	Micro-mycolo.	Galactomannane (antigène <i>Aspergillus</i>) (ELISA)	Régional	58,0	71,92	125,28	250,56
41020	C	Micro-mycolo.	Cryptocoque (Ag) (sérum ou LCR) (agglutination)	Local	17,0	21,08	36,72	73,44
41022	N	Micro-mycolo.	Cryptocoque (Ag) (sérum ou LCR) (méthode immuno-enzymatique)	Local	24,0	29,76	51,84	103,68
41031	C	Micro-mycolo.	Mycoses (hémoculture)	Local	11,4	14,136	24,624	49,248
41050	C	Micro-mycolo.	Levures (culture spécifique)	Local	14,0	17,36	30,24	60,48
41051	C	Micro-mycolo.	<i>Candida auris</i> ; culture spécifique (dépistage par gélose chromogénique) sur spécimen clinique	Local	13,8	17,112	29,808	59,616
41055	C	Micro-mycolo.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : microdilution en bouillon – méthode CLSI ou Sensititre YeastOne (par levure)	Régional	59,0	73,16	127,44	254,88
41056	C	Micro-mycolo.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : diffusion en disque sur gélose (Kirby Bauer) – méthode CLSI	Régional	29,0	35,96	62,64	125,28
41070	C	Micro-mycolo.	Mycologie (examen direct sur spécimen clinique) (incluant état frais, KOH, calcofluor)	Local	30,0	37,2	64,8	129,6
41071	C	Micro-mycolo.	Mycose profonde (incluant levures)	Régional	55,0	68,2	118,8	237,6
41072	C	Micro-mycolo.	Mycose superficielle (dermatophyte) (incluant levures)	Régional	45,0	55,8	97,2	194,4
41073		Micro-mycolo.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : microplaque sur automates tels que VITEK®, Phoenix® ou MicroScan® (par levure)	Régional	22,0	27,28	47,52	95,04
41076	C	Micro-mycolo.	Champignons filamenteux (identification manuelle)	Régional	61,0	75,64	131,76	263,52
41077	C	Micro-mycolo.	Identification de champignons filamenteux au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse – MALDI-TOF)	Régional	31,0	38,44	66,96	133,92
41078	C	Micro-mycolo.	Identification de levures au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse – MALDI-TOF)	Régional	3,7	4,588	7,992	15,984
41120	C	Micro-paras.	Malaria (détection rapide d'Ag) (immunochromatographie)	Local	25,0	31	54	108
41121	C	Micro-paras.	Malaria (frottis + goutte épaisse) (préparation et coloration)	Local	22,0	27,28	47,52	95,04
41122	C	Micro-paras.	Malaria (lecture et identification, incluant % parasitémie)	Régional	84,0	104,16	181,44	362,88
41140	C	Micro-paras.	Oxyures (recherche par ruban collant)	Local	21,0	26,04	45,36	90,72
41150	C	Micro-paras.	Parasites dans le sang, tissus et liquides biologiques (détection) (sauf malaria)	Régional	120,0	148,8	259,2	518,4
41151	C	Micro-paras.	Parasites fécaux (<i>Giardia</i> , <i>Cryptosporidium</i>) (immunofluorescence)	Régional	47,0	58,28	101,52	203,04
41152	C	Micro-paras.	Parasites intestinaux (microscopie) (coloration permanente – hématoxyline ferrique – incluant la lecture)	Régional désigné	34,0	42,16	73,44	146,88
41153	C	Micro-paras.	Parasites intestinaux (microscopie) (par concentration et coloration iodée – incluant la lecture)	Régional désigné	34,0	42,16	73,44	146,88
41154	C	Micro-mycolo.	<i>Pneumocystis jirovecii</i> (détection) (immunofluorescence directe)	Régional	108,0	133,92	233,28	466,56
41155	C	Micro-paras.	Parasites intestinaux (coccidies) (microscopie) (coloration permanente – Kinyoun modifié – incluant la lecture)	Régional désigné	34,0	42,16	73,44	146,88

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
41156	C	Micro-paras.	Parasites intestinaux (microsporidies) (microscopie) (coloration permanente – trichrome modifié – incluant la lecture)	Supra	34,0	42,16	73,44	146,88
41160	C	Micro-paras.	Strongyloïdose (culture spécifique)	Régional	78,0	96,72	168,48	336,96
41170	C	Micro-paras.	<i>Trichomonas vaginalis</i> (culture)	Local	38,0	47,12	82,08	164,16
41171	C	Micro-paras.	<i>Trichomonas vaginalis</i> (détection d'Ag)	Local	14,6	18,104	31,536	63,072
41180	C	Micro-paras.	Ectoparasites (incluant les tiques) et vers (identification)	Local	13,6	16,864	29,376	58,752
41301	C	Micro-viro.	Influenza (incluant A et B) (détection rapide sur spécimen clinique) (ELISA)	Local	33,0	40,92	71,28	142,56
41370	C	Micro-viro.	Rotavirus (détection rapide) (ELISA)	Local	33,0	40,92	71,28	142,56
41371	C	Micro-viro.	Virus respiratoire syncytial (VRS) (détection rapide sur spécimen clinique) (ELISA)	Local	50,0	62	108	216
41382	C	Micro-bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (toxines A et B) (ELISA sur microplaque) (selles)	Local	26,0	32,24	56,16	112,32
41417	C	Micro-viro.	Protocole spécialisé pour la gestion des spécimens pour maladie à virus Ebola/maladies respiratoires sévères infectieuses (MVE/MRSI) au laboratoire	Local	30,0	37,2	64,8	129,6
45002	C	Hémo-immunologie	Anti-récepteur glutamate (NMDA) (recherche d'anticorps)	Supra	98,0	121,52	211,68	423,36
45004	C	D. mol. infectiologie	Adénovirus; charge virale (TAAN) (quantitatif) sur sang	Supra	50,0	62	108	216
45008	C	D. mol. infectiologie	BK/JC polyomavirus; charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique	Supra	54,0	66,96	116,64	233,28
45009	C	D. mol. infectiologie	<i>Bordetella pertussis</i> et <i>Bordetella parapertussis</i> (avec ou sans <i>Bordetella holmesii</i>) ; détection (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique	Supra	38,0	47,12	82,08	164,16
45010	C	D. mol. infectiologie	<i>Bordetella pertussis</i> , <i>Bordetella parapertussis</i> , <i>Mycoplasma pneumoniae</i> et <i>Chlamydia pneumoniae</i> ; détection (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique	Régional désigné	29,0	35,96	62,64	125,28
45011	C	D. mol. infectiologie	<i>Bordetella pertussis</i> et <i>Bordetella parapertussis</i> ; détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique	Régional désigné	64,0	79,36	138,24	276,48
45013		D. mol. infectiologie	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; confirmation (TAAN) sur spécimen primaire	Régional désigné	49,0	60,76	105,84	211,68
45015	C	D. mol. infectiologie	<i>Candida auris</i> ; dépistage (TAAN) sur spécimen clinique	Régional désigné	14,3	17,732	30,888	61,776
45017	C	D. mol. infectiologie	Carbapénémase (TAAN) (trousse homologuée)	Régional désigné	35,0	43,4	75,6	151,2
45018	C	D. mol. infectiologie	<i>Chlamydia trachomatis</i> et <i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; détection (TAAN) (multiplex) sur spécimen urinaire	Local	5,1	6,324	11,016	22,032
45020	C	D. mol. infectiologie	<i>Chlamydia trachomatis</i> et <i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; détection (TAAN) (multiplex) sur spécimen extra-génital	Local	5,1	6,324	11,016	22,032
45021	C	D. mol. infectiologie	<i>Clostridioides difficile</i> ; détection du gène de la toxine B (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique	Régional désigné	13,3	16,492	28,728	57,456
45022	C	D. mol. infectiologie	<i>Chlamydia trachomatis</i> et <i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; détection (TAAN) (multiplex) sur spécimen génital	Local	5,1	6,324	11,016	22,032
45023	C	D. mol. infectiologie	<i>Trichomonas vaginalis</i> (TAAN) (trousse homologuée)	Local	9,2	11,408	19,872	39,744
45024		D. mol. infectiologie	<i>Mycoplasma genitalium</i> (TAAN) (trousse homologuée)	Local	17,1	21,204	36,936	73,872
45025		D. mol. infectiologie	Pathogènes entériques; détection multiplex (virus, bactéries et parasites) (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique	Régional désigné	120,0	148,8	259,2	518,4
45026		D. mol. infectiologie	<i>Clostridioides difficile</i> ; détection du gène de la toxine B (TAAN) sur spécimen clinique (trousse homologuée)	Local	36,0	44,64	77,76	155,52
45027	C	D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique (plateforme m2000/Alinity-m)	Régional	33,0	40,92	71,28	142,56
45028	C	D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique (Plateforme Cobas 6800/8800)	Régional	17,3	21,452	37,368	74,736
45029	C	D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique (Plateforme Seegene)	Régional	14,00	17,36	30,24	60,48
45030	C	D. mol. infectiologie	Herpesviridae; résistance aux antiviraux (séquençage)	Supra	619,0	767,56	1337,04	2674,08
45031		D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique	Régional	28,0	34,72	60,48	120,96
45032	C	D. mol. infectiologie	Cytomégalo virus (CMV) charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique	Régional	36,0	44,64	77,76	155,52
45033		D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (test rapide, trousse homologuée) sur spécimen clinique	Supra	62,0	76,88	133,92	267,84
45034		D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique	Régional	14,8	18,352	31,968	63,936
45035	C	D. mol. infectiologie	Entérocoque résistant à la vancomycine (ERV); détection (TAAN) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique	Régional désigné	5,1	6,324	11,016	22,032
45036	C	D. mol. infectiologie	Entérocoque résistant à la vancomycine (ERV); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique	Local	33,0	40,92	71,28	142,56
45038	C	D. mol. infectiologie	Entérovirus; détection (TAAN) sur spécimens cliniques autres que selles	Supra	38,0	47,12	82,08	164,16
45040	C	D. mol. infectiologie	<i>Escherichia coli</i> producteur de shiga-toxines (STEC); détection (TAAN) sur bouillon d'enrichissement	Régional désigné	21,0	26,04	45,36	90,72
45041	C	D. mol. infectiologie	Gastroentérite bactérienne; détection multiples bactéries (TAAN) (multiplex, trousse homologuée) sur spécimen clinique	Local	40,0	49,6	86,4	172,8

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
45043	C	D. mol. infectiologie	Gastroentérite bactérienne; détection multiples bactéries (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique (trousse non homologuée)	Supra	17,6	21,824	38,016	76,032
45045	C	D. mol. infectiologie	Gastroentérite virale; détection de multiples virus (TAAN) (multiplex, trousse non homologuée) sur spécimen clinique	Supra	63,0	78,12	136,08	272,16
45047		D. mol. infectiologie	Entérocoque résistant à la vancomycine (ERV) et bactérie Gram négatif productrice de carbapénémase (BGNPC) (dépistage); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique	Régional désigné	35,0	43,4	75,6	151,2
45048		D. mol. infectiologie	Influenza A et B; détection (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique	Supra	41,0	50,84	88,56	177,12
45050	C	D. mol. infectiologie	Influenza A et B; avec ou sans sous-typage incluant amplification (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique	Supra	46,0	57,04	99,36	198,72
45051	C	D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2), Influenza A et B et VRS; détection (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique	Régional	97,0	120,28	209,52	419,04
45052	C	D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2), Influenza A et B et VRS; détection (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique	Supra	23,0	28,52	49,68	99,36
45053		D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2) et Influenza A et B; détection (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique	Régional	57,0	70,68	123,12	246,24
45054	C	D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2) et Influenza A et B; détection (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique	Supra	31,0	38,44	66,96	133,92
45055	C	D. mol. infectiologie	Pathogènes respiratoires; détection multiplex (virus et bactéries, incluant SRAS-CoV-2) (TAAN) trousse homologuée sur spécimen clinique	Régional	145,0	179,8	313,2	626,4
45056	C	D. mol. infectiologie	Hépatite B (VHB); charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique	Régional désigné	28,0	34,72	60,48	120,96
45060	C	D. mol. infectiologie	Hépatite C (VHC); charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique	Régional désigné	28,0	34,72	60,48	120,96
45062	C	D. mol. infectiologie	Hépatite E (VHE); charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique	Supra	90,0	111,6	194,4	388,8
45064	C	D. mol. infectiologie	Herpes simplex type 1 ou 2 (HSV1 ou HSV2); (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique	Supra	44,0	54,56	95,04	190,08
45065	C	D. mol. Infectiologie	Herpes simplex type 1, Herpes simplex type 2 (HSV1, HSV2) et virus Varicella-Zoster (VZV); (TAAN) (canal ouvert ou test développé par le laboratoire) sur échantillon muco-cutané	Régional désigné	28,0	34,72	60,48	120,96
45066	C	D. mol. infectiologie	Herpes simplex type 1 ou 2 (HSV1 ou HSV2); (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique	Régional	57,0	70,68	123,12	246,24
45068	C	D. mol. infectiologie	Herpes virus; HHV6; charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique	Supra	14,3	17,732	30,888	61,776
45069	N*	D. mol. infectiologie	Entamoeba histolytica /dispar (amibiase) (TAAN)	Régional désigné	27,0	33,48	58,32	116,64
45072	C	D. mol. infectiologie	HLA-B*57:01 détection (TAAN) sur sang	Supra	45,0	55,8	97,2	194,4
45074	C	D. mol. infectiologie	Plasmodium sp. (Malaria); détection (TAAN) sur spécimen clinique (trousse homologuée)	Régional désigné	82,0	101,68	177,12	354,24
45076	C	D. mol. infectiologie	Méningite bactérienne; détection multiplex de bactéries (TAAN) sur liquide céphalo-rachidien (LCR)	Supra	14,1	17,484	30,456	60,912
45077	C	D. mol. infectiologie	Méningo-encéphalite; détection de multiples pathogènes (bactéries, virus, levure) (TAAN) (multiplex) sur liquide céphalo-rachidien (LCR)	Régional	143,0	177,32	308,88	617,76
45082	C	D. mol. infectiologie	Mycobactéries; (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique	Régional	58,0	71,92	125,28	250,56
45083	N	D. mol. infectiologie	Mycobactéries; (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique	Régional désigné	79,0	97,96	170,64	341,28
45084	C	D. mol. infectiologie	Mycobactéries; identification (TAAN) sur culture solide ou liquide	Régional	62,0	76,88	133,92	267,84
45085	N*	D. mol. infectiologie	Mycobacterium tuberculosis; détection de M. tuberculosis et détection de la résistance à la rifampicine (TAAN) sur culture ou spécimen clinique	Régional désigné	66,0	81,84	142,56	285,12
45086	C	D. mol. infectiologie	Mycoplasma hominis, Mycoplasma genitalium et Ureaplasma spp.; détection (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique	Supra	88,0	109,12	190,08	380,16
45088	C	D. mol. infectiologie	Mycoplasma pneumoniae, Chlamydia pneumoniae et Legionella pneumoniae; (TAAN) (multiplex) sur spécimen respiratoires inférieurs	Régional désigné	19,7	24,428	42,552	85,104
45092	C	D. mol. infectiologie	Parvovirus charge virale (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	13,6	16,864	29,376	58,752
45094	C	D. mol. infectiologie	Parvovirus B 19; (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	144,0	178,56	311,04	622,08
45098	C	D. mol. infectiologie	Protozoaires entériques; (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique	Régional	47,0	58,28	101,52	203,04
45099	C	D. mol. infectiologie	Staphylococcus aureus résistant à la méthicilline (SARM); détection (TAAN) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique	Régional désigné	4,8	5,952	10,368	20,736
45100	C	D. mol. infectiologie	Staphylococcus aureus résistant à la méthicilline (SARM); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique	Local	32,0	39,68	69,12	138,24
45104	C	D. mol. infectiologie	Tropheryma whippelii; détection (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	195,0	241,8	421,2	842,4
45105	C	D. mol. infectiologie	Vaginose bactérienne (TAAN) (trousse homologuée)	Régional désigné	18,2	22,568	39,312	78,624
45106	C	D. mol. infectiologie	Vaginite à levures (TAAN) (trousse homologuée)	Régional désigné	10,1	12,524	21,816	43,632
45108	C	D. mol. infectiologie	Rougeole; génotypage souche A (souche vaccinale – genoA) (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	12,1	15,004	26,136	52,272

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
45110	C	D. mol. infectiologie	Virus Varicella-Zoster (VZV); détection (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique	Supra	59,0	73,16	127,44	254,88
45111	C	D. mol. infectiologie	Virus de la rougeole; détection (TAAN) sur spécimen clinique	Régional désigné	36,0	44,64	77,76	155,52
45112	C	D. mol. infectiologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH) charge virale (TAAN) (quantitatif) sur sang	Régional désigné	27,0	33,48	58,32	116,64
45113	C	D. mol. infectiologie	Virus Varicella-Zoster (VZV); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique	Régional désigné	49,0	60,76	105,84	211,68
45114	C	D. mol. infectiologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH) génotypage de l'intégrase (séquençage) sur sang	Supra	131,0	162,44	282,96	565,92
45116	C	D. mol. infectiologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH) génotypage du tropisme (séquençage) sur sang	Supra	329,0	407,96	710,64	1421,28
45118	C	D. mol. infectiologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH) génotypage pour résistance aux antirétroviraux (séquençage) sur sang	Supra	195,0	241,8	421,2	842,4
45120	C	D. mol. infectiologie	Virus Epstein-Barr (EBV); charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique	Supra	59,0	73,16	127,44	254,88
45124	C	D. mol. infectiologie	Virus du papillome humain (VPH); détection de groupes oncogènes (TAAN) (multiplex, trousse homologuée) sur spécimen clinique - dépistage	Régional désigné	15,6	19,344	33,696	67,392
45125	N*	D. mol. infectiologie	Virus du papillome humain (VPH); détection de groupes oncogènes (TAAN) (multiplex, trousse homologuée) sur spécimen clinique - réservé à la clinique de colposcopie	Régional désigné	15,6	19,344	33,696	67,392
45127	N*	D. mol. infectiologie	Virus du papillome humain (VPH); détection de groupes oncogènes (TAAN) (multiplex, trousse homologuée) sur spécimen clinique - auto-prélèvement	Régional désigné	15,6	19,344	33,696	67,392
45130	C	D. mol. infectiologie	Virus respiratoire syncytial (VRS); détection (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique	Régional désigné	36,0	44,64	77,76	155,52
45131		D. mol. infectiologie	Virus respiratoire; détection multiplex 3 virus (influenza A, influenza B et VRS) (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique	Local	40,0	49,6	86,4	172,8
45132	C	D. mol. infectiologie	Virus respiratoires; détection multiplex ≥ 12 virus (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique	Régional	114,0	141,36	246,24	492,48
45134	C	D. mol. infectiologie	Virus respiratoires; détection multiplex ≥ 12 virus (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée ou développée par le laboratoire) sur spécimen clinique	Supra	60,0	74,4	129,6	259,2
45139	C	D. mol. infectiologie	Infections articulaires; détection de bactéries, levures et gènes de résistance antimicrobien (TAAN) (multiplex) (liquide synovial)	Régional désigné	160,0	198,4	345,6	691,2
45140	C	D. mol. infectiologie	Virus du sarcome de Kaposi (HHV8); détection (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	290,0	359,6	626,4	1252,8
45141	C	D. mol. infectiologie	Détection multiplex de 8 bactéries sur liquide biologique normalement stérile (trousse non homologuée ou développée par le laboratoire)	Supra	45,0	55,8	97,2	194,4
45142	C	D. mol. infectiologie	<i>Streptococcus agalactiae</i> (Streptocoque du groupe B-SGB); dépistage prénatal (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique	Supra	19,3	23,932	41,688	83,376
45143	C	D. mol. infectiologie	<i>Pneumocystis jirovecii</i> ; détection (TAAN semi-quantitatif / quantitatif)	Régional désigné	105,0	130,2	226,8	453,6
45144	C	D. mol. infectiologie	<i>Streptococcus agalactiae</i> (streptocoque du groupe B-SGB); dépistage prénatal (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique	Régional désigné	21,0	26,04	45,36	90,72
50055	C	Génétique-cyto.	Analyse chromosomique pour détection des variations du nombre de copies (CNV) (par CGH, SNG ou autres)	Supra	552,0	684,48	1192,32	2384,64
50105	C	Génétique-cyto.	Analyse quantitative post détection de CNV pour confirmation ou dépistage familial (par TAAN ou MLPA)	Supra	154,0	190,96	332,64	665,28
50390	C	Génétique-bio.	Acides aminés (quantitatif) (LC-MS)	Supra	78,0	96,72	168,48	336,96
50400	C	Génétique-bio.	Précurseur du cholestérol ou profil des stérols plasmatiques	Supra	49,0	60,76	105,84	211,68
50401	C	Génétique-bio.	AcétylCoA: glucosaminide N-acétyltransférase (MPS III C)	Supra	430,0	533,2	928,8	1857,6
50404	C	Génétique-bio.	Acide méthylmalonique	Supra	24,0	29,76	51,84	103,68
50405	C	Génétique-bio.	Acide orotique	Supra	98,0	121,52	211,68	423,36
50407	C	Génétique-bio.	Acide pipécolique	Supra	47,0	58,28	101,52	203,04
50409	C	Génétique-bio.	Acidémie méthylmalonique + homocystéinémie, diagnostic par complémentarité cellulaire	Supra	1843,0	2285,32	3980,88	7961,76
50410	C	Génétique-bio.	Acidémie méthylmalonique avec homocystéinémie, dosage des cofacteurs cobalamine	Supra	1271,0	1576,04	2745,36	5490,72
50412	C	Génétique-bio.	Acides aminés (quantitatif)	Supra	55,0	68,20	118,80	237,60
50415	C	Génétique-bio.	Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)	Supra	136,0	168,64	293,76	587,52
50416	C	Génétique-bio.	Acide sialique	Supra	112,0	138,88	241,92	483,84
50417	C	Génétique-bio.	Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)	Supra	35,0	43,4	75,6	151,2
50419	C	Génétique-bio.	Alpha-fucosidase (fucosidose)	Supra	253,0	313,72	546,48	1092,96
50420	C	Génétique-bio.	Alpha-galactosidase A (Fabry)	Supra	251,0	311,24	542,16	1084,32
50421	C	Génétique-bio.	Alpha-glucosidase (GSD II)	Supra	271,0	336,04	585,36	1170,72
50422	C	Génétique-bio.	Alpha-iduronidase (MPS I)	Supra	306,0	379,44	660,96	1321,92
50423	C	Génétique-bio.	Alpha-mannosidase (mannosidose)	Supra	259,0	321,16	559,44	1118,88
50424	C	Génétique-bio.	Alpha-N-acétyl-D-glucosaminidase (MPS III B)	Supra	310,0	384,4	669,6	1339,2

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
50425	C	Génétique-bio.	Alpha-N-acétylgalactosaminidase (Schindler)	Supra	323,0	400,52	697,68	1395,36
50429	C	Génétique-bio.	Arylsulfatase A (leucodystrophie métachromatique)	Supra	248,0	307,52	535,68	1071,36
50432	C	Génétique-bio.	Acides gras libres (colorimétrique-enzymatique automatisée)	Supra	13,7	16,988	29,592	59,184
50433	C	Génétique-bio.	Acidurie glutarique de type 1 (GA-1); Dosage de l'acide 3-hydroxyglutarique sur spécimen urinaire (GC-MS)	Supra	189,0	234,36	408,24	816,48
50440	C	Génétique-bio.	Acylglycines urinaires (LC-MS/MS)	Supra	225,0	279	486	972
50450	C	Génétique-bio.	Bêta-galactocérébrosidase (Krabbe)	Supra	491,0	608,84	1060,56	2121,12
50451	C	Génétique-bio.	Bêta-galactosidase (MPS IV B / GM1 gangliosidose)	Supra	197,0	244,28	425,52	851,04
50452	C	Génétique-bio.	Bêta-glucosidase (Gaucher)	Supra	250,0	310	540	1080
50453	C	Génétique-bio.	Bêta-glucuronidase (MPS VII)	Supra	250,0	310	540	1080
50454	C	Génétique-bio.	Bêta-hexosaminidase A (gangliosidose GM2) (dosage avec substrat sulfaté)	Supra	209,0	259,16	451,44	902,88
50455	C	Génétique-bio.	Bêta-hexosaminidase totale, A et B (gangliosidose GM2)	Supra	363,0	450,12	784,08	1568,16
50456	C	Génétique-bio.	Bêta-mannosidase (mannosidose)	Supra	251,0	311,24	542,16	1084,32
50457	C	Génétique-bio.	Biotinidase	Supra	113,0	140,12	244,08	488,16
50472	C	Génétique-bio.	Carnitine libre et estérifiée (LC-MS/MS)	Supra	69,0	85,56	149,04	298,08
50476	C	Génétique-cyto.	Culture de cellules fibroblastiques pour étude génétique (incluant recherche <i>Mycoplasma</i>)	Supra	1353,0	1677,72	2922,48	5844,96
50477	C	Génétique-bio.	Cystinose-lysosome (maladie lysosomiale)	Supra	359,0	445,16	775,44	1550,88
50483	C	Dépistage néonatal	Amyotrophie spinale (SMA), Déficit immunitaire combiné sévère (SCID); Trousse A (<i>TREC</i> ; <i>SMN1</i>); (TAAN) sur sang séché	Supra	54,0	66,96	116,64	233,28
50484	C	Dépistage néonatal	Amyotrophie spinale (SMA); Trousse B (<i>SMN1</i> ; <i>TREC</i>) - test de 2e intention, partie 1; (TAAN) sur sang séché	Supra	5,3	6,572	11,448	22,896
50485	C	Dépistage néonatal	Amyotrophie spinale (SMA); Trousse C1 (<i>SMN1</i>) et trousse C2 (<i>SMN2</i>) - test de 2e intention, partie 2.1 et 2.2; (TAAN) sur sang séché	Supra	144,0	178,56	311,04	622,08
50487	C	Dépistage néonatal	Déficit immunitaire combiné sévère (SCID); Trousse B (<i>TREC</i> ; <i>SMN1</i>) - test de 2e intention; (TAAN) sur sang séché	Supra	9,2	11,408	19,872	39,744
50488		Dépistage néonatal	Dépistage néonatal des syndromes drépanocytaires majeurs (HPLC)	Supra	2,1	2,604	4,536	9,072
50489		Dépistage néonatal	Dépistage néonatal des syndromes drépanocytaires majeurs - test de 2e intention (électrophorèse capillaire)	Supra	9,8	12,152	21,168	42,336
50520	C	Génétique-bio.	Galactosamine-6-sulfatase (MPS IV A)	Supra	255,0	316,2	550,8	1101,6
50521	C	Génétique-bio.	Galactose-1-phosphate (enzymatique)	Supra	435,0	539,4	939,6	1879,2
50523	C	Génétique-bio.	Guanidinoacétate-créatine	Supra	22,0	27,28	47,52	95,04
50524	C	Génétique-bio.	Globotriaosylceramide urinaire (Gb3) (LC-MS/MS)	Supra	52,0	64,48	112,32	224,64
50530	C	Génétique-bio.	Heparan sulfate sulfatase (MPS III A)	Supra	449,0	556,76	969,84	1939,68
50540	C	Génétique-bio.	Iduronate sulfatase (MPS II)	Supra	412,0	510,88	889,92	1779,84
50550	C	Génétique-bio.	Lipase acide (Wolman / CESD)	Supra	251,0	311,24	542,16	1084,32
50561	C	Génétique-bio.	Méthyltétrahydrofolate réductase (MTHFR) indice d'incorporation MTHF	Supra	1308,0	1621,92	2825,28	5650,56
50562	C	Génétique-bio.	Mucopolysaccharides (glycosaminoglycans) (LC MS-MS)	Supra	22,0	27,28	47,52	95,04
50565	C	Génétique-bio.	Mucopolysaccharides (glycosaminoglycans) (quantitatif)	Supra	113,0	140,12	244,08	488,16
50570	C	Génétique-bio.	N-acétylglucosamine 6-sulfate sulfatase (MPS III D)	Supra	450,0	558	972	1944
50580	C	Génétique-bio.	Oligosaccharides	Supra	36,0	44,64	77,76	155,52
50600		Dépistage néonatal	Phénylalanine sur sang séché	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
50601	C	Génétique-bio.	Dosage des protéines pour test génétique biochimique	Supra	111,0	137,64	239,76	479,52
50602	C	Génétique-bio.	Isolation de leucocytes pour test en génétique biochimique	Régional	129,0	159,96	278,64	557,28
50603	C	Génétique-bio.	Hexosaminidase totale seulement	Supra	197,0	244,28	425,52	851,04
50604	C	Génétique-bio.	Propionyl-coA-carboxylase, indice d'incorporation de propionate	Supra	1137,0	1409,88	2455,92	4911,84
50605	C	Génétique-bio.	Purines et pyrimidines	Supra	32,0	39,68	69,12	138,24
50608	C	Génétique-bio.	Acides gras à longue chaîne (profil complet) (GC/MS)	Supra	51,0	63,24	110,16	220,32
50620	C	Génétique-bio.	Sialidase / neuraminidase (sialidose)	Supra	254,0	314,96	548,64	1097,28
50621	C	Génétique-bio.	Sphingomyélinase (Niemann-pick A et B)	Supra	354,0	438,96	764,64	1529,28
50624	C	Génétique-bio.	Succinylacétone (quantitatif) (GC-MS)	Supra	86,0	106,64	185,76	371,52
50640	C	Génétique-bio.	Tests métaboliques urinaires (DNPH - sulfite)	Régional	38,0	47,12	82,08	164,16
50641	C	Dépistage néonatal	Thyroxine (T4) totale sur sang séché	Supra	5,4	6,696	11,664	23,328
50642	C	Génétique-bio.	Transcobalamine II	Supra	1227,0	1521,48	2650,32	5300,64
50645		Dépistage néonatal	Tyrosine sur sang séché	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
50646	C	Dépistage néonatal	Trypsine immunoréactive (IRT) sur sang séché	Supra	3,8	4,712	8,208	16,416
50648	C	Génétique-cyto.	Dissection de villosités chorales et culture	Supra	263,0	326,12	568,08	1136,16
50649	C	Génétique-cyto.	Caryotype villosités chorales sur technique directe	Supra	432,0	535,68	933,12	1866,24
50710	C	Génétique-cyto.	Caryotype (liquide amniotique)	Supra	708,0	877,92	1529,28	3058,56
50711	C	Génétique-cyto.	Caryotype (sang)	Supra	556,0	689,44	1200,96	2401,92
50712	C	Génétique-cyto.	Caryotype (tissus)	Supra	910,0	1128,4	1965,6	3931,2
50713	C	Génétique-cyto.	Caryotype pour hémopathies (moelle et sang)	Supra	1118,0	1386,32	2414,88	4829,76
50714	C	Génétique-cyto.	Caryotype pour tumeur solide	Supra	1399,0	1734,76	3021,84	6043,68
50715	C	Génétique-cyto.	Caryotype villosités chorales après culture	Supra	731,0	906,44	1578,96	3157,92

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
50716	C	Génétique-cyto.	Colorations spéciales en cytogénétique (bande C-Q-DAPI-NOR)	Supra	280,0	347,2	604,8	1209,6
50717	C	Génétique-cyto.	Culture cellulaire avec étude fonctionnelle cytogénétique inactivation de l'X	Supra	1168,0	1448,32	2522,88	5045,76
50718	C	Génétique-cyto.	Culture cellulaire pour diagnostic génétique (cellules en suspension)	Supra	131,0	162,44	282,96	565,92
50719	C	Génétique-cyto.	FISH sur noyau interphasique pour détection de réarrangement en oncologie avec sonde de fusion ou de séparation	Supra	244,0	302,56	527,04	1054,08
50720	C	Génétique-cyto.	FISH en interphase	Supra	292,0	362,08	630,72	1261,44
50722	C	Génétique-cyto.	FISH sur métaphase	Supra	266,0	329,84	574,56	1149,12
50723	C	Génétique-cyto.	Congélation de culture cellulaire pour étude génétique	Supra	35,0	43,4	75,6	151,2
50724	C	Génétique-cyto.	Décongélation et remise en culture de cellules pour étude génétique	Supra	32,0	39,68	69,12	138,24
50728	C	Génétique-cyto.	Culture cellulaire pour diagnostic génétique (cellules adhérentes)	Supra	343,0	425,32	740,88	1481,76
50729	C	Génétique-cyto.	FISH sur tissu paraffiné (tout type de sonde)	Supra	317,0	393,08	684,72	1369,44
50740	C	Génétique-cyto.	Diagnostic des cassures chromosomiques (Fanconi, Bloom, etc.)	Supra	1372,0	1701,28	2963,52	5927,04
50742	C	Génétique-cyto.	Diagnostic préimplantatoire (DPI) pour anomalie de structure chromosomique (PGT-SR) (par embryon)	Supra	465,0	576,6	1004,4	2008,8
50744	C	Génétique-cyto.	Diagnostic préimplantatoire (DPI) pour maladie monogénique (PGT-M); analyse de cas et design de test	Supra	1543,0	1913,32	3332,88	6665,76
50746	C	Génétique-cyto.	Diagnostic préimplantatoire (DPI) pour maladie monogénique (PGT-M); analyse préimplantatoire (par embryon)	Supra	548,0	679,52	1183,68	2367,36
50800		Dépistage néonatal	TSH sur sang séché	Supra	2,0	2,48	4,32	8,64
50802		Dépistage néonatal	Dépistage néonatal d'erreurs innées du métabolisme (MS-MS)	Supra	10,9	13,516	23,544	47,088
50804	N	Dépistage néonatal	Homocystéine et acides méthylmalonique, propionique et méthylcitrique	Supra	64,0	79,36	138,24	276,48
55002	C	D. mol. maladie héréditaire	Apolipoprotéine E; APOE (Cys112Arg et Arg158Cys) (TAAN)	Supra	75,0	93	162	324
55008	C	D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (gène récept. LDL) (del 5-15 Kb) (TAAN)	Supra	121,0	150,04	261,36	522,72
55010	C	D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (HF), gène R-LDL Panel 1 (del 5, del 15 kb, Trp66Gly, Cys646Tyr) (TAAN)	Supra	71,0	88,04	153,36	306,72
55012	C	D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (HF), gène R-LDL Panel 2 (Glu207Lys, Cys152Trp, Arg329Xaa, Cys347Arg, Tyr468Xaa, Tyr354Cys, 681ins7) (TAAN)	Supra	108,0	133,92	233,28	466,56
55014		D. mol. maladie héréditaire	Lipoprotéine lipase (gène LPL) Panel 1 (Pro207Leu, Gly188Glu, Asp9Asn) (TAAN)	Supra	47,0	58,28	101,52	203,04
55016	C	D. mol. maladie héréditaire	Lipoprotéine lipase (gène LPL) Panel 2 (Asp9Asn, Asp250Asn, Asn291Ser) (TAAN)	Supra	32,0	39,68	69,12	138,24
55036	C	D. mol. maladie héréditaire	Séquençage des régions non couvertes par SNG de gènes associés aux cardiomyopathies/arythmies/aortopathies héréditaires (cardiogénétique) (séquençage Sanger)	Supra	382,0	473,68	825,12	1650,24
55037	C	D. mol. maladie héréditaire	Séquençage des régions non couvertes par SNG de gènes associés à l'hypercholestérolémie familiale, hyperchylomicronémie familiale, hyperalphalipoprotéïnémie familiale et sitostérolémie (dyslipidémies familiales) (séquençage Sanger)	Supra	383,0	474,92	827,28	1654,56
55039	C	D. mol. Maladie héréditaire	Panel global de gènes associés aux cardiomyopathies/arythmies/aortopathies héréditaires (cardiogénétique) (panel global) (SNG) (technique seulement)	Supra	458,0	567,92	989,28	1978,56
55041	C	D. mol. Maladie héréditaire	Panel global de gènes associés à l'hypercholestérolémie familiale, hyperchylomicronémie familiale, hyperalphalipoprotéïnémie familiale et sitostérolémie (dyslipidémies familiales) (SNG) (technique seulement)	Supra	458,0	567,92	989,28	1978,56
55042		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel de gènes associés aux cardiomyopathies analysé à partir des données du panel global (cardiogénétique) (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55043	C	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel de gènes à partir de données SNG déjà existantes pour l'hypercholestérolémie familiale, hyperchylomicronémie familiale, hyperalphalipoprotéïnémie familiale et sitostérolémie (dyslipidémies familiales) (séquençage Sanger)	Supra	393,0	487,32	848,88	1697,76
55067		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel de gènes associés aux arythmies héréditaires analysé à partir des données du panel global (cardiogénétique) (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55068		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel de gènes associés aux aortopathies héréditaires analysé à partir des données du panel global (cardiogénétique) (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55069		D. mol. Maladie héréditaire	Recherche de variant nucléotidiques (SNV) familiale ou confirmation de SNV (cardiogénétique) (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55070		D. mol. Maladie héréditaire	Recherche de variant nucléotidiques (SNV) familiale ou confirmation de SNV (dyslipidémies familiales) (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55081	C	D. mol. maladie héréditaire	Amyloïdose héréditaire TTR; TTR; (séquençage, régions codantes complètes)	Supra	219,0	271,56	473,04	946,08
55126	C	D. mol. maladie héréditaire	Achondroplasie - hypochondroplasie (exons 10 et 13) (FGFR3) (séquençage)	Supra	231,0	286,44	498,96	997,92

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
55132	C	D. mol. maladie héréditaire	Acidémie méthylmalonique avec homocystinurie; <i>MMACHC</i> , <i>LMBR1D</i> (séquençage)	Supra	313,0	388,12	676,08	1352,16
55133	C	D. mol. maladie héréditaire	Amyotrophie spinale (SMA); délétion exon 7 <i>SMN1</i> , <i>SMN2</i> (TAAN)	Supra	114,0	141,36	246,24	492,48
55134	C	D. mol. maladie héréditaire	Amyotrophie spinale (SMA); délétion exon 7 <i>SMN1</i> ; (MLPA)	Supra	483,0	598,92	1043,28	2086,56
55136	C	D. mol. maladie héréditaire	Amyotrophie spinale (SMA); <i>SMN1</i> (exon 7-8 del) (TAAN)	Supra	353,0	437,72	762,48	1524,96
55138	C	D. mol. maladie héréditaire	Amyotrophie spinale (SMA); <i>SMN1</i> ; (étude familiale par liaison génétique)	Supra	1584,0	1964,16	3421,44	6842,88
55142	C	D. mol. maladie héréditaire	Ataxie de Friedreich (FA); <i>FXN</i> (expansion de trinucéotides); (TAAN)	Supra	96,0	119,04	207,36	414,72
55156	C	D. mol. oncologie	Cancer du côlon; <i>MLH1</i> ; méthylation du promoteur (TAAN)	Supra	149,0	184,76	321,84	643,68
55171	C	D. mol. cancérologie héréditaire	Cancer du sein, cancer de l'ovaire, héréditaire; <i>BRCA1</i> et <i>BRCA2</i> - recherche de mutations (SNG)	Supra	584,0	724,16	1261,44	2522,88
55172	C	D. mol. cancérologie héréditaire	Néoplasie endocrinienne multiple type II (MEN II); RET; (7 exons) (séquençage)	Supra	565,0	700,6	1220,4	2440,8
55174	C	D. mol. maladie héréditaire	Charcot-Marie-Tooth lié à l'X type 1 (CMTX1); <i>GJB1</i> ; (séquençage, régions codantes complètes)	Supra	344,0	426,56	743,04	1486,08
55176	C	D. mol. maladie héréditaire	Charcot-Marie-Tooth type 1A (CMT1A); <i>PMP22</i> ; (TAAN quantitatif)	Supra	421,0	522,04	909,36	1818,72
55178	C	D. mol. maladie héréditaire	Cirrhose nord amérindienne infantile (NAIC); CIRHIN (CIRH1A); Arg565Trp; (TAAN)	Supra	232,0	287,68	501,12	1002,24
55180	C	D. mol. maladie héréditaire	Craniosynostose, syndrome d'Apert; <i>FGFR2</i> (Ser252Trp et Pro253Arg); (TAAN)	Supra	250,0	310	540	1080
55182	C	D. mol. maladie héréditaire	Craniosynostose, syndrome de Muenke; <i>FGFR3</i> (Pro250Arg); (TAAN)	Supra	243,0	301,32	524,88	1049,76
55194	C	D. mol. maladie héréditaire	Déficit congénital en glycosylation type 1b (CDG-Ib); <i>MPI</i> (Arg295His)	Supra	20,0	24,8	43,2	86,4
55196	C	D. mol. maladie héréditaire	Déficit en acyl-CoA déshydrogénase à chaîne moyenne (MCAD); <i>ACADM</i> (SNG)	Supra	86,0	106,64	185,76	371,52
55198	C	D. mol. maladie héréditaire	Déficit en alpha-1 antitrypsine (AATD); <i>SERPINA1</i> (Arg101His, Ala213Val, Glu264Val, Glu342Lys et Glu376Asp)	Supra	240,0	297,6	518,4	1036,8
55204	C	D. mol. maladie héréditaire	Détection rapide des aneuploidies par QF-PCR (chromosomes 13, 18, 21, X et Y) (TAAN)	Supra	209,0	259,16	451,44	902,88
55205	C	D. mol. Maladie héréditaire	Détermination du sexe fœtal par analyse de l'ADN circulant (pour risque génétique) (SNG)	Supra	295,0	365,8	637,2	1274,4
55208	C	D. mol. maladie héréditaire	Dysplasie ectodermique hidrotique ou syndrome de Clouston; <i>GJB6</i> (Gly11Arg, Val37Glu, Asp50Asn et Ala88Val)	Supra	275,0	341	594	1188
55209	C	D. mol. maladie héréditaire	Dysplasie thanatophore de types I et II (Exons 7, 10, 15 et 19) (<i>FGFR3</i>) (séquençage)	Supra	350,0	434	756	1512
55212	C	D. mol. maladie héréditaire	Dystrophie musculaire de Duchenne et dystrophie musculaire de Becker; <i>DMD</i> ; (délétion/duplication)	Supra	307,0	380,68	663,12	1326,24
55214	C	D. mol. maladie héréditaire	Dystrophie myotonique de Steinert; (expansion de trinucéotides) (immunobuvardage Southern)	Supra	481,0	596,44	1038,96	2077,92
55219	C	Dépistage néonatal	Fibrose kystique (FK); <i>CFTR</i> ; (panel de 71 mutations) sur sang séché	Supra	93,0	115,32	200,88	401,76
55221	C	D. mol. maladie héréditaire	Fibrose kystique (FK); <i>CFTR</i> (SNG)	Supra	345,0	427,8	745,2	1490,4
55223	C	D. mol. maladie héréditaire	Fièvre méditerranéenne familiale (FMF); <i>MEFV</i> (Glu148Gln, Met680Ile, Met694Val, Met694Ile et Val726Ala) (TAAN)	Supra	294,0	364,56	635,04	1270,08
55224	C	D. mol. maladie héréditaire	Hémochromatose héréditaire type I; <i>HFE</i> (C282Y, H63D) (TAAN)	Supra	24,0	29,76	51,84	103,68
55228	C	D. mol. maladie héréditaire	Infertilité mâle microdélétion du chromosome Y (TAAN)	Supra	351,0	435,24	758,16	1516,32
55236	C	D. mol. maladie héréditaire	Encéphalite Cree; <i>TREX1</i> ; Arg164Xaa, (TAAN)	Supra	26,0	32,24	56,16	112,32
55238	C	D. mol. maladie héréditaire	Leucoencéphalopathie Cree; eIF2B5; (Arg195His) (TAAN)	Supra	26,0	32,24	56,16	112,32
55244	C	D. mol. maladie héréditaire	Maladie de Huntington (HD); <i>HTT</i> (expansion de trinucéotides)	Supra	445,0	551,8	961,2	1922,4
55250	C	D. mol. maladie héréditaire	Maladie de Tay-Sachs ou gangliosidose à GM2 variant B; <i>HEXA</i> ; (SNG)	Supra	364,0	451,36	786,24	1572,48
55252	C	D. mol. maladie héréditaire	Maladies juives ashkénazes : maladie de Canavan (CD), maladie de Tay-Sachs, dysautonomie familiale; (panel de mutations juives ashkénazes) (SNG)	Supra	373,0	462,52	805,68	1611,36
55254	C	Génétique-bio.	Maladie mitochondriale, activité enzymatique	Supra	1157,0	1434,68	2499,12	4998,24
55255	C	Génétique-bio.	Maladie mitochondriale, détection des complexes I à V (BN-PAGE)	Supra	773,0	958,52	1669,68	3339,36
55256	C	D. mol. maladie héréditaire	Maladie mitochondriale, ADN mt (SNG) (technique et interprétation)	Supra	667,0	827,08	1440,72	2881,44
55266	C	D. mol. maladie héréditaire	Phénylcétonurie (PCU); <i>PAH</i> (SNG)	Supra	364,0	451,36	786,24	1572,48

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire publique canadien	Laboratoire privé
55288	C	D. mol. maladie héréditaire	Surdité non syndromique; GJB2, GJB6, Connexine 26 (SNG)	Supra	426,0	528,24	920,16	1840,32
55292	C	D. mol. maladie héréditaire	Surdité non syndromique; GJB6, Connexine 30, 2 délétions (TAAN)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
55294	C	D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de l'X fragile; FMR1 (expansion de trinuécléotides)	Supra	143,0	177,32	308,88	617,76
55298	C	D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de Prader-Willi, syndrome d'Angelman; (MS-TAAN, profil de méthylation et détection du nombre de copies par MLPA)	Supra	211,0	261,64	455,76	911,52
55300	C	D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de RETT, gène MECP2 (séquençage et MLPA)	Supra	659,0	817,16	1423,44	2846,88
55302	C	D. mol. maladie héréditaire	Syndrome triple H ou syndrome de l'hyperornithinémie-hyperammoniémie-homocitrullinurie (SLC25A15: p.Phe188del) (séquençage)	Supra	326,0	404,24	704,16	1408,32
55305	C	Dépistage prénatal	Test génomique prénatal non invasif (TGPNI)	Supra	315,0	390,6	680,4	1360,8
55309	N	D. mol. maladie héréditaire	Six maladies récessives du Saguenay-Lac-Saint-Jean; (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement sanguin ou liquide biologique	Supra	43,0	53,32	92,88	185,76
55311	C	D. mol. maladie héréditaire	Offre populationnelle – Six maladies récessives du Saguenay – Lac-Saint-Jean; (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement de cellules buccales	Régional désigné	48,0	59,52	103,68	207,36
55313	C	D. mol. maladie héréditaire	Quatre maladies récessives du Saguenay-Lac-Saint-Jean; (SACS 6594ΔT, SACS 5254C>T, LRPPRC C1061T, SLC12A6 2436ΔG, FAH IVS12+5G>A; (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement sanguin ou liquide biologique	Supra	36,0	44,64	77,76	155,52
55315		D. mol. maladie héréditaire	Mucopolidose de type II (MLII); GNP7AB: c.3503_3504delTC (séquençage, mutation individuelle)	Supra	46,0	57,04	99,36	198,72
55317	N	D. mol. maladie héréditaire	Recherche de délétion ou duplication (CNV) pour confirmation ou dépistage familial (MLPA)	Supra	409,0	507,16	883,44	1766,88
55318	C	D. mol. maladie héréditaire	Maladies héréditaires; mutation familiale pour confirmation ou dépistage familial (séquençage Sanger)	Supra	285,0	353,4	615,6	1231,2
55319	C	D. mol. maladie héréditaire	Maladies héréditaires; mutation familiale pour confirmation ou dépistage familial (SNG)	Supra	285,0	353,4	615,6	1231,2
55320	C	D. mol. maladie héréditaire	Tyrosinémie héréditaire de type 1; FAH (14 exons) (séquençage Sanger)	Supra	422,0	523,28	911,52	1823,04
55336		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux hyperthermies malignes analysés à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)	Supra	1	1,24	2,16	4,32
55340		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel global de gènes associés aux maladies musculaires analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55350		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à la sclérose latérale amyotrophique analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55352	C	D. mol. Maladie héréditaire	Analyse d'expansion des répétitions ATXN2 (TAAN)	Supra	172,0	213,28	371,52	743,04
55354	C	D. mol. Maladie héréditaire	Analyse d'expansion des répétitions C9orf72 (TAAN)	Supra	243,0	301,32	524,88	1049,76
55356	C	D. mol. Maladie héréditaire	Séquençage des gènes SOD1, FUS et TARDBP (SNG)	Supra	402,0	498,48	868,32	1736,64
55360		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux troubles neurodéveloppementaux analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55365	C	D. mol. maladie héréditaire	Séquençage des gènes liés au syndrome de Noonan/RASopathie (prénatal et postnatal)(SNG) (technique et interprétation)	Supra	631,0	782,44	1362,96	2725,92
55370		D. mol. maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux maladies mitochondriales liées à des mutations de l'ADN nucléaire analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55372		D. mol. maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux syndromes polymalformatifs (en contexte post-natal) analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55373		D. mol. maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux anomalies fœtales analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55374	C	D. mol. oncologie héréditaire	Panel global de gènes de prédisposition aux tumeurs solides de l'adulte (SNG) (technique et interprétation)	Supra	561,0	695,64	1211,76	2423,52
55376		D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer du sein analysé à partir des données du panel global (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55378		D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer de l'ovaire analysé à partir des données du panel global (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55380		D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer du pancréas non associé à la pancréatite chronique héréditaire analysé à partir des données du panel global (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
55382		D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer de la prostate analysé à partir des données du panel global (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55384		D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer de l'endomètre analysé à partir des données du panel global (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55386		D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer du côlon analysé à partir des données du panel global (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55387	N*	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer rénal analysé à partir des données du panel global (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55388		D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition aux polyposes colorectales analysé à partir des données du panel global (compilation seulement) (excluant le syndrome de Lynch)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55389	N*	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer endocrine analysé à partir des données du panel global (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55390		D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition aux cancers gastriques héréditaires analysé à partir des données du panel global (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55391	N*	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au mélanome analysé à partir des données du panel global (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55392		D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition aux tumeurs solides pédiatriques; analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55393		D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition aux tumeurs hématologiques pédiatriques, cytopénie, insuffisance médullaire; analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55400	C	D. mol. maladie héréditaire	Vérification de l'identité de l'échantillon (génompage SNaPshot) (ADN)	Supra	57,0	70,68	123,12	246,24
55402	C	D. mol. maladie héréditaire	Vérification de l'identité de l'échantillon (génompage SNaPshot) (ARN)	Supra	89,0	110,36	192,24	384,48
55403		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel global de gènes associés aux erreurs innées de l'immunité analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55404		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux erreurs innées du complément analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55405		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés au déficit immunitaire combiné sévère (SCID) analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55406		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à la maladie inflammatoire de l'intestin très précoce (VEOIBD) analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55407		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés au syndrome d'hyper-IgE analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55408		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à l'hypogammaglobulinémie et à la dysrégulation immunitaire primitive analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55409		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux maladies auto-inflammatoires analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55410		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés au syndrome de prédisposition mendélienne aux infections mycobactériennes (MSMD) analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55411		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à la neutropénie congénitale analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55412		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à l'hémophagocytose lymphohistiocytaire et à l'infection chronique active au virus Epstein Barr analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55413		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux erreurs innées de l'immunité intrinsèque analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55414		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés au défaut de production de superoxyde analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55415		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à l'épilepsie analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55416	N	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à la surdité non syndromique analysé à partir de l'exome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55417	N	D. mol. Maladie héréditaire	Analyse rapide des données de l'exome à visée thérapeutique ou d'orientation pour maladie monogénique (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
55418	N*	D. mol. Maladie héréditaire	Analyse chromosomique pour détection des variations du nombre de copies (CNV) par séquençage du génome à faible couverture (interprétation seulement)	Supra	138,0	171,12	298,08	596,16
55420	C	D. mol. Maladie héréditaire	Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 1 gène (interprétation seulement)	Supra	82,0	101,68	177,12	354,24

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire publique canadien	Laboratoire privé
55421	C	D. mol. Maladie héréditaire	Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 2-20 gènes (interprétation seulement)	Supra	123,0	152,52	265,68	531,36
55422	C	D. mol. Maladie héréditaire	Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 21-100 gènes (interprétation seulement)	Supra	164,0	203,36	354,24	708,48
55423	C	D. mol. Maladie héréditaire	Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 101-500 gènes (interprétation seulement)	Supra	205,0	254,2	442,8	885,6
55424	C	D. mol. Maladie héréditaire	Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de plus de 501 gènes en solo ou en duo (interprétation seulement)	Supra	301,0	373,24	650,16	1300,32
55425	C	D. mol. Maladie héréditaire	Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de plus de 501 gènes en trio (interprétation seulement)	Supra	247,0	306,28	533,52	1067,04
55426	C	D. mol. Maladie héréditaire	Interprétation SNG élargissement à l'exome après un panel virtuel de gènes (interprétation seulement)	Supra	82,0	101,68	177,12	354,24
60000	C	Pathologie clinique	Assistance à autopsie Creutzfeldt-Jakob	Supra	276,0	342,24	596,16	1192,32
60002	C	Pathologie clinique	Assistance à autopsie métabolique ou mort subite du nourrisson (incluant radiologie, éviscération et tous prélèvements) (réservé à pédiatrie)	Supra	285,0	353,4	615,6	1231,2
60003	C	Pathologie-fertilité	Anti-spermatozoïdes (sperme / sérum) (IgG et IgA)	Régional	34,0	42,16	73,44	146,88
60005	C	Pathologie-fertilité	Conservation des paillettes de sperme (banque de sperme)	Régional	4,0	4,96	8,64	17,28
60006	C	Pathologie-fertilité	Cryopréservation (sperme) (transformation)	Régional	82,0	101,68	177,12	354,24
60029	N	Pathologie clinique	Assistance à autopsie réalisée à la demande du coroner (incluant éviscération et tous prélèvements, excluant prélèvement de moelle épinière)	Local	401,0	497,24	866,16	1732,32
60030	C	Pathologie clinique	Assistance à autopsie hospitalière (incluant éviscération et tous prélèvements, excluant prélèvement de moelle épinière)	Local	401,0	497,24	866,16	1732,32
60031	C	Pathologie clinique	Assistance à autopsie foetale (incluant placenta et tous prélèvements)	Local	201,0	249,24	434,16	868,32
60040	C	Pathologie clinique	Cancer du poumon non à petites cellules (CPNPC); PD-L1 (immunohistochimie)	Régional désigné	100,0	124	216	432
60041	C	Pathologie clinique	Cancer du poumon non à petites cellules (CPNPC); ALK (immunohistochimie)	Régional désigné	17,3	21,452	37,368	74,736
60042	C	Pathologie clinique	Protéines de réparation des mésappariements de l'ADN (MLH1, MSH2, MSH6 et PMS2) (instabilité des microsatellites (MSI-H)) (immunohistochimie)	Régional	32,0	39,68	69,12	138,24
60044		Pathologie clinique	Analyse de ROS1 par immunohistochimie (IHC)	Régional désigné	39,0	48,36	84,24	168,48
60046	C	Pathologie clinique	Marqueurs tumoraux spécifiques (PD-L1) (immunohistochimie) (par marqueur, incluant le décompte)	Régional désigné	96,0	119,04	207,36	414,72
60047	N	Pathologie clinique	Marqueurs tumoraux spécifiques (FOLR1) (immunohistochimie) (par marqueur, incluant le décompte)	Régional désigné	22,0	27,28	47,52	95,04
60050	C	Pathologie clinique	Coloration spéciale	Local	29,0	35,96	62,64	125,28
60051	C	Pathologie clinique	Coloration spéciale : lame grand format	Régional	37,0	45,88	79,92	159,84
60090	C	Pathologie clinique	Coloration de routine, tissu paraffiné, lame grand format	Régional	24,0	29,76	51,84	103,68
60100	C	Pathologie clinique	Mise en cassette avec ou sans assistance au pathologiste, résident ou assistant pathologiste	Local	2,5	3,1	5,4	10,8
60101	C	Prélèvements	Assistance pour prélèvement de biopsie (pour pathologie ou cytologie) (excluant déplacement)	Local	132,0	163,68	285,12	570,24
60120	C	Pathologie clinique	Description de placenta (mise en cassette non incluse)	Local	33,0	40,92	71,28	142,56
60122	C	Pathologie clinique	Description macroscopique de pièces chirurgicales complexes (entre 5 et 15 min) effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste (mise en cassette non incluse)	Local	16,5	20,46	35,64	71,28
60124	C	Pathologie clinique	Description macroscopique de pièces chirurgicales non complexes (moins de 5 min) effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste (mise en cassette non incluse)	Local	4,1	5,084	8,856	17,712
60128	C	Pathologie clinique	Description macroscopique de pièces chirurgicales très complexes (plus de 15 min) effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste (mise en cassette non incluse)	Local	63,0	78,12	136,08	272,16
60140	C	Pathologie clinique	Enrobage dans agar et fixation pour micro-spécimen	Local	5,3	6,572	11,448	22,896
60141	C	Pathologie clinique	Examen extemporané (coloration incluse)	Local	23,0	28,52	49,68	99,36
60142	C	Pathologie clinique	Examen extemporané exclusivement pour chirurgie de MOH'S	Régional désigné	38,0	47,12	82,08	164,16
60148	C	Pathologie clinique	Immunohisto/cytochimie (marquage multiple) (immunohistochimie) (contrôles inclus)	Local	29,0	35,96	62,64	125,28
60150	C	Pathologie clinique	Immunofluorescence sur tissu	Régional	27,0	33,48	58,32	116,64
60151	C	Pathologie clinique	Immunohisto/cytochimie (immunohistochimie) (contrôles inclus)	Local	23,0	28,52	49,68	99,36
60162	C	Pathologie-fertilité	Préparation d'une paillette achetée d'une banque pour insémination (lavée et non lavée)	Régional	37,0	45,88	79,92	159,84
60163	C	Pathologie-fertilité	Préparation de paillette pour insémination (sperme du conjoint) (lavée et non lavée)	Régional	15,0	18,6	32,4	64,8
60168	C	Pathologie clinique	Préparation de ruban de tissu paraffiné pour extraction des acides nucléiques	Local	5,3	6,572	11,448	22,896
60178	C	Pathologie clinique	Préparation de lames blanches (pour l'envoi de lames pour technique hors de l'installation ou pour préservation de tissus précieux)	Local	3,8	4,712	8,208	16,416
60180	C	Pathologie clinique	Photographie macroscopique pour chirurgie ou autopsie (déposée au dossier) effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste	Local	3,6	4,464	7,776	15,552

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
60189	C	Pathologie clinique	Biomarqueurs immunohistochimiques (à but thérapeutique) (par marqueur, incluant le décompte)	Régional	24,0	29,76	51,84	103,68
60190	C	Pathologie clinique	Radiographie de pièces chirurgicales ou blocs (excluant le déplacement)	Local	9,1	11,284	19,656	39,312
60191	C	Pathologie clinique	Marqueurs tumoraux spécifiques (Ki-67) (immunohistochimie) (par marqueur) (incluant le décompte)	Régional	24,0	29,76	51,84	103,68
60192	N*	Pathologie clinique	Marqueurs tumoraux spécifiques; Claudine (CLDN) 18.2; (immunohistochimie) (par marqueur, incluant le décompte)	Régional désigné	65,0	80,6	140,4	280,8
60200	C	Pathologie clinique	Coloration de routine, tissu paraffiné	Local	7,0	8,68	15,12	30,24
60301	C	Pathologie clinique	Histo-enzymologie (musculaire ou nerveuse)	Supra	103,0	127,72	222,48	444,96
60351	C	Pathologie clinique	Nerf, sans micro dissection	Supra	55,0	68,2	118,8	237,6
60352	C	Pathologie clinique	Analyse histomorphométrique d'un spécimen osseux non décalcifié	Supra	1071,0	1328,04	2313,36	4626,72
60441	C	Cytologie	Cytologie gynécologique en milieu liquide (préparation)	Régional	5,9	7,316	12,744	25,488
60442		Cytologie	Cytologie non gynécologique en milieu liquide (préparation)	Régional	13,2	16,368	28,512	57,024
60445	C	Cytologie	Cytologie liquide (gynécologique) (coloration)	Régional	4,1	5,084	8,856	17,712
60446	C	Cytologie	Cytologie liquide (non gynécologique) (coloration)	Régional	2,4	2,976	5,184	10,368
60450	C	Cytologie	Numérisation de lames (cytologie numérique)	Régional	3,3	4,092	7,128	14,256
60455	C	Cytologie	Préparation de blocs cellulaires (enrobage dans agar)	Régional	5,3	6,572	11,448	22,896
60456	C	Cytologie	Cytologie liquide gynécologique (lecture par cytologiste)	Régional	12,4	15,376	26,784	53,568
60457	C	Cytologie	Cytologie liquide non gynécologique (lecture par cytologiste)	Régional	10,5	13,02	22,68	45,36
60470	C	Cytologie	Frottis cervicaux-vaginaux (lecture par cytologiste)	Régional	12,4	15,376	26,784	53,568
60471	C	Cytologie	Frottis non-gynécologique ou cytocentrifugation (préparation et coloration)	Local	11,8	14,632	25,488	50,976
60472	C	Cytologie	Frottis non-gynécologique ou cytocentrifugation (lecture par cytologiste)	Régional	11,4	14,136	24,624	49,248
60473	C	Cytologie	Frottis cervicaux-vaginaux (préparation et coloration)	Local	4,1	5,084	8,856	17,712
60500	C	Pathologie clinique	Radiographie d'un corps (autopsie) (excluant déplacement)	Local	58,0	71,92	125,28	250,56
60543	C	Pathologie clinique	Recherche de ganglion par dégraissage effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste	Local	61,0	75,64	131,76	263,52
60544	C	Pathologie clinique	Recherche de ganglion par palpation effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste	Local	73,0	90,52	157,68	315,36
60570	C	Pathologie clinique	Marqueurs tumoraux spécifiques (HER 2/neu) (immunohistochimie) (par marqueur, incluant le décompte)	Régional désigné	61,0	75,64	131,76	263,52
60572	C	Pathologie clinique	Microscopie électronique : de semi-fine jusqu'à rapport	Supra	327,0	405,48	706,32	1412,64
60573	C	Pathologie clinique	Microscopie électronique : jusqu'à l'enrobage à l'épon	Supra	168,0	208,32	362,88	725,76
60589	C	Pathologie clinique	Autopsie limitée au cerveau (excepté autopsie Creutzfeldt-Jakob)	Local	78,0	96,72	168,48	336,96
60590	C	Pathologie clinique	Ploidie sur tissus paraffinés	Supra	208,0	257,92	449,28	898,56
60591	C	Pathologie clinique	Prélèvement de moelle épinière complète	Local	51,0	63,24	110,16	220,32
60594	C	Pathologie-fertilité	Spermoconcentration et stimulation (lavage de sperme-gradient)	Régional	58,0	71,92	125,28	250,56
60595	C	Pathologie-fertilité	Spermogramme complet assisté par ordinateur (CASA)	Local	33,0	40,92	71,28	142,56
60596	C	Pathologie-fertilité	Viabilité des spermatozoïdes (coloration éosine - négrosine)	Local	11,5	14,26	24,84	49,68
60611	C	Pathologie clinique	Description macroscopique sans production de lame, bloc ou cassette	Local	5,7	7,068	12,312	24,624
60631	C	Pathologie-fertilité	Spermoconcentration et stimulation (lavage de sperme - SWIMM-UP)	Régional	44,0	54,56	95,04	190,08
60632	C	Pathologie-fertilité	Spermogramme complet (test de fertilité) ou vaso-vasostomie	Local	49,0	60,76	105,84	211,68
60633	C	Pathologie-fertilité	Spermogramme partiel (post-vasectomie)	Local	24,0	29,76	51,84	103,68
60700	C	Télé-pathologie	Numérisation lame (pathologie numérique), effectuée par un technologiste médical	Local	4,6	5,704	9,936	19,872
60701	C	Télé-pathologie	Création d'un dossier dans un système de traitement d'images numérisées (pathologie numérique)	Local	11,0	13,64	23,76	47,52
60702	C	Télé-pathologie	Prise d'image macroscopique (déposée au dossier) (télépathologie)	Local	5,6	6,944	12,096	24,192
60705	C	Télé-pathologie	Session macroscopique de pièces chirurgicales (télépathologie), effectuée par un technologiste médical (mise en cassette non incluse)	Local	97,0	120,28	209,52	419,04
65000	C	D. mol. oncologie	Cancer du sein; test pronostique pour les tumeurs (Prosigna™) (hybridation d'ARN)	Supra	2469,0	3061,56	5333,04	10666,08
65001	C	D. mol. oncologie	Cancer du sein; test pronostique pour les tumeurs (Endopredict®) (TAAN)	Supra	2557,0	3170,68	5523,12	11046,24
65002	C	D. mol. oncologie	Cancers; BRAF, détection de la mutation Val600Glu (TAAN)	Supra	41,0	50,84	88,56	177,12
65004	C	D. mol. oncologie	Analyse d'instabilité des microsatellites (MSI) (TAAN)	Supra	278,0	344,72	600,48	1200,96
65005	C	D. mol. oncologie	Cancer de l'ovaire, BRCA1 et BRCA2 - recherche de mutations sur tumeur solide (SNG)	Supra	524,0	649,76	1131,84	2263,68
65006	C	D. mol. oncologie	Cancer du poumon; EGFR (exons 18 - 21) panel de mutations somatiques (TAAN)	Supra	186,0	230,64	401,76	803,52
65007	C	D. mol. oncologie	Cancer de la prostate, BRCA1 et BRCA2 - recherche de mutations sur tumeur solide (SNG)	Supra	524,0	649,76	1131,84	2263,68
65008	C	D. mol. oncologie	Cancer du sein et de l'estomac, détection (ERBB2 ou HER2/neu) (FISH) (par marqueur, incluant le décompte)	Régional désigné	178,0	220,72	384,48	768,96

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
65010	C	D. mol. oncologie	Carcinome rénal (PRCC-TFE3 de la t(X;1)) (TAAN sur tissus)	Supra	340,0	421,6	734,4	1468,8
65011	C	D. mol. Oncologie	Cancer du poumon non à petites cellules (CPNPC); EGFR; mutation Thr790Met (exon 20) sur ADN tumoral circulant (biopsie liquide)	Supra	80,0	99,2	172,8	345,6
65012	C	D. mol. oncologie	Carcinome rénal (alpha-TFEB de la t(6;11)) (TAAN sur tissus)	Supra	317,0	393,08	684,72	1369,44
65014	C	D. mol. oncologie	Chondrosarcome myxoïde (EWSR1-TEC de la t(9;22) et TAF2N-TEC de la t(9;17)) (TAAN sur tissus)	Supra	340,0	421,6	734,4	1468,8
65015	C	D. mol. Oncologie	Panel multigènes diagnostic, pronostic ou prédictif pour le carcinome pulmonaire non à petites cellules (CPNPC) par biopsie liquide (SNG)	Supra	1096,0	1359,04	2367,36	4734,72
65016	C	D. mol. hématologie	Clonalité lymphocytaire B chaînes légères (TAAN, méthode BIOMED-2)	Supra	213,0	264,12	460,08	920,16
65017	C	D. mol. oncologie	Cancer de l'endomètre; POLE – recherche de mutations sur tumeur solide (SNG)	Supra	508,0	629,92	1097,28	2194,56
65018	C	D. mol. hématologie	Clonalité lymphocytaire B chaînes lourdes (TAAN, méthode BIOMED-2)	Supra	109,0	135,16	235,44	470,88
65019	C	D. mol. hématologie	Réarrangements du gène des récepteurs des lymphocytes T gamma (TRG) (SNG)	Supra	243,0	301,32	524,88	1049,76
65020	C	D. mol. hématologie	Clonalité lymphocytaire T chaînes B, G et D (TAAN, méthode BIOMED-2)	Supra	291,0	360,84	628,56	1257,12
65022	C	D. mol. oncologie	Co délétion - chromosome 1p et 19q (FISH)	Supra	192,0	238,08	414,72	829,44
65023	C	D. mol. Oncologie	Recherche mutations dans le gène EGFR par PCR en temps réel sur cartouche automatique (TAAN)	Régional désigné	258,0	319,92	557,28	1114,56
65024	C	D. mol. Oncologie	Recherche fusions oncogéniques dans les gènes ALK, ROS1, RET et du saut de l'exon 14 du gène MET par PCR en temps réel sur cartouche automatique (TAAN)	Régional désigné	313,0	388,12	676,08	1352,16
65025	C	D. mol. Oncologie	Recherche mutations dans le gène BRAF par PCR en temps réel sur cartouche automatique (TAAN)	Régional désigné	204,0	252,96	440,64	881,28
65026	C	D. mol. Oncologie	Recherche mutations dans le gène KRAS par PCR en temps réel sur cartouche automatique (TAAN)	Régional désigné	229,0	283,96	494,64	989,28
65028	N*	D. mol. Oncologie	Cancer du sein, PTEN - recherche de mutations sur tumeur solide (SNG)	Supra	524,0	649,76	1131,84	2263,68
65030	C	D. mol. oncologie	Dermato-Fibrosarcome (COL1A1-PDGFB de la t(17;22) (TAAN sur tissus)	Supra	303,0	375,72	654,48	1308,96
65032	C	D. mol. hématologie	Identification du point de cassure BCR::ABL1 par PCR multiplex de la t(9;22) (TAAN)	Supra	201,0	249,24	434,16	868,32
65034	C	D. mol. maladie héréditaire	Dysplasie fibreuse / Syndrome de McCune-Albright, mutations aux codons Arg201 et Gln227 du gène GNAS1 (TAAN sur tissus)	Supra	185,0	229,4	399,6	799,2
65036	C	D. mol. oncologie	Dihydropyrimidine déshydrogénase (DPYD), mutations c.1905+1G>A (DPYD*2A), c.2846A>T, c.1679T>G et c.1129-5923C>G (TAAN)	Supra	34,0	42,16	73,44	146,88
65042	C	D. mol. hématologie	Lymphome lymphoplasmocytaire, MYD88, détection de la mutation Leu265Pro (TAAN)	Supra	86,0	106,64	185,76	371,52
65050	C	D. mol. oncologie	GIST: KIT et PDGFRA (12 séquençages)	Supra	473,0	586,52	1021,68	2043,36
65065	C	D. mol. oncologie	Cancer du cerveau; IDH1 (R132), IDH2 (R172) (TAAN, mutations individuelles)	Supra	201,0	249,24	434,16	868,32
65070	C	D. mol. oncologie	Cancer du côlon; KRAS, recherche de mutations ciblées (exons 2, 3, 4) (TAAN)	Supra	146,0	181,04	315,36	630,72
65080	C	D. mol. hématologie	Leucémie LLA (2 amplifications) détection de translocations (TAAN)	Supra	419,0	519,56	905,04	1810,08
65082	C	D. mol. hématologie	Leucémie LLC, IgH Vh (séquençage)	Supra	369,0	457,56	797,04	1594,08
65083	N*	D. mol. hématologie	IDH1, recherche de la mutation R132X (TAAN)	Supra	250,0	310	540	1080
65084	C	D. mol. hématologie	Leucémie LMA, détection de translocation t(8;21) 2 amplifications (TAAN)	Supra	217,0	269,08	468,72	937,44
65086	C	D. mol. hématologie	Leucémie LMA, détection de l'inversion (16) 2 amplifications (TAAN)	Supra	216,0	267,84	466,56	933,12
65088	C	D. mol. hématologie	Leucémie LMA (mutation FLT3/ITD) (TAAN)	Supra	179,0	221,96	386,64	773,28
65090	C	D. mol. hématologie	Leucémie LMA (mutation FLT3/TKD) (TAAN)	Supra	220,0	272,8	475,2	950,4
65091	C	D. mol. hématologie	Leucémie LMA, stratification pronostique, panel de gènes (SNG)	Supra	575,0	713	1242	2484
65092		D. mol. hématologie	Leucémie LMC et LLA (BCR::ABL1 de la t(9;22)) (TAAN quantitatif)	Supra	114,0	141,36	246,24	492,48
65094	C	D. mol. hématologie	Leucémie LPA (FAB-M3), PML/RAR de la t(15;17) amplification simple (TAAN quantitatif)	Supra	173,0	214,52	373,68	747,36
65096	C	D. mol. hématologie	Leucémie LPA (FAB-M3), PML/RAR de la t(15;17) (TAAN niché)	Supra	57,0	70,68	123,12	246,24
65098	C	D. mol. hématologie	Leucémie LMA (mutation C/EPBa) (séquençage)	Supra	480,0	595,2	1036,8	2073,6
65120	C	D. mol. hématologie	Leucémie - prédisposition familiale, gène RUNX1 (séquençage)	Supra	458,0	567,92	989,28	1978,56

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
65121	C	D. mol. hématologie	Leucémie - prédisposition familiale, gène PAX5 (séquençage)	Supra	529,0	655,96	1142,64	2285,28
65122	C	D. mol. cancérologie héréditaire	Mutations germinales - prédisposition familiale, gène TP53 (séquençage)	Supra	332,0	411,68	717,12	1434,24
65128	C	D. mol. hématologie	Leucémies et tumeurs solides: validation de translocations (TAAN)	Supra	416,0	515,84	898,56	1797,12
65130	C	D. mol. oncologie	Liposarcome myxoïde (FUS-CHOP de la t(12;16), EWRS1-CHOP de la t(12;22)) (TAAN) sur tissus	Supra	340,0	421,6	734,4	1468,8
65132	C	D. mol. hématologie	Lymphome à cellule du manteau (BCL-1) (TAAN)	Supra	108,0	133,92	233,28	466,56
65134	C	D. mol. hématologie	Lymphome à grandes cellules t(2;5) (TAAN)	Supra	220,0	272,8	475,2	950,4
65138	C	D. mol. hématologie	Lymphome folliculaire, recherche de translocation (BCL-2 de la t(14;18)) (TAAN)	Supra	131,0	162,44	282,96	565,92
65145	C	D. mol. hématologie	Mutation du gène <i>CALR</i> , exon 9 (TAAN)	Supra	29,0	35,96	62,64	125,28
65147	C	D. mol. oncologie	Méthylation du gène de l'O-6-méthylguanine-ADN méthyltransférase (MGMT)	Supra	162,0	200,88	349,92	699,84
65148	C	D. mol. hématologie	Myélofibrose primaire et thrombocythémie essentielle; <i>MPL</i> ; mutations Trp515Leu, Trp515Lys, Trp515Ala et Ser505Asn (exon 10) (TAAN)	Supra	24,0	29,76	51,84	103,68
65149	C	D. mol. oncologie	Cancer du côlon; <i>NRAS</i> , recherche de mutations ciblées (exons 2, 3, 4; codons 12, 13, 61 et 146) (TAAN)	Supra	247,0	306,28	533,52	1067,04
65150	C	D. mol. hématologie	Leucémie LMA, nucléophosmine gène NPM1 (exon 12) (TAAN)	Supra	283,0	350,92	611,28	1222,56
65152	N*	D. mol. hématologie	Maladie résiduelle mesurable (MRM) de la leucémie myéloïde aigüe (LMA), variants prédominants de type A, B et D dans le gène <i>NPM1</i> (TAAN)	Supra	788,0	977,12	1702,08	3404,16
65155	C	D. mol. hématologie	Polycythémie vraie (mutation JAK2-Val617Phe) (TAAN)	Supra	328,0	406,72	708,48	1416,96
65156	C	D. mol. hématologie	Polycythémie vraie; JAK2; mutations exon 12 (TAAN)	Supra	81,0	100,44	174,96	349,92
65160	C	D. mol. hématologie	Recherche des chaînes légères Kappa, Lambda ou du virus EBV par hybridation <i>in situ</i> chromogénique (CISH)	Régional	172,0	213,28	371,52	743,04
65162	C	D. mol. oncologie	Rhabdomyosarcome alvéolaire t(1;13) t(2;13) (TAAN)	Supra	260,0	322,4	561,6	1123,2
65164	C	D. mol. oncologie	Sarcome à cellules claires ou histiocytome fibreux angiomatoïde (FUS-ATF1 de la t(12;16), <i>EWRS1-CREB1</i> de la t(12;22), <i>EWRS1-CREB1</i> de la t(2;22)) (TAAN)	Supra	364,0	451,36	786,24	1572,48
65166	C	D. mol. oncologie	Sarcome alvéolaire des tissus mous (ASPL-TFE3 de la t(X;17) (TAAN)	Supra	303,0	375,72	654,48	1308,96
65168	C	D. mol. oncologie	Sarcome Ewing <i>EWS/FL1</i> t(11;22) et <i>EWS/ERG</i> t(21;22) (TAAN)	Supra	258,0	319,92	557,28	1114,56
65170	C	D. mol. oncologie	Sarcome fibromyxoides de bas grade (<i>FUS-CREB3L2</i> de la t(7;16), <i>FUS-CREB3L1</i> de la t(11;16)) (TAAN)	Supra	357,0	442,68	771,12	1542,24
65172	C	D. mol. oncologie	Sarcome synovial t(x;18) (TAAN)	Supra	261,0	323,64	563,76	1127,52
65174	C	D. mol. oncologie	Sarcome des tissus mous et osseux; analyse des translocations (SNG)	Supra	818,0	1014,32	1766,88	3533,76
65180	C	D. mol. hématologie	Syndrome hyperéosinophilique (<i>FIP1L1-PDGFRα</i> de la délétion 4q12) (TAAN)	Supra	349,0	432,76	753,84	1507,68
65182	C	D. mol. hématologie	Néoplasie myélo-proliférative NMP/SMD (<i>ETV6-PDGFRB</i>) de la t(5;12) (TAAN)	Supra	66,0	81,84	142,56	285,12
65196	C	D. mol. oncologie	Tumeur desmoplastique à petites cellules <i>EWS/WT1</i> (TAAN)	Supra	192,0	238,08	414,72	829,44
65198	C	D. mol. oncologie	Tumeurs cérébrales; H3F3A (mutations Lys27Met et Gly34Val/Arg) et HIST1H3B (mutation Lys27Met) (séquençage)	Supra	219,0	271,56	473,04	946,08
65199	C	D. mol. oncologie	Cancer du poumon non à petites cellules (CPNPC); Réarrangement ALK (FISH)	Supra	209,0	259,16	451,44	902,88
65200	C	D. mol. oncologie	Analyse de ROS1 par hybridation <i>in situ</i> en fluorescence (FISH)	Supra	209,0	259,16	451,44	902,88
65210	C	D. mol. Oncologie	Préparation de cellules, de moelle et de tissus en oncologie	Local	65,0	80,6	140,4	280,8
65213	N	D. mol. hématologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer de l'ovaire (SNG) (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
65214	N	D. mol. hématologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer de la prostate (SNG) (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
65215	N	D. mol. hématologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer de l'endomètre (SNG) (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
65216	N	D. mol. hématologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer cholangiocarcinome (SNG) (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
65217	C	D. mol. hématologie	Panel virtuel ciblé de gènes de leucémies et tumeurs pédiatriques, analysé à partir du transcriptome (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
65218	C	D. mol. hématologie	Panel virtuel ciblé de gènes de leucémies et tumeurs pédiatriques, analysé à partir de l'exome de la tumeur (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
65220	C	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer broncho-pulmonaire (SNG) (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire publique canadien	Laboratoire privé
65222	C	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer colorectal (SNG) (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
65224	C	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer de la thyroïde (SNG) (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
65226	C	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour carcinome urothélial (SNG) (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
65228	C	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour mélanomes (SNG) (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
65230	C	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour tumeur stromale gastro-intestinale (TSGI) (SNG) (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
65232	C	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer du sein (SNG) (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
65233	C	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer du système nerveux central (SNG) (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
65234	C	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour autre tumeur (SNG) (compilation seulement)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
65237	N	D. mol. Oncologie	Profilage génomique étendu de la tumeur (SNG) (comprehensive genomic profiling (CGP)) (interprétation seulement)	Supra	253,0	313,72	546,48	1092,96
65238	N	D. mol. Oncologie	Profilage génomique étendu de la tumeur (SNG) (comprehensive genomic profiling (CGP)) (technique seulement)	Supra	866,0	1073,84	1870,56	3741,12
65239	N	D. mol. Oncologie	Profilage génomique par panel ciblé de la tumeur (SNG) (technique et interprétation)	Supra	483,0	598,92	1043,28	2086,56
65240	C	D. mol. Oncologie	Séquençage transcriptome de la tumeur (cancer pédiatrique) (SNG)	Supra	1918,0	2378,32	4142,88	8285,76
65241	C	D. mol. Oncologie	Séquençage exome de la tumeur (cancer pédiatrique) (SNG)	Supra	2074,0	2571,76	4479,84	8959,68
65242	C	D. mol. Oncologie	Séquençage exome matériel normal (paire) (cancer pédiatrique) (SNG)	Supra	408,0	505,92	881,28	1762,56
65245	C	D. mol. hématologie	Recherche de mutations myéloïdes (SMD, NMP et CCUS) par panel (SNG)	Supra	493,0	611,32	1064,88	2129,76
70002	C	Envoi	Envoi intergrappes (entre les laboratoires de deux grappes différentes)	Local	6,9	8,556	14,904	29,808
70003	C	Envoi	Envoi intragrappe (entre les laboratoires d'une même grappe)	Local	2,3	2,852	4,968	9,936
70005		Envoi	Envoi ou retour de lame/bloc/cassette	Local	0,3	0,372	0,648	1,296
70006	C	Envoi	Envoi hors Québec (par établissement)	Local	118,0	146,32	254,88	509,76
70007	C	Envoi	Envoi par avion intra-Québec	Local	213,0	264,12	460,08	920,16
70008		Envoi	Envoi sur glace sèche	Local	6,2	7,688	13,392	26,784
70009	N	Envoi	Envoi urgent	Local	485,0	601,4	1047,6	2095,2
70019	C	Prélèvements	Prélèvement du test respiratoire de la détection de l' <i>Helicobacter pylori</i> à l'urée marquée au carbone 13	Local	35,0	43,4	75,6	151,2
70020	C	Prélèvements	Prélèvement biologique (excluant sang et réception)	Local	16,0	19,84	34,56	69,12
70021	C	Prélèvements	Prélèvement capillaire	Local	32,0	39,68	69,12	138,24
70022	C	Prélèvements	Prélèvement d'une unité de sang total, don autologue ou programme de donneur ambulant	Local	35,0	43,4	75,6	151,2
70023	C	Prélèvements	Prélèvement veineux	Local	13,5	16,74	29,16	58,32
70024	C	Prélèvements	Prélèvement veineux pédiatrique < 7 ans (incluant l'assistance au prélèvement)	Local	32,0	39,68	69,12	138,24
70026	C	Prélèvements	Assistance au prélèvement de moelle osseuse en SOP	Local	192,0	238,08	414,72	829,44
70027	C	Prélèvements	Assistance au prélèvement de moelle osseuse ou autre spécimen (excluant déplacement)	Local	62,0	76,88	133,92	267,84
70028	C	Prélèvements	Acide pyruvique (prélèvement au chevet et déprotéinisation)	Local	59,0	73,16	127,44	254,88
70029	C	Prélèvements	Phlébotomie thérapeutique (saignée)	Local	19,6	24,304	42,336	84,672
70030	C	Prélèvements	Habillage avec un équipement de protection individuelle (EPI) dans les unités de soins en isolement	Local	2,6	3,224	5,616	11,232
75004	C	D. mol. divers	Contamination maternelle (TAAN)	Supra	192,0	238,08	414,72	829,44
75006	C	D. mol. divers	Extraction ADN ou ARN à partir d'un spécimen clinique	Régional désigné	34,0	42,16	73,44	146,88
75008	C	D. mol. divers	Extraction ADN ou ARN à partir d'un tissu paraffiné	Supra	61,0	75,64	131,76	263,52
75010	C	D. mol. maladie héréditaire	Technique d'analyse des microsatellites (pour disomie uniparentale)	Supra	466,0	577,84	1006,56	2013,12
75020	C	D. mol. maladie héréditaire	Séquençage de l'exome germlinal pour l'investigation des maladies génétiques (SNG)	Supra	408,0	505,92	881,28	1762,56
75022	C	D. mol. maladie héréditaire	Séquençage du génome germlinal pour l'investigation des maladies génétiques dans le cadre du projet Génome Canada (ICSP) (SNG)	Supra	408,0	505,92	881,28	1762,56
75025	C	D. mol. Divers	Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations)	Supra	123,0	152,52	265,68	531,36
75026	C	D. mol. Divers	Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations)	Supra	164,0	203,36	354,24	708,48
75027	C	D. mol. Divers	Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes)	Supra	123,0	152,52	265,68	531,36
75028	C	D. mol. Divers	Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (21-100 gènes)	Supra	164,0	203,36	354,24	708,48
75029	C	D. mol. Divers	Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (101-500 gènes)	Supra	205,0	254,2	442,8	885,6

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
75030	C	D. mol. Divers	Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (>500 gènes)	Supra	247,0	306,28	533,52	1067,04
75032	C	D. mol. Divers	Extraction des acides nucléiques circulants totaux (ADN/ARN)	Supra	100,0	124	216	432
75031	C	D. mol. Divers	Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (1 gène)	Supra	82,0	101,68	177,12	354,24
80007		CTQ	Alcools (acétone, éthanol, isopropanol méthanol) (sérum/urine) (GC-MS)	Supra	51	63,24	110,16	220,32
80065								
80068		CTQ	Aluminium (sérum)	Supra	50,0	62	108	216
80069	C	CTQ	Amitriptyline et nortriptyline (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80074	C	CTQ	Amphétamines (urine) (LC-MS-MS) inclut 6 substances	Supra	98,0	121,52	211,68	423,36
80013	C	CTQ	Dépistage toxicologique profil antidépresseurs tricycliques (sérum/plasma/urine) (LC-MS-MS)	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80014	C	CTQ	Dépistage toxicologique profil antidépresseurs antipsychotiques et non tricycliques (sérum/plasma/urine) (LC-MS-MS)	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80015	C	CTQ	Dépistage toxicologique profil antidépresseurs ISRS (sérum/plasma/urine) (LC-MS-MS)	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80016		CTQ	Antimoine (urine/sang/sérum) (ICP-MS)	Supra	50,0	62	108	216
80017		CTQ	Argent (urine/sang) (ICP-MS)	Supra	50,0	62	108	216
80018		CTQ	Arsenic total (urine/sang) (ICP-MS)	Supra	50,0	62	108	216
80020	C	CTQ	Benzodiazépines (urine) (LC-MS-MS) inclut 23 substances	Supra	98,0	121,52	211,68	423,36
80024		CTQ	Congénères de biphényles polychlorés (BPCs), de polybromés (PBDEs), de toxaphènes et les pesticides organochlorés (plasma/sérum) (GC-MS)	Supra	192,0	238,08	414,72	829,44
80025	C	CTQ	Bromazépam qualitatif (sérum/plasma/urine) (LC-MS-MS)	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80027		CTQ	Cadmium (sang/sérum/urine) (ICP-MS)	Supra	50,0	62	108	216
80028		CTQ	Cannabis (Delta9-tétrahydrocannabinol, Cannabidiol, Cannabinol, Carboxy-delta9-tétrahydrocannabinol, 11-Hydroxy-delta9-tétrahydrocannabinol) (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	82,0	101,68	177,12	354,24
80030		CTQ	Chrome (sang/sérum/urine)	Supra	50,0	62	108	216
80031	C	CTQ	Citalopram (Celexa®) (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80033	C	CTQ	Clomipramine (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80034	C	CTQ	Clozapine et métabolite (sérum) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80036		CTQ	Cobalt (sang/sérum/urine) (ICP-MS)	Supra	50,0	62	108	216
80037		CTQ	Cocaine qualitatif (sang/plasma) (LC-MS-MS) inclut 4 substances	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80038		CTQ	Cotinine (sérum/urine) (LC-MS-MS)	Supra	102,0	126,48	220,32	440,64
80039		CTQ	Cuivre (sérum) (ICP-MS)	Supra	50,0	62	108	216
80040		CTQ	Cyanure (sang) (GC-MS)	Supra	149,0	184,76	321,84	643,68
80041	C	CTQ	Désipramine (Norpramin®) (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80050	C	CTQ	Doxépine (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80052		CTQ	Éthylène glycol (sérum) (GC-MS)	Supra	76,0	94,24	164,16	328,32
80054	C	CTQ	Fer (biopsies) (ICP-MS-MS)	Supra	138,0	171,12	298,08	596,16
80055		CTQ	Fluorure (urine)	Supra	50,0	62	108	216
80057	C	CTQ	Fluoxétine (Prozac®) (sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80059		CTQ	GHB (gamma hydroxybutyrate) (urine) (GC-MS)	Supra	81,0	100,44	174,96	349,92
80060	C	CTQ	Imipramine (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80061		CTQ	Isopropanol (sérum/urine) (GC-MS)	Supra	51,0	63,24	110,16	220,32
80065		CTQ	Manganèse (sang/sérum/urine)	Supra	50	62	108	216
80068		CTQ	Mercure total (sang/urine)	Supra	50	62	108	216
80069		CTQ	Métaux (dépistage quantitatif dans le sang et l'urine) (ICP-MS)	Supra	141	174,84	304,56	609,12
80074		CTQ	Nickel (sang/sérum/urine) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80078	C	CTQ	Nortriptyline (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87	107,88	187,92	375,84
80080		CTQ	Opiacés (urine) (GC-MS) inclut 8 substances	Supra	98	121,52	211,68	423,36
80081		CTQ	Or (sérum) (ICP-MS)	Supra	170	210,8	367,2	734,4
80085	C	CTQ	Phencyclidine (PCP) (urine) (LC-MS-MS)	Supra	87	107,88	187,92	375,84
80088		CTQ	Plomb (sang) (ICP-MS)	Supra	44	54,56	95,04	190,08
80092	C	CTQ	Risperidone (Risperdal®) (sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Supra	87	107,88	187,92	375,84
80093		CTQ	Sélénium (sang/sérum/urine) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80094	C	CTQ	Sertraline (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87	107,88	187,92	375,84
80095		CTQ	Tellure (urine) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80096		CTQ	Thallium (sang/sérum/urine) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80099		CTQ	Dépistage qualitatif de médicaments et drogues (sérum/urine/liquide gastrique) (GC-MS)	Supra	92	114,08	198,72	397,44
80100	C	CTQ	Trazodone (Desyrel®) (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87	107,88	187,92	375,84
80104	C	CTQ	Trimipramine (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80105	C	CTQ	Venlafaxine (sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80106		CTQ	Zinc (sérum) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
80110		CTQ	Acétone (sérum/urine) (GC-MS)	Supra	51	63,24	110,16	220,32
80112		CTQ	Antimoine (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80114		CTQ	Arsenic total (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80115		CTQ	Baryum (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80116		CTQ	Baryum (urine/sang/sérum) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80118		CTQ	Béryllium (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80119		CTQ	Béryllium (sang/sérum) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80120		CTQ	Béryllium (urine) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80121		CTQ	Bismuth (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80122		CTQ	Bismuth (sang/sérum/urine) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80126		CTQ	Cadmium (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80128		CTQ	Chrome (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80129	C	CTQ	Clobazam (sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Supra	87	107,88	187,92	375,84
80130	C	CTQ	Clonazépam (sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Supra	87	107,88	187,92	375,84
80131		CTQ	Cobalt (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80132	C	CTQ	Cuivre (Biopsies) (ICP-MS-MS)	Supra	138	171,12	298,08	596,16
80133		CTQ	Cuivre (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80134		CTQ	Cuivre (sang/urine) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80137		CTQ	Diltiazem (sérum) (LC-MS-MS)	Supra	50	62	108	216
80142		CTQ	Flurazépam (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Supra	77	95,48	166,32	332,64
80143		CTQ	Iode (urine) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80144		CTQ	Lithium (sang/sérum/urine) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80147		CTQ	Manganèse (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80148		CTQ	Mercure total (cheveux/ongles)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80149		CTQ	Métaux (dépistage quantitatif dans les cheveux et les ongles) (ICP-MS)	Supra	138	171,12	298,08	596,16
80150		CTQ	Méthanol (sérum/urine) (GC-MS)	Supra	51	63,24	110,16	220,32
80151		CTQ	Molybdène (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80152		CTQ	Molybdène (sang/sérum/urine) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80154		CTQ	Nickel (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80159		CTQ	Platine (urine) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80160		CTQ	Plomb (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80161		CTQ	Plomb (urine) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80163		CTQ	Sélénium (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80166		CTQ	Tellure (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80168		CTQ	Thallium (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80170		CTQ	Uranium (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80171		CTQ	Uranium (sang/urine) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80172		CTQ	Vanadium (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80173		CTQ	Vanadium (urine) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80175		CTQ	Zinc (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80176		CTQ	Zinc (sang/urine) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80177		CTQ	Zinc protoporphyrine (ZPP) (sang)	Supra	29	35,96	62,64	125,28
80180	C	CTQ	Amiodarone (sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Supra	87	107,88	187,92	375,84
80181		CTQ	Arsenic inorganique (urine) (ICP-MS)	Supra	69	85,56	149,04	298,08
80185		CTQ	Créatinine urinaire	Supra	6	7,44	12,96	25,92
80187		CTQ	Densité urinaire (réfractomètre)	Supra	6,0	7,44	12,96	25,92
80188		CTQ	Dépistage qualitatif de drogues et médicaments en milieu non biologique (GC-MS)	Supra	120,0	148,8	259,2	518,4
80190	C	CTQ	Diphenhydramine (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80191		CTQ	Drogues de rue par méthode immunoenzymatique (amphétamines, barbituriques, benzodiazépines, cannabis, cocaïne, EDDP, fentanyl, opiacés, oxycodone, phencyclidine (résultat semi-quantitatif par drogue recherchée) (urine)	Supra	25,0	31	54	108
80194	C	CTQ	Kétamine (urine) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80200		CTQ	pH (pH mètre)	Supra	6,0	7,44	12,96	25,92
80201	C	CTQ	Procyclidine (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80202	C	CTQ	Prométhazine (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80206		CTQ	Antinéoplasiques (5-fluorouracile, cyclophosphamide, gemcitabine, ifosfamide, irinotécan, méthotrexate, paclitaxel, docetaxel et vinorelbine) (surface de travail) (LC-MS-MS)	Supra	66,0	81,84	142,56	285,12
80208	C	CTQ	Amphétamine (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80211	C	CTQ	Dextrométhorphan (urine) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80212	C	CTQ	Dextrophan (urine) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80213	C	CTQ	Éphédrine/pseudoéphédrine qualitatif (urine) (LC-MS-MS)	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80214		CTQ	Éthanol (sérum/urine) (GC-MS)	Supra	51,0	63,24	110,16	220,32
80220	C	CTQ	MDMA et MDA (urine) (ecstasy) (LC-MS-MS)	Supra	87	107,88	187,92	375,84
80221	C	CTQ	Méthamphétamine et amphétamine (urine) (LC-MS-MS)	Supra	87	107,88	187,92	375,84

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
80248		CTQ	Acide muconique, acide S-Phénylmercaptopurique (S-PMA) (urine) (benzène) (LC-MS-MS)	Supra	67,0	83,08	144,72	289,44
80255	C	CTQ	Bupropion (sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80256		CTQ	Cannabis (métabolite : THC Delta-9-COOH) (urine) (LC/MS/MS)	Supra	114,0	141,36	246,24	492,48
80266		CTQ	Iode (sang/sérum) (ICP-MS)	Supra	50,0	62	108	216
80270	C	CTQ	Mirtazapine (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80277	C	CTQ	Olanzapine (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80284	C	CTQ	Quétiapine (sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80286		CTQ	Spéciation d'arsenic (arsénocholone + arsénobétaine, As +3, As +5, acide diméthylarsinique, acide monométhylarsonique, arsenic inorganique) (UPLC-ICP-MS)	Supra	171,0	212,04	369,36	738,72
80287		CTQ	Tellure (sang) (ICP-MS)	Supra	50,0	62	108	216
80288		CTQ	6-acétylmorphine (urine) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80289		CTQ	Aluminium (sang, urine) (ICP-MS)	Supra	50,0	62	108	216
80291		CTQ	Fentanyl et norfentanyl (urine) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80294		CTQ	Lévomisol qualitatif (urine) (LC-MS-MS)	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80299		CTQ	Méthadone et EDDP (urine) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80302		CTQ	Acide S-Benzylmercaptopurique (toluène) (urine) (LC-MS-MS)	Supra	67,0	83,08	144,72	289,44
80304		CTQ	Composés perfluorés (PFBS, PFHxS, PFOS, PFBA, PFHxA, PFOA, PFNA, PFDA, PFUDA (plasma/sérum) (LC-MS-MS)	Supra	72,0	89,28	155,52	311,04
80305		CTQ	Métabolites des phtalates (MMP, MEP, 2-OH-MiBP, MiBP, MnBP, MCHP, MCHpP, MBzP, MEHP, MEHHP, MEOHP, MECPP, MCPP, MOP, MINP, MCINP, MCIOP, MCMHP, MHBp, MHIDP, MHINP, MIDP, MOIDP, MOINP) (urine) (LC-MS-MS)	Supra	114,0	141,36	246,24	492,48
80310	C	CTQ	Dépistage toxicologique profil benzodiazépines (sérum/plasma/urine) (LC-MS-MS)	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80312	C	CTQ	Duloxétine (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80317	C	CTQ	9-hydroxyrispéridone (Palipéridone ou Invega) (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80346	C	CTQ	Cocaine (inclut le métabolite benzoylégonine) (quantitatif) (urine) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80347		CTQ	Métabolites des pyréthrinoides (cis-DCCA, trans-DCCA, cis-DBCA, 4-F-3-PBA, 3-PBA) (urine) (GC-MS)	Supra	88,0	109,12	190,08	380,16
80350		CTQ	Alkylphosphates (DEDTP, DEP, DETP, DMDTP, DMP, DMTP) (urine) (APGC-MS-MS)	Supra	68,0	84,32	146,88	293,76
80351		CTQ	Bore (urine) (ICP-MS-MS)	Supra	76,0	94,24	164,16	328,32
80352		CTQ	Buprénorphine, métabolites et naloxone qualitatif (urine) (LC-MS-MS)	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80353		CTQ	Dépistage qualitatif des xénobiotiques et métabolites (sang/sérum/plasma/urine/liquides) (LC-MS-MS) inclut 290+ substances	Supra	81,0	100,44	174,96	349,92
80363	C	CTQ	Escitalopram (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80365		CTQ	Hallucinogènes et psychédéliques (qualitatif) (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS), inclut LSD, LSZ, 25B, 25C, 25H, 25I-NBOMe, diméthyltryptamine, mescaline, psilocin	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80367		CTQ	Mytragrine qualitatif (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS)	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80368		CTQ	Méthylphénidate et acide ritalinique qualitatif (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS)	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80369		CTQ	Méthqualone qualitatif (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS)	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80371	C	CTQ	Contaminants des opioïdes (qualitatif) (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS) inclut xylazine et médétomidine	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80373		CTQ	Acétylfentanyl (qualitatif) (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	65	80,6	140,4	280,8
80374	C	CTQ	Buprénorphine (sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Supra	87	107,88	187,92	375,84
80384	C	CTQ	Méthadone (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87	107,88	187,92	375,84
80385	C	CTQ	Morphine (sérum/plasma) (LC-MS-MS)	Supra	87	107,88	187,92	375,84
80394		CTQ	Spéciation mercure (méthylmercure) (GC-ICP-MS)	Supra	88	109,12	190,08	380,16
80395		CTQ	Arsenic total (sérum) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80396		CTQ	Platine (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80397		CTQ	Thorium (cheveux/ongles) (ICP-MS)	Supra	80	99,2	172,8	345,6
80398		CTQ	Tungstène (urine) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80399		CTQ	Vanadium (sang/sérum) (ICP-MS)	Supra	50	62	108	216
80400	C	CTQ	Aripiprazole (sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Supra	87	107,88	187,92	375,84
80401		CTQ	Carfentanyl qualitatif (sang/sérum) (LC-MS-MS)	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80402		CTQ	Carfentanyl et norcarfentanyl qualitatif (urine) (LC-MS-MS)	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80403		CTQ	Furanylfentanyl qualitatif (urine) (LC-MS-MS)	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80404		CTQ	U-47700 qualitatif (urine) (LC-MS-MS)	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80405		CTQ	PCP, 3-MeO-PCP et 4-MeO-PCP qualitatif (urine) (LC-MS-MS)	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80406		CTQ	MDPV (qualitatif) (sels de bain) (sérum/urine) (LC-MS-MS)	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80409		CTQ	Thorium (sang/urine) (ICP-MS)	Supra	50,0	62	108	216

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
80410		CTQ	Dépistage haute sensibilité des opioïdes, fentanyl et dérivés et nitazènes (qualitatif) (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS) inclut 48 substances	Supra	81,0	100,44	174,96	349,92
80411		CTQ	Triclosan, BPA et ses analogues (BPB, BPE, BPF, BPS, BPZ, BP4,4', BPAF) (urine) (LC-MS-MS)	Supra	140,0	173,6	302,4	604,8
80412		CTQ	Glyphosate, glufosinate et leurs métabolites (AMPA et 3-MPPA) (urine) (LC-MS-MS)	Supra	111,0	137,64	239,76	479,52
80413		CTQ	Aluminium (dialysat)	Supra	150,0	186	324	648
80414		CTQ	Fluorure (sérum)	Supra	103,0	127,72	222,48	444,96
80415		CTQ	Métabolites du benzène et du toluène (urine) (LC-MS-MS)	Supra	122,0	151,28	263,52	527,04
80419		CTQ	Cérium (urine) (ICP-MS-MS)	Supra	50,0	62	108	216
80420		CTQ	Lanthane (urine) (ICP-MS-MS)	Supra	50,0	62	108	216
80421		CTQ	Yttrium (urine) (ICP-MS-MS)	Supra	50,0	62	108	216
80422		CTQ	Praséodyme (urine) (ICP-MS-MS)	Supra	50,0	62	108	216
80423		CTQ	Néodyme (urine) (ICP-MS-MS)	Supra	50,0	62	108	216
80424		CTQ	Gadolinium (urine) (ICP-MS-MS)	Supra	50,0	62	108	216
80425		CTQ	Brome (sang) (ICP-MS-MS)	Supra	50,0	62	108	216
80426		CTQ	Cuivre et fer (biopsie) (ICP-MS-MS)	Supra	138,0	171,12	298,08	596,16
80427		CTQ	Acide 2,4-dichlorophénoxyacétique (2,4-D), acide 2,4,5-trichlorophénoxyacétique (2,4,5-T), Dicamba, métabolite du pirimiphos (DEAMPY), métabolite du diazinon (IMPY), Métabolite du malathion (MDA), métabolite du parathion (4-nitrophénol), métabolite du chlorpyrifos (3,5,6-trichloropyridinol) et métabolites des pyréthrinoides (cis-DCCA, trans-DCCA, cis-DBCA, 4-F-3-PBA, 3-PBA) (urine) (UPLC-MS-MS)	Supra	175,0	217	378	756
80428		CTQ	Confirmation médicaments et drogues	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
80429		CTQ	Confirmation médicaments et drogues, multianalytes	Supra	103,0	127,72	222,48	444,96
80430		CTQ	Césium (urine) (ICP-MS)	Supra	53,0	65,72	114,48	228,96
80432		CTQ	Platines solubles (surface de travail) (ICP-MS)	Supra	50,0	62	108	216
80433		CTQ	Brexpiprazole (plasma) (UPLC-MS-MS)	Supra	86,0	106,64	185,76	371,52
80434		CTQ	Cariprazine (plasma) (UPLC-MS-MS)	Supra	86,0	106,64	185,76	371,52
80435		CTQ	Flupentixol (plasma) (UPLC-MS-MS)	Supra	86,0	106,64	185,76	371,52
80436		CTQ	Fluphénazine (plasma) (UPLC-MS-MS)	Supra	86,0	106,64	185,76	371,52
80437		CTQ	Halopéridol et métabolite (plasma) (UPLC-MS-MS)	Supra	86,0	106,64	185,76	371,52
80438		CTQ	Lurasidone (plasma) (UPLC-MS-MS)	Supra	86,0	106,64	185,76	371,52
80439		CTQ	Ziprasidone (plasma) (UPLC-MS-MS)	Supra	86,0	106,64	185,76	371,52
80440		CTQ	Zuclopenthixol (plasma) (UPLC-MS-MS)	Supra	86,0	106,64	185,76	371,52
80441		CTQ	Dosage médicaments bloc A, multianalytes	Supra	98,0	121,52	211,68	423,36
80442		CTQ	Dosage médicaments bloc C, multianalytes	Supra	98,0	121,52	211,68	423,36
80443		CTQ	Dosage médicaments bloc D, multianalytes	Supra	98,0	121,52	211,68	423,36
80444		CTQ	Dosage médicaments bloc E, multianalytes	Supra	98,0	121,52	211,68	423,36
80446		CTQ	Dépistage toxicologique profil Amphétamines (sérum/plasma/urine) (LC-MS-MS)	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
80447		CTQ	Contaminants de la cocaïne (qualitatif) (sang/plasma/urine) (LC-MS-MS) inclut levamisole, phénacétine et lidocaïne	Supra	65,0	80,6	140,4	280,8
81000	C	LSPQ - bact.	Identification bactérienne (ARN 16S) sur spécimen clinique à culture négative	Supra	106,0	131,44	228,96	457,92
81001		LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif fermentaire (entérique); identification (phénotypie, séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81002		LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif fermentaire (entérique); antibiogramme (microdilution en bouillon, epsilométrie)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81003		LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif non fermentaire (BNF); identification (spectrométrie de masse – MALDI-TOF, séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81004		LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif non fermentaire (BNF); antibiogramme (microdilution en bouillon, epsilométrie)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81005	C	LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif producteur de carbapénémase (BGNPC); analyse des souches discordantes (TAAN)	Supra	54,0	66,96	116,64	233,28
81010		LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram positif (autre qu'anaérobie); identification (séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81011		LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram positif (autre qu'anaérobie); antibiogramme (microdilution en bouillon)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81013	N	LSPQ - bact.	B-lactamase (antibiogramme)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81014	N	LSPQ - bact.	Brucella; confirmation (anticorps) sur sérum - (test au 2-mercaptoéthanol)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81015		LSPQ - bact.	Cocci Gram positif (autre qu'anaérobie, S. aureus et S. pneumoniae); identification (séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81016		LSPQ - bact.	Cocci Gram positif (autre qu'anaérobie, S. aureus et S. pneumoniae); antibiogramme (dilution en bouillon)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81017		LSPQ - bact.	Cocci Gram négatif (autre qu'anaérobie et Neisseriaceae); identification (séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81018	N	LSPQ - bact.	Antibiogramme (epsilométrie)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81019	N	LSPQ - bact.	Détection de la résistance (diffusion en disque)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
81020	C	LSPQ - bact.	Anaérobies; identification (spectrométrie de masse - MALDI-TOF, séquençage)	Supra	43,0	53,32	92,88	185,76
81021	C	LSPQ - bact.	Anaérobies; antibiogramme (dilution en agar)	Supra	93,0	115,32	200,88	401,76
81022	N	LSPQ - bact.	D-test; antibiogramme	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81023	N	LSPQ - bact.	Agar Screen	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81024	C	LSPQ - bact.	Identification bactérienne (ARN 16S) (séquençage) sur colonie	Supra	80,0	99,2	172,8	345,6
81030		LSPQ - bact.	Campylobacter spp.; confirmation (spectrométrie de masse - MALDI-TOF, séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81031		LSPQ - bact.	<i>Escherichia coli</i> producteur de Shiga-toxines (STEC) O157:H7 et O157H non mobile; programme de surveillance	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81032		LSPQ - bact.	<i>Listeria monocytogenes</i> ; programme de surveillance	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81033		LSPQ - bact.	<i>Salmonella</i> spp.; programme de surveillance	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81034		LSPQ - bact.	<i>Shigella</i> spp.; programme de surveillance	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81035		LSPQ - bact.	<i>Vibrio cholerae</i> ; identification et sérogroupage (phénotypie)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81036		LSPQ - bact.	<i>Vibrio cholerae</i> ; antibiogramme (epsilométrie)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81038		LSPQ - bact.	<i>Escherichia coli</i> producteur de Shiga-toxines (STEC) autre que O157; isolement, identification (TAAN, sérotypage) sur bouillon, programme de surveillance	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81039	N	LSPQ - bact.	Entérocoques; antibiogramme - Vancomycine (microdilution en bouillon)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81040		LSPQ - bact.	<i>Enterococcus</i> spp.; identification (séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81041		LSPQ - bact.	<i>Enterococcus</i> spp.; antibiogramme (microdilution en bouillon)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81042		LSPQ - bact.	<i>Entérocoques</i> spp.; détection des gènes van A-G (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81043		LSPQ - bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (<i>Clostridium difficile</i>); confirmation (TAAN et ribotypage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81044		LSPQ - bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (<i>Clostridium difficile</i>); investigation d'éclosion (typage, EGCP)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81045		LSPQ - bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (<i>Clostridium difficile</i>); programme de surveillance	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81046	N	LSPQ - bact.	Séquençage du génome entier; extraction	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81047	N	LSPQ - bact.	Séquençage du génome entier	Supra	8,1	10,044	17,496	34,992
81048	N	LSPQ - bact.	Streptocoque du groupe A; séquençage du génome entier	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81050		LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; détection mecA (SARM) (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81051		LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; détection PVL (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81052		LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; confirmation SARM-AC (typage spa)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81053		LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; détection toxine tsst-1 (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81054		LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> (incluant SARM); antibiogramme – vancomycine seulement (microdilution en bouillon)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81055		LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> (incluant SARM); antibiogramme – panel complet (microdilution en bouillon)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81056		LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> (incluant SARM); investigation d'éclosion (typage, EGCP)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81057		LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; programme de surveillance SARM	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81060		LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pyogenes</i> ; programme de surveillance (séquençage emm)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81061	N	LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; antibiogramme - Oxacilline (microdilution en bouillon)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81063		LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81064		LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; identification (phénotypie) sur colonie	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81065		LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; sérogroupage (agglutination)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81066		LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; antibiogramme (microdilution en bouillon)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81067		LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; programme de surveillance	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81069	C	LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; confirmation (TAAN) sur spécimen primaire	Supra	30,0	37,2	64,8	129,6
81070		LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; identification (phénotypie) sur colonie	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81071	C	LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; antibiogramme (dilution en agar)	Supra	168,0	208,32	362,88	725,76
81072		LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; programme de surveillance	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81073		LSPQ - bact.	<i>Neisseria</i> spp. autres que <i>N. gonorrhoeae</i> et <i>N. meningitidis</i> ; identification (phénotypie) sur colonie	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81074		LSPQ - bact.	<i>Neisseria</i> spp. autres que <i>N. gonorrhoeae</i> et <i>N. meningitidis</i> ; antibiogramme (microdilution en bouillon)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81076		LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; détection (TAAN) sur liquide biologique stérile	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81080		LSPQ - bact.	<i>Legionella</i> spp.; détection (TAAN) sur spécimen primaire	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81081		LSPQ - bact.	<i>Legionella</i> spp.; identification (TAAN, spectrométrie de masse – MALDI-TOF, sérogroupage) sur colonie	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81082		LSPQ - bact.	<i>Legionella</i> spp.; investigation d'éclosion	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81084	N	LSPQ - bact.	<i>Legionella pneumophila</i> ; sérogroupage (agglutination)	Supra	87,0	107,88	187,92	375,84
81086		LSPQ - bact.	<i>Bordetella pertussis</i> ; identification (phénotypie)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81087		LSPQ - bact.	<i>Haemophilus influenzae</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81088		LSPQ - bact.	<i>Haemophilus influenzae</i> ; détermination du type capsulaire (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
81089		LSPQ - bact.	<i>Haemophilus influenzae</i> ; programme de surveillance	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81090		LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81091		LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; sérotypage (Quellung) sur colonie	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81092		LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; identification (séquençage) sur colonie	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81093		LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; antibiogramme (microdilution en bouillon)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81094		LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; programme de surveillance	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81095	N	LSPQ - bact.	Polymorphismes nucléotidiques simples (SNP); génotypage	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81099	C	LSPQ - bact.	Investigation d'éclosion bactérienne (EGCP, FTIR)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
81100	N	LSPQ - bact.	Envoi à l'extérieur; Plan d'intervention d'urgence	Supra	706,0	875,44	1524,96	3049,92
81101	N	LSPQ - bact.	Envoi à l'extérieur	Supra	53,0	65,72	114,48	228,96
82000	N	LSPQ - bact. spéciale	<i>Yersinia pestis</i> ; sensibilité au phage	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82001		LSPQ - bact. spéciale	<i>Bacillus anthracis</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82002		LSPQ - bact. spéciale	<i>Bacillus anthracis</i> ; identification (TAAN, bactériophage) sur culture *GR3*	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82003		LSPQ - bact. spéciale	<i>Brucella spp.</i> ; identification (TAAN, bactériophage) sur culture *GR3*	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82004		LSPQ - bact. spéciale	<i>Brucella spp.</i> ; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82005		LSPQ - bact. spéciale	<i>Burkholderia pseudomallei</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82006		LSPQ - bact. spéciale	<i>Burkholderia pseudomallei</i> ; identification (séquençage) sur culture *GR3*	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82007		LSPQ - bact. spéciale	<i>Francisella tularensis</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82008		LSPQ - bact. spéciale	<i>Francisella tularensis</i> ; identification (TAAN) sur culture *GR3*	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82009		LSPQ - bact. spéciale	<i>Francisella tularensis</i> ; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82010		LSPQ - bact. spéciale	<i>Yersinia pestis</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82011		LSPQ - bact. spéciale	<i>Yersinia pestis</i> ; identification (TAAN, IF) sur culture *GR3*	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82013		LSPQ - bact. spéciale	<i>Clostridium botulinum</i> ; isolement, identification, toxinotypie (neutralisation)	Supra	1	1,24	2,16	4,32
82014		LSPQ - bact. spéciale	<i>Brucella spp.</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	Supra	1	1,24	2,16	4,32
82015		LSPQ - bact. spéciale	<i>Corynebacterium diphtheriae</i> ; recherche et production de toxine (TAAN, test d'Elek)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82016	C	LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (maladie de Lyme acquise en Amérique du Nord); 2e volet (ELISA IgG)	Supra	20,0	24,8	43,2	86,4
82017	C	LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (maladie de Lyme acquise en Amérique du Nord); 2e volet (ELISA IgM)	Supra	29,0	35,96	62,64	125,28
82018	C	LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia garinii</i> et <i>Borrelia afzelii</i> (maladie de Lyme acquise en Europe ou en Asie); 2e volet (immunoblot IgG)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82020	C	LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (maladie de Lyme acquise en Amérique du Nord); 1er volet (ELISA IgM/IgG)	Supra	16,6	20,584	35,856	71,712
82021		LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (Lyme); détection (ELISA IgG) sur liquide céphalo-rachidien (LCR)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82022		LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (Lyme); détection et génotypage (TAAN) sur spécimen primaire	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82023		LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia garinii</i> et <i>Borrelia afzelii</i> (maladie de Lyme acquise en Europe); 1er volet (ELISA IgM/IgG)	Supra	15,6	19,344	33,696	67,392
82025		LSPQ - bact. spéciale	Borrelioses récurrentes; détection genre <i>Borrelia</i> dont <i>B. hermsii</i> et <i>B. miyamotoi</i> (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82026		LSPQ - bact. spéciale	<i>Leptospira spp.</i> ; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82027		LSPQ - bact. spéciale	<i>Leptospira spp.</i> ; détection (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82028		LSPQ - bact. spéciale	<i>Coxiella burnetii</i> (fièvre Q); détection (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82029		LSPQ - bact. spéciale	<i>Bartonella spp.</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82030		LSPQ - bact. spéciale	<i>Orientia tsutsugamushi</i> ; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82031		LSPQ - bact. spéciale	<i>Rickettsia spp.</i> (groupe des fièvres pourprées); détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82032		LSPQ - bact. spéciale	<i>Rickettsia spp.</i> (groupe des fièvres pourprées); détection (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82033		LSPQ - bact. spéciale	<i>Rickettsia spp.</i> (groupe des typhus); détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
82034		LSPQ - bact. spéciale	<i>Rickettsia</i> spp. (groupe des typhus); détection (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82035		LSPQ - bact. spéciale	<i>Anaplasma phagocytophilum</i> ; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82036	C	LSPQ - bact. spéciale	<i>Anaplasma phagocytophilum</i> ; détection (TAAN)	Supra	41,0	50,84	88,56	177,12
82037		LSPQ - bact. spéciale	<i>Ehrlichia chaffeensis</i> ; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82038		LSPQ - bact. spéciale	<i>Ehrlichia chaffeensis</i> ; détection (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82039		LSPQ - bact. spéciale	<i>Orientia tsutsugamushi</i> ; détection (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82040		LSPQ - bact. spéciale	Syphilis; confirmation (anticorps) sur sérum	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82041		LSPQ - bact. spéciale	Syphilis; détection (VDRL) sur LCR	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82042		LSPQ - bact. spéciale	Syphilis; détection (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82045	N	LSPQ - bact. spéciale	<i>Orientia tsutsugamushi</i> ; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82050		LSPQ - bact. spéciale	<i>Chlamydia trachomatis</i> LGV; détection et génotypage (TAAN) sur spécimen primaire	Supra	26,0	32,24	56,16	112,32
82051		LSPQ - bact. spéciale	<i>Chlamydophila pneumoniae</i> ; détection (TAAN) sur spécimen respiratoire	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82052		LSPQ - bact. spéciale	<i>Chlamydophila psittaci</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82059		LSPQ - bact. spéciale	<i>Haemophilus ducreyi</i> ; détection (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
82061		LSPQ - bact. spéciale	<i>Mycoplasma genitalium</i> ; détection de résistance (TAAN) sur spécimen primaire	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83002		LSPQ - virologie	Adénovirus; génotypage (séquençage) sur isolats viraux	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83003		LSPQ - virologie	Zika, Dengue, Chikungunya; détection (TAAN)(multiplex) sur sérum, LCR, urine, liquide amniotique	Supra	46,0	57,04	99,36	198,72
83004		LSPQ - virologie	Zika; détection (TAAN) sur placenta	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83005	C	LSPQ - virologie	Zika; détection (anticorps)	Supra	63,0	78,12	136,08	272,16
83006	C	LSPQ - virologie	Dengue; détection (anticorps)	Supra	31,0	38,44	66,96	133,92
83007		LSPQ - virologie	Chikungunya; détection (ELISA IgM) sur sérum	Supra	16,6	20,584	35,856	71,712
83008	C	LSPQ - virologie	Chikungunya; détection (ELISA IgG) sur sérum	Supra	78,0	96,72	168,48	336,96
83009		LSPQ - virologie	Virus du Nil occidental (VNO); détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83010		LSPQ - virologie	Virus du Nil occidental (VNO); détection (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83011		LSPQ - virologie	Sérogroupe Californie (Jamestown canyon, Snowshoe hare); détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83012		LSPQ - virologie	Cache Valley; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83013		LSPQ - virologie	Powassan; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83014		LSPQ - virologie	Chorioméningite lymphocytaire (VCML); détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83015		LSPQ - virologie	Chorioméningite lymphocytaire (VCML); détection (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83016		LSPQ - virologie	Encéphalite à tiques; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83017		LSPQ - virologie	Encéphalite équine de l'est; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83018		LSPQ - virologie	Encéphalite japonaise; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83019		LSPQ - virologie	Fièvre jaune; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83020		LSPQ - virologie	Hantavirus; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83021		LSPQ - virologie	Hantavirus; détection (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83030		LSPQ - virologie	Hépatite A (VHA); génotypage (séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83031		LSPQ - virologie	Hépatite B (VHB); test supplémentaire (anti-HBc) (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83032		LSPQ - virologie	Hépatite B (VHB); confirmation (HBsAg) (antigène)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83033		LSPQ - virologie	Hépatite B (VHB); génotypage (séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83034		LSPQ - virologie	Hépatite B (VHB); résistance aux antiviraux (séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83036		LSPQ - virologie	Hépatite C (VHC); génotypage (séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83037		LSPQ - virologie	Hépatite C (VHC); résistance aux antiviraux (séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83038		LSPQ - virologie	Hépatite D (VHD); détection (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83040		LSPQ - virologie	Hépatite E (VHE); détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83041		LSPQ - virologie	Hépatite E (VHE); génotypage (séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83042		LSPQ - virologie	Hépatite D (VHD); détection (anticorps)	Supra	21,0	26,04	45,36	90,72
83043	C	LSPQ - virologie	RITA : Algorithme d'épreuves de laboratoire pour l'identification des infections récentes par le VIH	Supra	70,0	86,8	151,2	302,4
83044		LSPQ - virologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH); confirmation (anticorps et/ou antigène) sur sérum	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83047		LSPQ - virologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH); ADN proviral (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83048		LSPQ - virologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH-2); charge virale (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83049		LSPQ - virologie	HTLV 1 et 2; confirmation (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire publique canadien	Laboratoire privé
83050		LSPQ - virologie	Influenza A et B; détection (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83051	C	LSPQ - virologie	Influenza A; sous-typage (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	43,0	53,32	92,88	185,76
83052		LSPQ - virologie	Influenza A; caractérisation antigénique (inhibition de l'hémagglutination)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83053	C	LSPQ - virologie	Influenza A aviaire (H5, H7, H9); détection (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	219,0	271,56	473,04	946,08
83054		LSPQ - virologie	Coronavirus (MERS-CoV); détection (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83055	C	LSPQ - virologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	31,0	38,44	66,96	133,92
83056		LSPQ - virologie	Pathogènes respiratoires; détection multiplex 18 virus et 3 bactéries (TAAN homologué); programme de surveillance	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83057	C	LSPQ - virologie	Influenza A; confirmation (TAAN) sur spécimen clinique (soins critiques)	Supra	40,0	49,6	86,4	172,8
83060		LSPQ - virologie	Gastroentérite d'allure virale; détection de virus entériques (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83061	C	LSPQ - virologie	Pathogènes entériques; détection multiplex (virus, bactéries et parasites) (TAAN homologué) sur spécimen clinique	Supra	198,0	245,52	427,68	855,36
83062	N	LSPQ - virologie	Suspicion de fièvre virale hémorragique: détection de 19 pathogènes (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	775,0	961	1674	3348
83065		LSPQ - virologie	BK/JC polyomavirus; détection (TAAN) sur LCR, biopsie	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83069		LSPQ - virologie	Entérovirus; détection et génotypage (sauf poliovirus) (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83070		LSPQ - virologie	Poliovirus; détection et génotypage (séquençage) sur spécimen clinique	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83075		LSPQ - virologie	Herpès B; détection (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83076		LSPQ - virologie	Virus de la varicelle et du zona (VZV): génotypage souche vaccinale (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83084	N	LSPQ - virologie	Oreillons; génotypage (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83085		LSPQ - virologie	Rougeole; génotypage (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83086		LSPQ - virologie	Rubéole; (IgG) (mesure de l'avidité)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83087		LSPQ - virologie	Rubéole; détection et génotypage (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83088	C	LSPQ - virologie	Oreillons; détection (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	69,0	85,56	149,04	298,08
83089	C	LSPQ - virologie	Orthopoxvirus simien; détection (TAAN)	Supra	69,0	85,56	149,04	298,08
83090		LSPQ - virologie	Molluscum contagiosum; détection (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83091		LSPQ - virologie	Rage; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83092		LSPQ - virologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2) : confirmation (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83094		LSPQ - virologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2) : séquençage prioritaire	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83095	C	LSPQ - virologie	MPOX; différenciation clade I et II (TAAN)	Supra	55,0	68,2	118,8	237,6
83096	N	LSPQ - virologie	Arbovirus; confirmation (anticorps) sur sérum	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83098		LSPQ - virologie	Virus du papillome humain (VPH) – types muqueux (génotypage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
83099		LSPQ - virologie	Virus du papillome humain (VPH) – types cutanés (génotypage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
84001		LSPQ - mycobact. - actino.	Actinomycètes aérobies; identification (séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
84002		LSPQ - mycobact. - actino.	Actinomycètes aérobies; antibiogramme (microdilution en bouillon)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
84003		LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Nocardia</i> spp; identification (séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
84004		LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Nocardia</i> spp; antibiogramme (microdilution en bouillon)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
84005		LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; confirmation (délétion, séquençage) sur culture *GR3*	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
84006		LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; antibiogramme (concentration critique) sur culture *GR3*	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
84008		LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; détection des gènes de résistance (séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
84009		LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; typage moléculaire (séquençage) sur culture *GR3*	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
84010		LSPQ - mycobact. - actino.	Mycobactéries non tuberculeuses; identification (délétion, séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
84011		LSPQ - mycobact. - actino.	Mycobactéries non tuberculeuses; antibiogramme (microdilution en bouillon)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
84012	N	LSPQ - mycobact. - actino.	Mycobactéries non tuberculeuses à croissance lente; antibiogramme (microdilution en bouillon)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
84014	N	LSPQ - mycobact. - actino.	Analyse génomique des agrégats et d'éclosions du complexe <i>M. tuberculosis</i> (prédiction génomique de la résistance aux antiTB)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
84015	N	LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; antibiogramme (confirmation de résistance INH) sur culture *GR3*	Supra	353,0	437,72	762,48	1524,96
86001	C	LSPQ - parasito.	Parasites intestinaux; identification microscopique (coloration permanente / hématoxyline-ferrique)	Supra	63,0	78,12	136,08	272,16
86002	C	LSPQ - parasito.	Parasites intestinaux (coccidies); identification microscopique (coloration permanente / Kinyoun-modifié)	Supra	60,0	74,4	129,6	259,2

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
86004	C	LSPQ - parasito.	Parasites intestinaux (microsporidies); identification microscopique (coloration permanente / trichrome-modifié)	Supra	76,0	94,24	164,16	328,32
86006		LSPQ - parasito.	<i>Entamoeba histolytica</i> (amibiase); détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86007	C	LSPQ - parasito.	Parasites intestinaux; identification microscopique (concentration et coloration à l'iode)	Supra	56,0	69,44	120,96	241,92
86010		LSPQ - parasito.	Vers; identification macroscopique	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86011	C	LSPQ - parasito.	Ectoparasites (arthropodes autres que tiques); identification (microscopie)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86012	N*	LSPQ - parasito.	Tiques: identification (microscopie)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86023		LSPQ - parasito.	<i>Baylisascaris procyonis</i> ; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86027		LSPQ - parasito.	<i>Taenia solium</i> (cysticercose); détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86028		LSPQ - parasito.	<i>Taenia solium</i> (cysticercose); détection (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86029		LSPQ - parasito.	<i>Echinococcus granulosus</i> ; identification (microscopie)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86030		LSPQ - parasito.	<i>Echinococcus granulosus</i> ; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86031	C	LSPQ - parasito.	<i>Echinococcus granulosus</i> et <i>E. multilocularis</i> ; détection (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86032		LSPQ - parasito.	<i>Paragonimus</i> spp.; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86033	C	LSPQ - parasito.	<i>Strongyloides</i> ; détection (ELISA IgG) sur sérum	Supra	12,0	14,88	25,92	51,84
86035		LSPQ - parasito.	<i>Gnathostoma spinigerum</i> ; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86036		LSPQ - parasito.	<i>Fasciola hepatica</i> ; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86051		LSPQ - parasito.	<i>Plasmodium</i> sp (malaria); détection (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86052		LSPQ - parasito.	<i>Plasmodium</i> sp (malaria); détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86054		LSPQ - parasito.	<i>Babesia microti</i> ; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86055		LSPQ - parasito.	<i>Babesia</i> spp.; détection (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86058	N	LSPQ - parasito.	<i>Cyclospora cayetanensis</i> (programme de surveillance)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86064		LSPQ - parasito.	Filaires (filarioses) : détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86065	N	LSPQ - parasito.	Filaires (<i>Wuchereria bancrofti</i>) (antigènes)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86069		LSPQ - parasito.	<i>Leishmania</i> spp. (culture)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86070		LSPQ - parasito.	<i>Leishmania</i> spp.; détection (anticorps)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86071		LSPQ - parasito.	<i>Leishmania</i> spp.; détection (TAAN)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
86073	C	LSPQ - parasito.	<i>Schistosoma</i> ; détection (ELISA IgG) sur sérum	Supra	10,3	12,772	22,248	44,496
86074		LSPQ - parasito.	<i>Toxocara</i> spp.; détection (anticorps)	Supra	1	1,24	2,16	4,32
86075		LSPQ - parasito.	<i>Trichinella</i> spp.; détection (anticorps)	Supra	1	1,24	2,16	4,32
86076		LSPQ - parasito.	<i>Trypanosoma brucei</i> (trypanosomiase africaine); détection (anticorps)	Supra	1	1,24	2,16	4,32
86077		LSPQ - parasito.	<i>Trypanosoma brucei</i> (trypanosomiase africaine); détection (TAAN)	Supra	1	1,24	2,16	4,32
86078		LSPQ - parasito.	<i>Trypanosoma cruzi</i> (trypanosomiase américaine); détection (anticorps)	Supra	1	1,24	2,16	4,32
86079		LSPQ - parasito.	<i>Trypanosoma cruzi</i> (trypanosomiase américaine); détection (TAAN)	Supra	1	1,24	2,16	4,32
86080		LSPQ - parasito.	<i>Toxoplasma gondii</i> ; confirmation (IgG-IgM) (anticorps)	Supra	1	1,24	2,16	4,32
86081		LSPQ - parasito.	<i>Toxoplasma gondii</i> ; avidité (IgG) (anticorps)	Supra	1	1,24	2,16	4,32
86082		LSPQ - parasito.	<i>Toxoplasma gondii</i> ; détection (TAAN) sur spécimen clinique	Supra	1	1,24	2,16	4,32
87000	N	LSPQ - mycologie	Levures; identification au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse - MALDI-TOF)	Supra	5,5	6,82	11,88	23,76
87001		LSPQ - mycologie	Levures; identification (spectrométrie de masse - MALDI-TOF, séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
87002		LSPQ - mycologie	Levures; antifongogramme (microdilution en bouillon)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
87003	C	LSPQ - mycologie	<i>Candida auris</i> ; confirmation (MALDI) et séquençage; test de sensibilité et séquençage génomique (LNM)	Supra	30,0	37,2	64,8	129,6
87004		LSPQ - mycologie	Levures; investigation d'éclosion (typage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
87018		LSPQ - mycologie	(1-3)-β-D-glucane sérique (dosage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
87020		LSPQ - mycologie	Champignons filamenteux; identification (microscopie, séquençage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
87021		LSPQ - mycologie	Champignons filamenteux; antifongogramme (microdilution en bouillon)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
87022		LSPQ - mycologie	Champignons filamenteux; investigation d'éclosion (typage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
87030		LSPQ - mycologie	Champignons dimorphes; détection (TAAN) sur spécimen primaire *GR3*	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
87031		LSPQ - mycologie	Champignons dimorphes; identification (TAAN, microscopie) sur colonie *GR3*	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
87034	C	LSPQ - mycologie	Coccidioides immitis; détection (anticorps)	Supra	100,0	124	216	432
87050		LSPQ - mycologie	<i>Pneumocystis</i> ; détection (TAAN quantitatif)	Supra	48,0	59,52	103,68	207,36
87051		LSPQ - mycologie	<i>Pneumocystis</i> ; investigation d'éclosion (génotypage)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
88002		LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; dénombrement bactérien (membrane filtrante)	Supra	22,0	27,28	47,52	95,04
88003		LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; endotoxines bactériennes (LAL Gel-Clot)	Supra	18,8	23,312	40,608	81,216
88004		LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; anions (chromatographie ionique)	Supra	25,0	31	54	108

Code	N*	Sous-section	Description	Hiérarchie	VP	Laboratoire du RSSS	Laboratoire public canadien	Laboratoire privé
88005		LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; chlore résiduel total (titrimétrie)	Supra	13,5	16,74	29,16	58,32
88006	C	LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; carbone organique total (oxydation)	Supra	38,0	47,12	82,08	164,16
88007	C	LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; métaux (en sous-traitance)	Supra	156,0	193,44	336,96	673,92
88008	C	LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; pH (électrométrie)	Supra	29,0	35,96	62,64	125,28
88009	C	LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; conductivité (électrométrie)	Supra	14,7	18,228	31,752	63,504
88010	C	LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; silice réactive (colorimétrie)	Supra	43,0	53,32	92,88	185,76
88011		LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; dureté totale (en sous-traitance)	Supra	47,0	58,28	101,52	203,04
90000		PNR	Procédures non répertoriées (PNR)	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32
95000		PNR	Coût en \$\$ des PNR	Supra	1,0	1,24	2,16	4,32